International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances (INN)

Notice is hereby given that, in accordance with article 3 of the Procedure for the Selection of Recommended International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances, ramantthe names given in the list on the following pages are under consideration by the World Health Organization as Proposed International Nonproprietary Names. The inclusion of a name in the lists of Proposed International Nonproprietary Names does not imply any recommendation of the use of the substance in medicine or pharmacy.

Lists of Proposed (1–117) and Recommended (1–78) International Nonproprietary Names can be found in *Cumulative List No. 17, 2017* (available in CD-ROM only). The statements indicating action and use are based largely on information supplied by the manufacturer. **This information is merely meant to provide an indication of the potential use of new substances at the time they are accorded Proposed International Nonproprietary Names**. WHO is not in a position either to uphold these statements or to comment on the efficacy of the action claimed. Because of their provisional nature, these descriptors will neither be revised **nor included in the Cumulative Lists of INNs**.

Dénominations communes internationales des Substances pharmaceutiques (DCI)

Il est notifié que, conformément aux dispositions de l'article 3 de la Procédure à suivre en vue du choix de Dénominations communes internationales recommandées pour les Substances pharmaceutiques les dénominations ci-dessous sont mises à l'étude par l'Organisation mondiale de la Santé en tant que dénominations communes internationales proposées. L'inclusion d'une dénomination dans les listes de DCI proposées n'implique aucune recommandation en vue de l'utilisation de la substance correspondante en médecine ou en pharmacie.

On trouvera d'autres listes de Dénominations communes internationales proposées (1–117) et recommandées (1–78) dans la *Liste récapitulative No. 17, 2017* (disponible sur CD-ROM seulement). Les mentions indiquant les propriétés et les indications des substances sont fondées sur les renseignements communiqués par le fabricant. **Elles ne visent qu'à donner une idée de l'utilisation potentielle des nouvelles substances au moment où elles sont l'objet de propositions de DCI**. L'OMS n'est pas en mesure de confirmer ces déclarations ni de faire de commentaires sur l'efficacité du mode d'action ainsi décrit. En raison de leur caractère provisoire, ces informations **ne figureront pas dans les listes récapitulatives de DCI.**

Denominaciones Comunes Internacionales para las Sustancias Farmacéuticas (DCI)

De conformidad con lo que dispone el párrafo 3 del "Procedimiento de Selección de Denominaciones Comunes Internacionales Recomendadas para las Sustancias Farmacéuticas", se comunica por el presente anuncio que las denominaciones detalladas en las páginas siguientes están sometidas a estudio por la Organización Mundial de La Salud como Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas. La inclusión de una denominación en las listas de las DCI

Propuestas no supone recomendación alguna en favor del empleo de la sustancia respectiva en medicina o en farmacia.

Las listas de Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (1–117) y Recomendadas (1–78) se encuentran reunidas en *Cumulative List No. 17, 2017* (disponible sólo en CD-ROM). Las indicaciones sobre acción y uso que aparecen se basan principalmente en la información facilitada por los fabricantes. **Esta información tiene por objeto dar una idea únicamente de las posibilidades de aplicación de las nuevas sustancias a las que se asigna una DCI Propuesta**. La OMS no está facultada para respaldar esas indicaciones ni para formular comentarios sobre la eficacia de la acción que se atribuye al producto. Debido a su carácter provisional, esos datos descriptivos **no deben incluirse en las listas recapitulativas de DCI.**

Proposed International Nonproprietary Names: List 132

Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 132 of Proposed INN not later than 13 June 2025. Publication date:** 14.02.2025

Dénominations communes internationales proposées: Liste 132

Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 132 de DCI Proposées le 13 juin 2025 au plus tard. Date de publication :** 14.02.2025

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 132

Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 132 de DCI Propuestas el 13 de Junio de 2025 a más tardar.**
Fecha de publicación: 14.02.2025

Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)	*Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula*
DCI Proposée	*Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée*
DCI Propuesta	*Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada*

abazistobartum #
abazistobart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], chimeric and humanized monoclonal antibody;

H-gamma4 heavy chain chimeric (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9*02 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%) A120>Q (109), T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (118-215), hinge 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (223-223'':226-226'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

abazistobart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal chimérique et humanisé; chaîne lourde H-gamma4 chimérique (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9*02 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%) A120>Q (109), T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92,12-G4v5 h P10(CH1 (118-215), charnière 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (223-223'':226-226'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

abazistobart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal quimérico y humanizado; cadena pesada H-gamma4 quimérica (1-444) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV5-9*02 (85.6%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (86.7%) A120>Q (109), T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (84.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92,12-G4v5 h P10(CH1 (118-215), bisagra 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (223-223'':226-226'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3002062-67-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVKLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFAFS SYDMSWVRQA PGKRLEWVAT  50
ISGGGRYTYY PDTVKGRFTI SRDNAKNSHY LQMNSLRAED TAVYFCASPY 100
GGYFDVWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK       444
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSIS NFLHWYQQKP GQAPRLLIKY  50
ASQSISGIPA RFSGSGSGTD FTLTISSLEP EDFAVYFCQQ SNSWPHTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-214' 131"-214'''

Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 294, 294"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 444, 444"

acinterferonum alfa

acinterferon alfa — human interferon α-14 (IFN-α-14, IFNA14, interferon α-H, interferon λ2-H), [N^{10}>G, N^{11}>S, R^{12}>K, M^{18}>L, R^{22}>G, R^{23}>K, P^{26}>L, M^{60}>L, M^{61}>I, N^{72}>E, T^{80}>G, E^{83}>D, Y^{86}>R, I^{87}>T, F^{90}>Y, Q^{91}>R, M^{93}>L, V^{100}>M, I^{101}>M, E^{114}>A, A^{146}>V, R^{164}>G]-variant, non-glycosylated, produced by *Escherichia coli*
immunostimulant, antiviral

acinterféron alfa — interféron α-14 humain (IFN-α-14, IFNA14, interféron α-H, interféron λ2-H), [N^{10}>G, N^{11}>S, R^{12}>K, M^{18}>L, R^{22}>G, R^{23}>K, P^{26}>L, M^{60}>L, M^{61}>I, N^{72}>E, T^{80}>G, E^{83}>D, Y^{86}>R, I^{87}>T, F^{90}>Y, Q^{91}>R, M^{93}>L, V^{100}>M, I^{101}>M, E^{114}>A, A^{146}>V, R^{164}>G]-variant, non-glycosylé, produit par *Escherichia coli*
immunostimulant, antiviral

acinterferón alfa — interferón α-14 humano (IFN-α-14, IFNA14, interferón α-H, interferón λ2-H), [N^{10}>G, N^{11}>S, R^{12}>K, M^{18}>L, R^{22}>G, R^{23}>K, P^{26}>L, M^{60}>L, M^{61}>I, N^{72}>E, T^{80}>G, E^{83}>D, Y^{86}>R, I^{87}>T, F^{90}>Y, Q^{91}>R, M^{93}>L, V^{100}>M, I^{101}>M, E^{114}>A, A^{146}>V, R^{164}>G]-variante, no glicosilado, producido por *Escherichia coli*
inmunoestimulante, antiviral

2941004-21-1

Sequence / Séquence / Secuencia

```
CNLSQTHSLG SKRTLMLLAQ MGKISLFSCL KDRHDFEFPQ EEFDGNQFQK   50
AQAISVLHEL IQQTFNLFST KESSAAWDEG LLDKFRTELY RQLNDLEACM  100
MQEVGVEETP LMNADSILAV KKYFQRITLY LMEKKYSPCA WEVVRVEIMR  150
SLSFSTNLQK RLRGKD                                       166
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes

N^{10}>**G**, N^{11}>**S**, R^{12}>**K**, M^{18}>**L**, R^{22}>**G**, R^{23}>**K**, P^{26}>**L**, M^{60}>**L**, M^{61}>**I**, N^{72}>**E**, T^{80}>**G**, E^{83}>**D**, Y^{86}>**R**, I^{87}>**T**, F^{90}>**Y**, Q^{91}>**R**, M^{93}>**L**, V^{100}>**M**, I^{101}>**M**, E^{114}>**A**, A^{146}>**V**, R^{164}>**G**

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

1-99 29-139

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

none / aucun / ninguna

actinium (^{225}Ac) zadavotidum guraxetanum

actinium (^{225}Ac) zadavotide guraxetan

hydrogen (*N*-{(4*R*)-4-carboxylato-κ*O*-4-[4,7,10-tris(carboxylato-κ*O*-methyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10}]butanoyl}-3-iodo-D-tyrosyl-D-phenylalanyl-*N*^{6}-{8-[*N*^{2}-(L-glutamocarbonyl)-*N*^{6}-L-lysino]-8-oxooctanoyl}-D-lysine)(^{225}Ac)actinate(1−)
antineoplastic

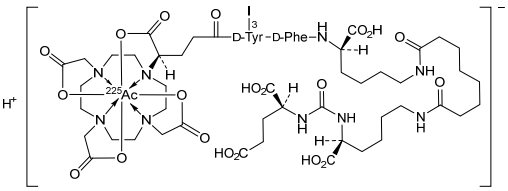
actinium (^{225}Ac) zadavotide guraxétan

hydrogéno(*N*-{(4*R*)-4-carboxylato-κ*O*-4-[4,7,10-tris(carboxylato-κ*O*-méthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-1-yl-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10}]butanoyl}-3-iodo-D-tyrosyl-D-phénylalanyl-*N*^{6}-{8-[*N*^{2}-(L-glutamocarbonyl)-*N*^{6}-L-lysino]-8-oxooctanoyl}-D-lysine)(^{225}Ac)actinate(1−)
antinéoplasique

actinio (^{225}Ac) zadavotida guraxetán

hidrógeno(*N*-{(4*R*)-4-carboxilato-κ*O*-4-[4,7,10-tris(carboxilato-κ*O*-metil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10}]butanoil}-3-iodo-D-tirosil-D-fenilalanil-*N*^{6}-{8-[*N*^{2}-(L-glutamocarbonil)-*N*^{6}-L-lisino]-8-oxooctanoil}-D-lisina)(^{225}Ac)actinato(1−)
antineoplásico

$C_{63}H_{89}{}^{225}AcIN_{11}O_{23}$ 2901793-42-6



adezkibartum #

adezkibart

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* FLT3LG (fms related receptor tyrosine kinase 3 ligand)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 L1.3>F (236), L1.2>E (237), P116>S (333) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfide with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.10] (26'-33'.51'-53'.92'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunosuppressant

adezkibart immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* FLT3LG (ligand du récepteur tyrosine kinase 3 apparenté au fms)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 L1.3>F (236), L1.2>E (237), P116>S (333) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.10] (26'-33'.51'-53'.92'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunosuppresseur

adezkibart inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* FLT3LG (ligando del receptor tirosina kinasa 3 acoplado al fms)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (89.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (90.9%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 L1.3>F (236), L1.2>E (237), P116>S (333) (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-216')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV6-57*01 (93.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.10] (26'-33'.51'-53'.92'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (112'-217')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunosupresor

2921564-55-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS SYALSWVRQA PGQGLEWMGT  50
RPPTSRTASY AQKFQGRVTI TVDESTSTGY MELSSLRSED TAVYYCASND 100
FVYGSYRFWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPEFEGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PASIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
NFMLTQPHSV SESPGKTVTI SCTRTSGNIA GYFVQWYQQR PGSSPTTVIY  50
EDYQRPSGVP DRFSGSIDSS SNSASLTISG LKTEDEADYY CQSYDDYRRA 100
AFGGGTKLTV LGQPKAAPSV TLFPPSSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV KAGVETTTPS KQSNNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTECS                                    217
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 22'-91' 139'-198'
22'"-91'" 139"'-198"'
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-216' 222"-216'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

adimanebartum #

adimanebart — immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* MUSK (muscle associated receptor tyrosine kinase)], humanized monoclonal antibody, agonist;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-217')-disulfide with L-lambda2 light chain humanized (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')]; dimer (230-230'':233-233'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
muscle associated receptor tyrosine kinase agonist, neuromuscular diseases

adimanebart — immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* MUSK (récepteur tyrosine kinase associée aux muscles)], anticorps monoclonal humanisé, agoniste;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-217')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 humanisée (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')]; dimère (230-230'':233-233'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
agoniste du récepteur de la tyrosine kinase associée aux muscles, maladies neuromusculaires

adimanebart — inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* MUSK (receptor tirosina kinasa asociada a los músculos)], anticuerpo monoclonal humanizado, agonista;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-217')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 humanizada (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV8-61*01 (89.7%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')]; dímero (230-230'':233-233'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
agonista del receptor de la tirosina kinasa asociada a los músculos, enfermedades neuromusculares

3011838-77-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS DYGMSWVRQA PGKGLEWVSA  50
IPWSGGSTYY KESVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKRS 100
GRIAFGALDA WGQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPEAAG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QTVVTQEPSF SVSPGGTVTL TCGLSSGSVT SSNYPDWYQQ TPGQAPRTLI  50
YSTDSRHSGV PDRFSGSILG NKAALTITGA QADDESDYYC GLYSYSGSKN 100
YVFGGGTKLT VLGQPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYPGAV 150
TVAWKADSSP VKAGVETTTP SKQSNNKYAA SSYLSLTPEQ WKSHRSYSCQ 200
VTHEGSTVEK TVAPTECS                                    218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 140'-199'
22'"-90'" 140'"-199'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-217' 224"-217'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1'"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

agazisiranum

agazisiran

O-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxymethyl)oxolan-3-yl] hydrogen *all-P-ambo*-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)methyl]amino}-2-oxoethyl)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)methyl]amino}-2-oxoethyl)-*P*-thiouridylyl-(5'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thio-3'-adenylate duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridine

complement factor B synthesis reducer

agazisiran

tout-P-ambo-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadécan-1-yl}-1H-1,2,3-triazol-4-yl)méthyl]amino}-2-oxoéthyl)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadécan-1-yl}-1H-1,2,3-triazol-4-yl)méthyl]amino}-2-oxoéthyl)-*P*-thiouridylyl-(5'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-*P*-thio-3'-adénylate de *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxyméthyl)oxolan-3-yle]
duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridine
réducteur de synthèse du facteur B du complément

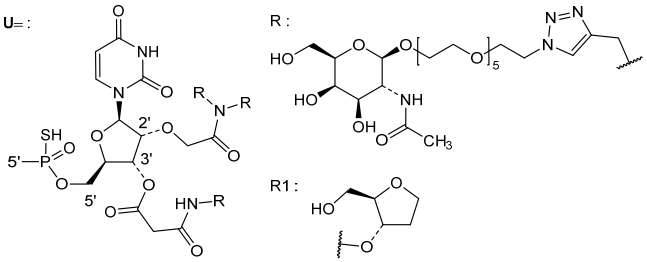
agazisirán

todo-P-ambo-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-il}-1H-1,2,3-triazol-4-il)metil]amino}-2-oxoetil)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-il}-1H-1,2,3-triazol-4-il)metil]amino}-2-oxoetil)-*P*-tiouridilil-(5'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-*P*-tio-3'-adenilato de *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hidroximetil)oxolan-3-ilo]
dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridina
reductor de la síntesis del factor B del complemento

$C_{534}H_{706}F_{15}N_{179}O_{329}P_{44}S_8$ 2985646-78-2

(3'-5')**U**=*G*=*G*-*A*-*A*-*G*-*G*-*A*-U-*U*-A-U-C-U-*G*-*G*-*A*-*U*-*G*-*U*-*C*-*U*=*A*=R_1
▪ ▪
(5'-3')*C*=*C*=U-*U*-C-*C*-U-*A*-A-*U*-A-*G*-A-*C*-C-*U*-A-*C*-A-*G*=A=*U*

N : A,C,G,U
N : 2'-*O*-methyl-N / 2'-*O*-méthyl-N / 2'-*O*-metil-N
U : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–



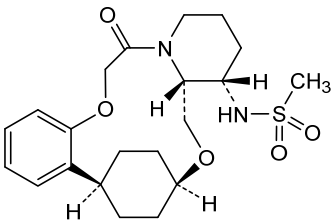
alixorextonum

alixorexton — *N*-[7,10-*cis*-(4*S*,4a*R*)-17-oxo-1,2,3,4,4a,5,7,8,9,10,16,17-dodecahydro-7,10-ethanopyrido[1,2-*d*][1,7,4]benzodioxaazacyclotridecin-4-yl]methanesulfonamide
orexin-2 receptor agonist

alixorexton — *N*-[7,10-*cis*-(4*S*,4a*R*)-17-oxo-1,2,3,4,4a,5,7,8,9,10,16,17-dodécahydro-7,10-éthanopyrido[1,2-*d*][1,7,4]benzodioxaazacyclotridécin-4-yl]méthanesulfonamide
agoniste du récepteur de l'orexine 2

alixorextón — *N*-[7,10-*cis*-(4*S*,4a*R*)-17-oxo-1,2,3,4,4a,5,7,8,9,10,16,17-dodecahidro-7,10-etanopirido[1,2-*d*][1,7,4]benzodioxaazaciclotridecin-4-il]metanosulfonamida
agonista del receptor de la orexina 2

$C_{21}H_{30}N_2O_5S$ 2648347-56-0



alnodesertibum

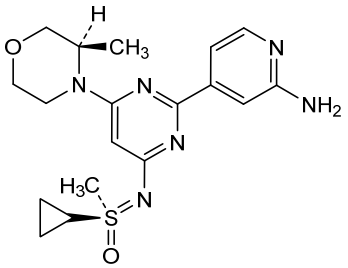
alnodesertib — (*S*)-({2-(2-aminopyridin-4-yl)-6-[(3*R*)-3-methylmorpholin-4-yl]pyrimidin-4-yl}imino)(cyclopropyl)(methyl)-λ^6-sulfanone
serine/threonine kinase inhibitor, antineoplastic

alnodésertib — (*S*)-({2-(2-aminopyridin-4-yl)-6-[(3*R*)-3-méthylmorpholin-4-yl]pyrimidin-4-yl}imino)(cyclopropyl)(méthyl)-λ^6-sulfanone
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, antinéoplasique

alnodesertib

(*S*)-({2-(2-aminopiridin-4-il)-6-[(3*R*)-3-metilmorfolin-4-il]pirimidin-4-il}imino)(ciclopropil)(metil)-λ^6-sulfanona
inhibidor de la serina/treonina kinasa, antineoplásico

$C_{18}H_{24}N_6O_2S$ 2267316-76-5



amdokitugum #

amdokitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (Interleukin 17A, IL-17)], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K(212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (87.4%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (224-224'': 227-227'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunosuppressant, anti-inflammatory

amdokitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma1 (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (87.4%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (224-224'': 227-227'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunosuppresseur, anti-inflammatoire

amdokitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.9] (26-33.51-57.96-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV13-85*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (87.4%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>S (100'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (224-224'': 227-227'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inmunosupresor, antiinflamatorio

3012586-05-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SFDMSWGRQA PGKRLEWVAF  50
MSSGGSTYYP DSVKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCARGER 100
YGSYWGQGTL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLP 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS LSPGK      445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASDHIN NWLAWYQQKP GKAPKLLISG  50
ATSLETGVPS RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCQQ YWSTPFTFGS 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 142-198 259-319 365-423
22''-95'' 142''-198'' 259''-319'' 365''-423''
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-214' 218''-214'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224'' 227-227''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445''

amezalpatum

amezalpat

[8^4-*tert*-butyl-1^4-ethoxy-6^4-ethyl-6^5-oxo-6^4,6^5-dihydro-6(3,1)-[1,2,4]triazola-1,8(1),2(1,3)-tribenzenaoctaphan-1^3-yl]acetic acid
peroxisome proliferator-activated receptor alpha (PPARα) antagonist, antineoplastic

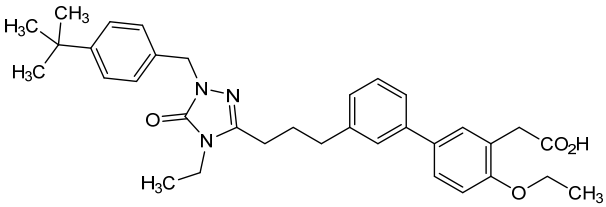
amézalpat

acide [8^4-*tert*-butyl-1^4-éthoxy-6^4-éthyl-6^5-oxo-6^4,6^5-dihydro-6(3,1)-[1,2,4]triazola-1,8(1),2(1,3)-tribenzénaoctaphan-13-yl]acétique
antagoniste du récepteur alpha activé par les proliférateurs de peroxysomes (PPARα), antinéoplasique

amezalpat

ácido [8^4-*terc*-butil-6^4-etil-1^4-etoxi-6^5-oxo-6^4,6^5-dihidro-6(3,1)-[1,2,4]triazola-1,8(1),2(1,3)-tribencenaoctafan-1^3-il]acético
antagonista del receptor alfa activado por factores de proliferación de peroxisomas (PPARα), antineoplásico

$C_{34}H_{41}N_3O_4$ 1616372-41-8



amrecibartum #

amrecibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (coagulation factor 11, coagulation factor XI, FXI, plasma thromboplastin antecedent, PTA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (124-221), hinge 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 L92 (312) (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
anticoagulant

amrécibart

immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (facteur de coagulation 11, facteur de coagulation XI, FXI, antécédent de la thromboplastine plasmatique, PTA)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (124-221), charnière 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 L92 (312) (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
anticoagulant

amrecibart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (factor de coagulación 11, factor de coagulación XI, FXI, antecedente de la tromboplastina plasmática PTA)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.16] (26-33.51-58.97-112)) (1-123) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (124-221), bisagra 1-12 S10>P (231) (222-233), CH2 L92 (312) (234-343), CH3 (344-448), CHS (449-450)) (124-450)], (137-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
anticoagulante

3008610-20-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMNWVRQA PGKGLDWVSF  50
IRSGGDTTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCAKVH 100
PYTWDYGDAF DIWGQGTMVT VSSASTKGPS VFPLAPCSRS TSESTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TKTYTCNVDH KPSNTKVDKR VESKYGPPCP PCPAPEFLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS QEDPEVQFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQFN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKG LPSSIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSQEE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SRLTVDKSRW QEGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSLGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIS SYLNWYQQKP GKAPKLLIYA  50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPITFG 100
QGTRLEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 264-324 370-428
22"-96" 150"-206" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
23'"-88'" 135'"-195'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 137-215' 137"-215'"
Inter-H-H (h 8, h 11) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

amsulostatum

amsulostat

(2*Z*)-3-fluoro-4-(quinolin-8-ylsulfonyl)but-2-en-1-amine
protein-lysine-oxidase (LOX) inhibitor, antifibrotic

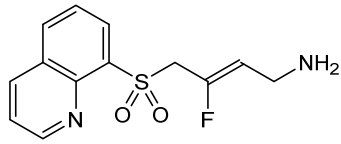
amsulostat

(2*Z*)-3-fluoro-4-(quinolin-8-ylsulfonyl)but-2-én-1-amine
inhibiteur de la protéine-lysine-oxydase (LOX), antifibrotique

amsulostat

(2*Z*)-3-fluoro-4-(quinolin-8-ilsulfonil)but-2-en-1-amina
inhibidor de la proteína lisil oxidasa (LOX), antifibrítico

$C_{13}H_{13}FN_2O_2S$ 2409963-83-1



anbenitamabum repodatecanum #

anbenitamab repodatecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (epidermal growth factor receptor 2, receptor tyrosine protein kinase erbB-2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], humanized monoclonal antibody, bispecific biparatopic, tetravalent, conjugated at O-4 of the four terminal GlcNAc groups of the two branched glycans to a *repodatecan* group, consisting of a cleavable linker and a camptothecin derivative;
H-gamma1 heavy chain anti-ERBB2 domain II humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 18-G1v82-4 CH3 A88(CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfide with L-kappa light chain anti-ERBB2 humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')];
H-gamma1 heavy chain anti-ERBB2 domain IV humanized (1''-450'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26''-33''.51''-58''.97''-109'')) (1''-120'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86(hole), 18-G1v82-3 CH3 K85.1 (CH1 K120 (217'') (121''-218''), hinge 1-15 (219''-233''), CH2 (234''-343''), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369''), L24>A (371''), F85.1>K (408''), Y86>V (410'') (344''-448''), CHS (449''-450'')) (121''-450'')], (223''-214''')-disulfide with L-kappa light chain anti-ERBB2 humanized (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimer (228-229'':231-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa, substituted at O-4 of the four distal 2-acetamido-2-deoxy-β-D-glucopyranosyl groups of the two glycans at N-4 of the asparaginyl residues 299 and 300'' with 2-(2-{8-[(10*S*)-10-benzyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oyl]-8,9-dihydro-1(*or* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*or* 3)-yl}acetamido)-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl (*repodatecan*) groups (introduced by enzymatic glycosylation with 2-(2-azidoacetamido)-2-deoxy-D-galactopyranose and subsequent reaction of the azido groups with the specific click reagent), resulting in a drug/antibody ratio of ~3.8 on average
antineoplastic

anbénitamab répodatécan

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique biparatopique, tétravalent, conjugué en O-4 des quatre groupes terminaux GlcNAc des deux glycanes ramifiés à un groupe *répodatécan*, constitué d'un lieur clivable et d'un dérivé de camptothécine;
chaîne lourde H-gamma1 anti-ERBB2 domaine II humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 18-G1v82-4 CH3 A88 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-ERBB2 humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')];
chaîne lourde H-gamma1 anti-ERBB2 domaine IV humanisée (1''-450'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26''-33''.51''-58''.97''-109'')) (1''-120'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 18-G1v82-3 CH3 K85.1 (CH1 K120 (217'') (121''-218''), charnière 1-15 (219''-233''), CH2 (234''-343''), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369''), L24>A (371''), F85.1>K (408''), Y86>V (410'') (344''-448''), CHS (449''-450'')) (121''-450'')], (223''-214''')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-ERBB2 humanisée (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimère (228-229'':231-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa, substitué en O-4 des quatre groupes distaux 2-acétamido-2-désoxy-β-D-glucopyranosyle des deux glycanes en N-4 des résidus asparaginyle 299 et 300'' par des groupes 2-(2-{8-[(10*S*)-10-benzyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oyl]-8,9-dihydro-1(*ou* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*ou* 3)-yl}acétamido)-2-désoxy-β-D-galactopyranosyle (*répodatécan*) (introduits par glycosylation enzymatique avec le 2-(2-azidoacétamido)-2-désoxy-D-galactopyranose et réaction ultérieure des groupes azido avec le réactif click spécifique), ce qui donne un rapport médicament/anticorps d'environ 3,8 en moyenne
antinéoplasique

anbenitamab repodatecán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal humanizado, biparatópico biespecífico, tetravalente, conjugado en O-4 de los cuatro grupos GlcNAc terminales de los dos glicanos ramificados con un grupo *repodatecán*, que consta de un conector escindible y un derivado de camptotecina; cadena pesada H-gamma1 anti-ERBB2 dominio II humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (78.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 18-G1v82-4 CH3 A88 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360), T22>W (368), K88>A (411) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-ERBB2 humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; cadena pesada H-gamma1 anti-ERBB2 domnio IV humanizada (1''-450'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26''-33''.51''-58''.97''-109'') (1''-120'') -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m7,1, CH1 K120, CH3 D12, L14, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 18-G1v82-3 CH3 K85.1 (CH1 K120 (217'') (121''-218''), bisagra 1-15 (219''-233''), CH2 (234''-343''), CH3 D12 (359), L14 (361) T22>S (369''), L24>A (371''), F85.1>K (408''), Y86>V (410'') (344''-448''), CHS (449''-450'')) (121''-450'')], (223''-214''')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-ERBB2 humanizada (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%)) CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97) ''' (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''') (108'''-214''')]; dímero (228-229'':231-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa, sustituido en O-4 de los cuatro grupos distales 2-acetamido-2-desoxi-β-D-glucopiranosilo de los dos glicanos en N-4 de los residuos de asparaginilo 299 y 300'' con grupos 2-(2-{8-[(10*S*)-10-bencil-1-{[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oil]-8,9-dihidro-1(*o* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*o* 3)-il}acetamido)-2-desoxi-β-D-galactopiranosilo (*repodatecán*) (introducidos por glicosilación enzimática con 2-(2-azidoacetamido)-2-desoxi-D-galactopiranosa y posterior reacción de los grupos azido con el reactivo clic específico), lo que da como resultado una relación fármaco/anticuerpo de ~3,8 en promedio *antineoplásico*

2923420-38-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : H-gamma1 anti-ERBB2 domain II (knob) (H)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFT DYTMDWVRQA PGKGLEWVAD  50
VNPNSGGSIY NQRFKGRFTL SVDRSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARNL 100
GPSFYFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLWCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS ALTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : H-gamma1 anti-ERBB2 domain IV (hole) (H")

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR  50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLSC AVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFKLV SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera : L-kappa anti-ERBB2 (L', L''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS  50
ASFLYSGVPS RFSGSRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 223"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-229" 231-232"

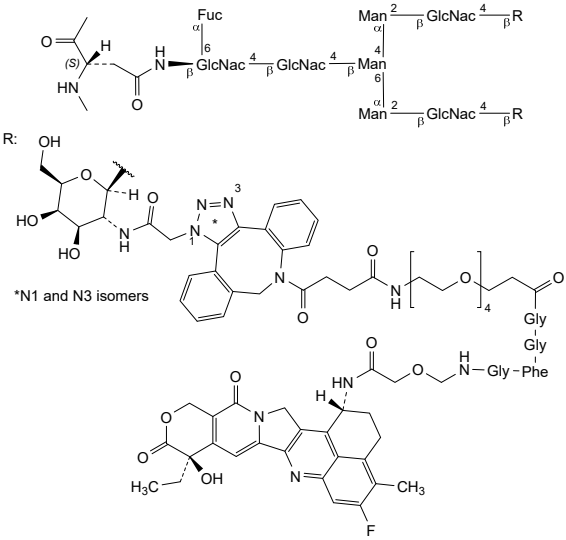
N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / Glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 450"

Modified distal βdGlcNAc groups / Groupes βdGlcNAc distaux modifiés / Grupos βdGlcNAc distales modificados
*(*repodatecan*:mAb ~ 3.8:1)

Asn299, Asn300":



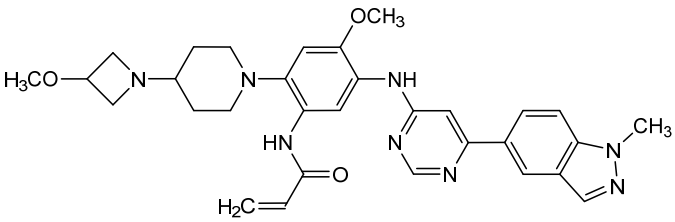
andamertinibum

andamertinib — *N*-(4-methoxy-2-[4-(3-methoxyazetidin-1-yl)piperidin-1-yl]-5-{[6-(1-methyl-1*H*-indazol-5-yl)pyrimidin-4-yl]amino}phenyl)prop-2-enamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

andamertinib — *N*-(4-méthoxy-2-[4-(3-méthoxyazétidin-1-yl)pipéridin-1-yl]-5-{[6-(1-méthyl-1*H*-indazol-5-yl)pyrimidin-4-yl]amino}phényl)prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

andamertinib — *N*-(5-{[6-(1-metil-1*H*-indazol-5-il)pirimidin-4-il]amino}-4-metoxi-2-[4-(3-metoxiazetidin-1-il)piperidin-1-il]fenil)prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{31}H_{36}N_8O_3$ 2254145-43-0



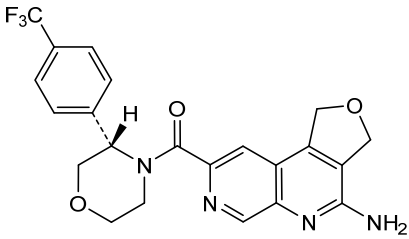
anvumetostatum

anvumetostat — (4-amino-1,3-dihydrofuro[3,4-*c*][1,7]naphthyridin-8-yl){(3*S*)-3-[4-(trifluoromethyl)phenyl]morpholin-4-yl}methanone
antineoplastic

anvumétostat — (4-amino-1,3-dihydrofuro[3,4-*c*][1,7]naphtyridin-8-yl){(3*S*)-3-[4-(trifluorométhyl)phényl]morpholin-4-yl}méthanone
antinéoplasique

anvumetostat — (4-amino-1,3-dihidrofuro[3,4-*c*][1,7]naftiridin-8-il){(3*S*)-3-[4-(trifluorometil)fenil]morfolin-4-il}metanona
antineoplásico

$C_{22}H_{19}F_3N_4O_3$ 2790567-82-5



anzutresgenum autoleucelum #
anzutresgene autoleucel

autologous CD4+/CD8+ enriched T lymphocytes transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector encoding a T cell receptor (TCR) specific for the preferentially expressed antigen in melanoma (PRAME). The TCR transgene consists of a TCRα and a TCRβ chain separated by a self-cleaving ribosome skipping sequence derived from porcine teschovirus (P2A) under the control of a murine stem cell virus (MSCV) promoter and a Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional response element (WPRE). The viral vector backbone also comprises a packaging signal ψ (psi), residual *gag* sequence, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract/central termination sequence (cPPT/CTS) and is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs). The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus G glycoprotein.
The leukapheresis material is enriched for CD4+ and CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection prior to activation with CD3 and CD28 agonists in growth media containing interleukin 7 (IL-7) and interleukin 15 (IL-15). The cells are then transduced with a lentiviral vector and expanded in growth media containing human AB serum, IL-7 and IL-15. The cell suspension consists of CD3+ T lymphocytes (≥90%) of which >20% of the CD3+CD8+ cells express the PRAME-specific TCR. The transduced T lymphocytes release interferon gamma (IFN-γ) by co-culture with PRAME-expressing tumor cells *in vitro*
cell-based gene therapy (antineoplastic)

anzutresgène autoleucel

lymphocytes T autologues enrichis en CD4+/CD8+ transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non réplicatif codant un récepteur de lymphocytes T (TCR) spécifique de l'antigène preférentiellement exprimé dans le mélanome (PRAME). Le transgène TCR est constitué d'une chaîne TCRα et d'une chaîne TCRβ séparées par une séquence auto-clivante de saut de ribosomes dérivée du teschovirus porcin (P2A), sous le contrôle d'un promoteur du virus des cellules souches murines (MSCV) et d'un élément de réponse post-transcriptionnelle du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE). Le squelette du vecteur viral comprend également un signal d'empaquetage ψ (psi), une séquence *gag* résiduelle, un élément de réponse Rev (RRE), un tractus polypurine central/une séquence de terminaison centrale (cPPT/CTS) et, il est flanqué de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et en 3'. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4+ et CD8+ par immunosélection positive, avant activation avec des agonistes CD3 et CD28, dans un milieu de croissance contenant de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'interleukine 15 (IL-15). Les cellules sont ensuite transduites avec un vecteur lentiviral et expansées dans un milieu de croissance contenant du sérum AB humain, de l'IL-7 et de l'IL-15. La suspension cellulaire est constituée de lymphocytes T CD3+ (≥90%) dont >20% des cellules CD3+CD8+ expriment le TCR spécifique de PRAME. Les lymphocytes T transduits libèrent de l'interféron gamma (IFN-γ) par co-culture avec des cellules tumorales exprimant PRAME *in vitro*
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

anzutresgén autoleucel	linfocitos T CD4+/CD8+ autólogos enriquecidos, transducidos con un vector lentiviral auto-inactivante, no replicativo, que codifica un receptor de células T (TCR) específico del antígeno preferentemente expresado en melanoma (PRAME). El transgén del TCR consiste en una cadena TCRα y una cadena TCRβ separadas por una secuencia de auto-escisión de salto ribosómico derivada del teschovirus porcino (P2A) bajo el control de un promotor del virus de células madre murino (MSCV) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El esqueleto del vector viral también consta de una señal de empaquetamiento ψ (psi), una secuencia residual *gag*, un elemento de respuesta Rev (RRE), una secuencia de tracto de poli-purina central/terminación central (cPPT/CTS), y está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3'. El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV). El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4+ y CD8+ mediante inmunoselección positiva, antes de la activación con agonistas de CD3 y CD28 en medio de crecimiento que contiene interleuquina 7 (IL-7) e interleuquina 15 (IL-15). Las células después se transducen con el vector lentiviral y se expanden más en medio de crecimiento que contiene suero AB humano, IL-7 e IL-15. La suspensión celular consiste en linfocitos T CD3+ (≥90%) de los cuales >20% de las células CD3+CD8+ expresan el TCR específico de PRAME. Los linfocitos T transducidos liberan interferón gamma (IFN-γ) mediante co-cultivo *in vitro* con células tumorales que expresan PRAME *terapia génica basada en células (antineoplásico)*
apazunersenum	
apazunersen	*all-P-ambo*-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methyleneguanosine *ubiquitin protein ligase E3A-antisense transcript reducer (Angelman Syndrome)*
apazunersen	*tout-P-ambo*-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylèneguanosine *réducteur de transcription antisens de l'ubiquitine protéine ligase E3A (syndrome d'Angelman)*

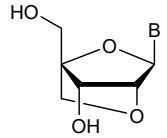
apazunersén *todo-P-ambo*-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metilenoguanosina
reductor de la transcripción antisense de la ligasa E3A de la proteína ubiquitina (síndrome de Angelman)

$C_{184}H_{224}N_{67}O_{96}P_{17}S_{17}$ 2919324-01-7

(3'-5')*A*=*G*=*A*=dA=dT=dG=dG=dC=dA=dC=dA=dT=dC=dT=<u>C</u>=<u>U</u>=<u>U</u>=*G*

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
B : nucleobase / nucléobase / nucleobase
dN : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
N : 2'-*O*,4'-*C*-methylene-N / 2'-*O*,4'-*C*-méthylène-N / 2'-*O*,4'-*C*-metileno-N
<u>N</u> : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
= : –PO(SH)–

N :



arumakimigum #
arumakimig immunoglobulin (H-gamma1_L-lambda2)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL18 (interleukin 18, IL-18, interferon gamma-inducing factor, IGIF, interleukin-1 gamma, IL-1G, IL1F4)] and anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukin 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific, bivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-IL18 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1-v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 S10>C (356), E12 (358), M14 (360), T22>W (368) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-IL18 *Homo sapiens* (1'-216') [V-Lambda (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (88.3%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];
H-gamma1 heavy chain anti-IL1B *Homo sapiens* (1''-448'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-33''.51''-58''.97''-107'')) (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3S22, A24, V86 (hole) (CH1 R120 (215'') (119''-216''), hinge 1-15 (217''-231''), CH2 L1.3>A (235''), L1.2>A (236'') (232''-341''), CH3 Y5>C (350''), E12 (357''), M14 (359''), T22>S (367''), L24>A (369''), Y86>V (408'') (342''-446''), CHS (447''-448'')) (119''-448'')], (221''-214''')-disulfide with L-kappa light chain anti-IL1B *Homo sapiens* (1'-214''') [V-Kappa (*Homo sapiens* IGKV6-21*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimer (228-227'':231-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
anti-inflammatory

arumakimig

immunoglobuline (H-gamma1_L-lambda2)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL18 (interleukine 18, IL-18, facteur inducteur d'interferon gamma, IGIF, interleukine-1 gamma, IL-1G, IL1F4)] et anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukine 1 bêta, IL-1B, 1L1F2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens,* bispécifique, bivalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-IL18 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 S10>C (356), E12 (358), M14 (360), T22>W (368) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-IL18 *Homo sapiens* (1'-216') [V-Lambda (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (88.3%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];
chaîne lourde H-gamma1 anti-IL1B *Homo sapiens* (1''-448'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-33''.51''-58''.97''-107'')) (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3S22, A24, V86 (hole) (CH1 R120 (215'') (119''-216''), charnière 1-15 (217''-231''), CH2 L1.3>A (235''), L1.2>A (236'') (232''-341''), CH3 Y5>C (350''), E12 (357''), M14 (359''), T22>S (367''), L24>A (369''), Y86>V (408'') (342''-446''), CHS (447''-448'')) (119''-448'')], (221'''-214''')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-IL1B *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-Kappa (*Homo sapiens* IGKV6-21*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimère (228-227'':231-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
anti-inflammatoire

arumakimig

inmunoglobulina (H-gamma1_L-lambda2)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL18 (interleukina 18, IL-18, factor inductor del interferón gamma, IGIF, interleukina-1 gamma, IL-1G, IL1F4)] y anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukina 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens,* biespecífico, bivalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-IL18 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*01 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v74 CH3 C10, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237) (233-342), CH3 S10>C (356), E12 (358), M14 (360), T22>W (368) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-IL18 *Homo sapiens* (1'-216') [V-Lambda (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (88.3%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];
cadena pesada H-gamma1 anti-IL1B *Homo sapiens* (1''-448'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-33''.51''-58''.97''-107'')) (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v75 CH3 C5, 14-G1v33 CH3S22, A24, V86 (hole) (CH1 R120 (215'') (119''-216''), bisagra 1-15 (217''-231''), CH2 L1.3>A (235''), L1.2>A (236'') (232''-341''), CH3 Y5>C (350''), E12 (357''), M14 (359''), T22>S (367''), L24>A (369''), Y86>V (408'') (342''-446''), CHS (447''-448'')) (119''-448'')], (221'''-214''')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-IL1B *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-Kappa (*Homo sapiens* IGKV6-21*01 (98.9%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dímero (228-227'':231-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio

3018901-76-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-IL18 (knob) (H)

```
EVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFK SYAISWVRQA PGQGLEWMGN  50
IIPMTGQTYY AQKFQGRVTI TADESTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARAA 100
YHPLVFDNWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPEAAGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPCREEM TKNQVSLWCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-lambda anti-IL18 (L')

```
DIVLTQPPSV SGAPGQRVTI SCSGSSSNIG NHYVNWYQQL PGTAPKLLIY  50
RNNHRPSGVP DRFSGSKSGT SASLAITGLQ SEDEADYYCQ SWDYSGFSTV 100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTPSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS                                      216
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-IL1B (hole) (H")

```
QVQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGFTFS VYGMNWVRQA PGKGLEWVAI  50
IWYDGDNQYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNGLRAED TAVYYCARDL 100
RTGPFDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPEAAGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVC 350
TLPPSREEMT KNQVSLSCAV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLVSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-IL1B (L''')

```
EIVLTQSPDF QSVTPKEKVT ITCRASQSIG SSLHWYQQKP DQSPKLLIKY  50
ASQSFSGVPS RFSGSGSGTD FTLTINSLEA EDAAAYYCHQ SSSLPFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 138'-197'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-215' 221"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-227" 231-230"

Inter-H-H (CH3 C10-C5)* 356-350"

*variants 14-G1v74 (H CH3 C10) and 14-G1v75 (H" CH3 C5) creating an additional inter-H-H disulfide bond.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 448"

astepatidum

astepatide

L-tyrosyl-2-methylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-threonyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-N^6-(N^6-{N^6-[*N*-(17-carboxyheptadecanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysyl}-L-lysyl)-L-lysyl-L-glutaminyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serine

gastric inhibitory polypeptide (GIP) receptor and glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic

astépatide

L-tyrosyl-2-méthylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-thréonyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-*N*^{6}-(*N*^{6}-{*N*^{6}-[*N*-(17-carboxyheptadécanoyl)-L-γ-glutamyl]-L-lysyl}-L-lysyl)-L-lysyl-L-glutaminyl-L-alanyl-L-alanyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-α-glutamyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-leucyl-L-alanylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérine
agoniste des récepteurs du peptide-1 similaire au glucagon (GLP-1) et du polypeptidique insulinotrope dépendant du glucose (GIP), antidiabétique

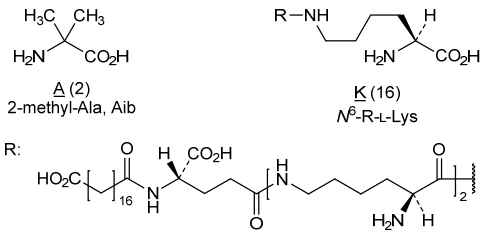
astepatida

L-tirosil-2-metilalanil-L-α-glutamilglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-treonil-L-seril-L-α-aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-L-leucil-L-leucil-L-α-glutamil-*N*^{6}-(*N*^{6}-{*N*^{6}-[*N*-(17-carboxiheptadecanoil)-L-γ-glutamil]-L-lisil}-L-lisil)-L-lisil-L-glutaminil-L-alanil-L-alanil-L-arginil-L-α-glutamil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-α-glutamil-L-triptofil-L-leucil-L-leucil-L-alanilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serina
agonista de los receptores del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1) y del polipéptido inhibidor gástrico (GIP), antidiabético

$C_{226}H_{348}N_{50}O_{68}$ 2959444-13-2

YAEGTFTSDY SILLEKQAAR EFIEWLLAGG PSSGAPPPS 39

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



atebimetinibum

atebimetinib

4-[(dimethylamino)methyl]-3-({2-fluoro-3-[(methylsulfamoyl)amino]phenyl}methyl)-2-oxo-2*H*-1-benzopyran-7-yl dimethylcarbamate
MEK tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

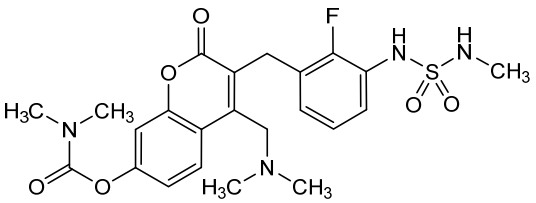
atébimétinib

diméthylcarbamate de 4-[(diméthylamino)méthyl]-3-({2-fluoro-3-[(méthylsulfamoyl)amino]phényl}méthyl)-2-oxo-2*H*-1-benzopyran-7-yle
inhibiteur de la tyrosine kinase activée par un mitogène (MEK), antinéoplasique

atebimetinib

dimetilcarbamato de 4-[(dimetilamino)metil]-3-({2-fluoro-3-[(metilsulfamoil)amino]fenil}metil)-2-oxo-2*H*-1-benzopiran-7-ilo
inhibidor de la tirosina kinasa MEK, antineoplásico

$C_{23}H_{27}FN_4O_6S$ 2669009-92-9



avicursenum

avicursen

all-P-ambo-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine

integrin alpha-4 synthesis reducer, anti-inflammatory

avicursen

tout-P-ambo-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine

réducteur de synthèse de l'intégrine alpha-4, anti-inflammatoire

avicursén

todo-P-ambo-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridina

inhibidor de la integrina alfa 4, antiinflamatorio

$C_{233}H_{327}N_{60}O_{129}P_{19}S_{19}$ 350263-41-1

m^5Cmoe=m^5Umoe=Gmoe=dA=dG=dT=m^5C_d=dT=dG=dT=dT=dT=m^5Umoe=m^5Cmoe=m^5Cmoe=Amoe=m^5Umoe=m^5Umoe=m^5Cmoe=m^5Umoe

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
m^5N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
dN & N_d : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
Nmoe : 2'-*O*-methoxyethyl-N / 2'-*O*-méthoxyéthyl-N / 2'-*O*-metoxietil-N

=: –PO(SH)–

balekafuspum alfa #

balekafusp alfa

humanized immunoglobulin G1-kappa, anti-[human interleukin-2 (IL-2, T-cell growth factor, TCGF)] with an engineered kappa light chain, where a circular permuted form of human interleukin-2 is inserted within CDR-L1 between Y^{31} (Kabat L.27D) and D^{34} (Kabat L.30), Q^{32}>del (Kabat L.28), G^{33}>del (Kabat L.29) through $^{32}GGG^{34}$ and $^{167}GGGG^{170}$ linkers;
gamma 1 heavy chain (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.17.12] (31-35.50-66.99-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (122-219), hinge (220-234), CH2 N>^{301}A (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)]-disulfide with partial kappa light chain fused to a circular permuted form of human interleukin-2 (1'-355') [partial V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01, CDR-Kabat [8] (partial CDR-L1: Kabat L.24-L.27D) (24'-31')) (1'-31')] fused via peptide linker $^{32'}GGG^{34'}$ to human interleukin-2 (IL-2, T-cell growth factor (TCGF)) in a permuted form (C-terminal fragment 77-133 (35'-91' in the current sequence) fused to the N-terminal fragment 2-76 (92'-166' in the current sequence)), variant (^{125}C>$S^{83'}$), fused via peptide linker $^{167'}GGGG^{170'}$ to a partial kappa light chain [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [5.7.9] (partial CDR-L1: Kabat L.30-L.34) (171'-175'.191'-197'.230'-238')) (171'-248') -*Homo sapiens* IGKC*01 (249'-355')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

balékafusp alfa

immunoglobuline humanisée G1-kappa, anti-[interleukine-2 humaine (IL-2, facteur de croissance des lymphocytes T (FCLT)], avec une chaîne légère kappa recombinée, dans laquelle une forme circulaire permutée d'interleukine-2 humaine est insérée dans le CDR-L1 entre Y^{31} (Kabat L.27D) et D^{34} (Kabat L.30), Q^{32}>dél (Kabat L.28), G^{33}>dél (Kabat L.29) jusqu'aux coupleurs ^{32}GGG34 et $^{167}GGGG^{170}$;
chaîne lourde gamma 1 (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.17.12] (31-35.50-66.99-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (122-219), charnière (220-234), CH2 N>^{301}A (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)] -disulfure avec la chaîne légère partielle, fusionnée avec une forme circulaire permutée de l'interleukine-2 humaine (1'-355') [V-KAPPA partielle (*Homo sapiens* IGKV1-39*01, CDR-Kabat [8] (CDR-L1 partiel: Kabat L.24-L.27D) (24'-31')) (1'-31')] fusionnée à l'aide d'un coupleur peptidique $^{32'}GGG^{34'}$ au fragment de l'interleukine-2 humaine (IL-2, facteur de croissance des lymphocytes T (FCLT)), dans sa forme permutée (fragment C-terminal 77-133 (35'-91' dans la séquence en cours) fusionné au fragment N-terminal 2-76 (92'-166' de la séquence en cours)), variante (^{125}C>$S^{83'}$), fusionné à l'aide du coupleur peptidique $^{167'}GGGG^{170'}$ à la chaîne légère kappa partielle [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [5.7.9] (CDR-L1 partiel: Kabat L.30-L.34) (171'-175'.191'-197'.230'-238') (171'-248') -*Homo sapiens* IGKC*01 (249'-355')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

balekafusp alfa

inmunoglobulina humanizada G1-kappa, anti-[interleukina-2 humana (IL-2, factor de crecimiento de céulas T, TCGF)] con una cadena ligera kappa manipulada, donde una forma circular permutada de una interleukina-2 human se insera en CDR-L1 entre Y^{31} (Kabat L.27D) y D^{34} (Kabat L.30), Q^{32}>del (Kabat L.28), G^{33}>del (Kabat L.29) a través de enlaces $^{32}GGG^{34}$ y $^{167}GGGG^{170}$;
cadena pesada gamma 1(1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 -(IGHD) -IGHJ3*01, CDR-Kabat [5.17.12] (31-35.50-66.99-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (122-219), bisagra (220-234), CH2 N>^{301}A (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (122-451)]-disulfuro con una cadena ligera kappa parcial fusionada a una forma permutada circular de interleukina-2 humana (1'-355') [parcial V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01, CDR-Kabat [8] (parcial CDR-L1: Kabat L.24-L.27D) (24'-31')) (1'-31')] fusionada a través de un enlace peptídico $^{32'}GGG^{34'}$ a una interleukina-2 humana (IL-2, factor de crecimiento de células T (TCGF)) en una forma permutada (C-terminal fragmento 77-133 (35'-91' en la secuencia actual) fusionada al fragmento N-terminal 2-76 (92'-166' en la secuencia actual)), variante ($^{125}C>S^{83'}$), fusionada a través de enlace peptídico $^{167'}GGGG^{170'}$ a una cadena ligera kappa parcial [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 -IGKJ4*01, CDR-Kabat [5.7.9] (parcial CDR-L1: Kabat L.30-L.34) (171'-175'.191'-197'.230'-238')) (171'-248') -*Homo sapiens* IGKC*01 (249'-355')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en células ováricas de hamster Chino (CHO) K1, glicoforma alfa *antineoplásico*

2866185-77-3

Sequence / Séquence / Secuencia
IgG1 heavy chain

```
EVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCKGSGYAFT NYLIEWVRQM PGKGLEWMGV   50
INPGSGGTNY NEKFKGQVTI SADKSISTAY LQWSSLKASD TAMYYCARWR  100
GEGYYAYFDV WGQGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV  150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ  200
TYICNVNHKP SNTKVDKRVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK  250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY  300
ASTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP  350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP  400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG  450
K                                                       451
```

IgG1 light chain-permuted IL-2

```
AIRLTQSPSS FSASTGDRVT ITCKASQSVD YGGGNFHLRP RDLISNINVI   50
VLELKGSETT FMCEYADETA TIVEFLNRWI TFSQSIISTL TPTSSSTKKT  100
QLQLEHLLLD LQMILNGINN YKNPKLTRML TFKFYMPKKA TELKHLQCLE  150
EELKPLEEVL NLAQSKGGGG DSYMNWYQQK PGKAPKLLIY AASNLESGVP  200
SRFSGSGSGT DFTLTISSLQ SEDFATYYCQ QSNEDPYTFG GGTKVEIKRT  250
VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK VDNALQSGNS  300
QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ GLSSPVTKSF  350
NRGEC                                                   355
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes
N^{301}>**A**, $^{125'}C>$**S**$^{83'}$

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión
$^{32'}$*GGG*$^{34'}$, $^{167'}$*GGGG*$^{170'}$

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra IgG1 heavy chain: 22-96, 148-204, 265-325, 371-429,
22"-96", 148"-204", 265"-325", 371"-429"
Intra IgG1 light chain-IL-2: 23'-229', 63'-148', 275'-335', 23'''-229''', 63'''-148''', 275'''-335'''
Inter IgG1 heavy chain-light chain-IL-2: 224-355', 224"-355'''
Inter IgG1 heavy chain-heavy chain: 230-233, 230"-233"

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
T93', T93'''

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
IgG1 heavy chain: 451, 451"

balertatugum #

balertatug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD70 (tumor necrosis factor superfamily member 7, TNFSF7, CD27LG, CD27L)], monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfide with L-kappa light chain (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (84.8%) -IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104') , L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (79.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa *antineoplastic*
balertatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD70 (membre 7 de la superfamille du facteur de nécrose tumorale (TNF), TNFSF7, CD27LG, CD27L)], anticorps monoclonal; chaîne lourde H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (84.8%) -IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104') , L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (79.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antinéoplasique*
balertatug	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD70 (miembro 7 de la superfamilia del factor de necrosis tumoral (TNF), TNFSF7, CD27LG, CD27L)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma1 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.3%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-12*01 (84.8%) -IGKJ1*01 (83.3%) G120>Q (104') , L124>V (108')/*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (79.2%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3010940-29-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT NYGMNWVRQA PGQGLKWMGW  50
INTYTGEPTY ADAFKGRVTM TRDTSISTAY MELSRLRSDD TAVYYCARDY 100
GDYGMDYWGQ GTTVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPDS LAVSLGERAT INCRASKSVS TSGYSFMHWY QQKPGQPPKL  50
LIYLASNLES GVPDRFSGSG SGTDFTLTIS SLQAEDVAVY YCQHSREVPW 100
TFGQGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC                                    218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'''-92''' 138'''-198'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-218' 221"-218'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

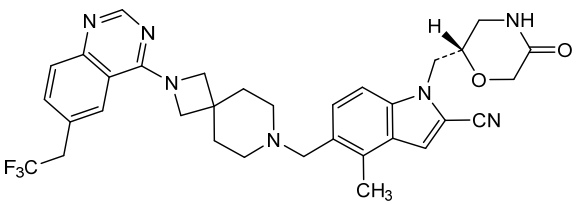
balomenibum

balomenib — 4-methyl-1-{[(2*S*)-5-oxomorpholin-2-yl]methyl}-5-({2-[6-(2,2,2-trifluoroethyl)quinazolin-4-yl]-2,7-diazaspiro[3.5]nonan-7-yl}methyl)-1*H*-indole-2-carbonitrile
menin inhibitor, antineoplastic

baloménib — 4-méthyl-1-{[(2S)-5-oxomorpholin-2-yl]méthyl}-5-({2-[6-(2,2,2-trifluoroéthyl)quinazolin-4-yl]-2,7-diazaspiro[3.5]nonan-7-yl}méthyl)-1*H*-indole-2-carbonitrile
inhibiteur de la ménine, antinéoplasique

balomenib — 4-metil-1-{[(2S)-5-oxomorfolin-2-il]metil}-5-({2-[6-(2,2,2-trifluoroetil)quinazolin-4-il]-2,7-diazaespiro[3.5]nonan-7-il}metil)-1*H*-indol-2-carbonitrilo
inhibidor de la menina, antineoplásico

$C_{33}H_{34}F_3N_7O_2$ 2939850-17-4



baloncibartum #

baloncibart	immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* NPR1 (natriuretic peptide receptor 1, natriuretic peptide receptor A, NPRA, atrionatriuretic peptide receptor A, ANPRA, guanylate cyclase A, GUCY2A)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), hinge 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (93.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-07') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa *antihypotensive*
baloncibart	immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* NPR1 (récepteur 1 du peptide natriurétique, récepteur A du peptide natriurétique, NPRA, récepteur A du peptide atrionatriurétique, ANPRA, guanylate cyclase A, GUCY2A)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), charnière 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (93.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-07') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antihypotenseur*
baloncibart	inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* NPR1 (receptor 1 del péptido natriurético, receptor A del péptido natriurético, NPRA, receptor A del péptido atrionatriurético ANPRA, guanilato ciclasa A, GUCY2A)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (89.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (121-218), bisagra 1-12 S10>P (228) (219-230), CH2 L92 (309) (231-340), CH3 (341-445), CHS (446-447)) (121-447)], (134-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (93.7%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-07') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antihipotensor*

2988795-75-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFSFV SYVMGWVRQA PGKGLEWVSS  50
ISGSLTNTYY ADPVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAAYYCVTYD 100
ILTGHLFDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPCSRSTSE STAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTKT 200
YTCNVDHKPS NTKVDKRVES KYGPPCPPCP APEFLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSQED PEVQFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQFNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKGLPS SIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSQEEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSRL TVDKSRWQEG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSLGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
AIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRSSQGIR NDFGWYQQKP GKAPKLLIYA  50
ASRLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTINNLQP EDFATYYCLQ DYTYPFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	147-203	261-321	367-425
	22"-96"	147"-203"	261"-321"	367"-425"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'		
	23'''-88'''	134'''-194'''		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	134-214'	134"-214'''		
Inter-H-H (h 8, h 11)	226-226"	229-229"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

baluretgenum parvecum #

baluretgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 5 (rAAV5) vector encoding human photoreceptor-specific nuclear hormone receptor subfamily 2, group E member 3 (NR2E3) under control of the CAG promoter (CMV enhancer / chicken beta-actin (CBA) promoter / chimeric intron) and a simian virus 40 (SV40) polyadenylation signal; flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (Leber's hereditary optic neuropathy)

baluretgène parvec

vecteur recombinant de virus adéno-associé non réplicatif de sérotype 5 (rAAV5) codant le membre 3 du groupe E de la sous-famille 2 de récepteurs d'hormones nucléaires spécifiques aux photorécepteurs humains (NR2E3), sous le contrôle du promoteur CAG (amplificateur du CMV / promoteur de la bêta-actine de poulet (CBA) / intron chimérique), et un signal de polyadénylation du virus simien 40 (SV40); flanqué des répétitions terminales inversées AAV2
thérapie génique (neuropathie optique héréditaire de Leber)

baluretgén parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 5, recombinante (rAAV5), no replicativo, que codifica el miembro 3 del grupo E de la subfamilia 2 del receptor nuclear de hormona específico de fotorreceptores (NR2E3) humano bajo el control del promotor CAG (potenciador de CMV / promotor de la beta actina de pollo (CBA) / intrón quimérico) y una señal de poliadenilación del virus simio 40 (SV40); flanqueado por las repeticiones terminales invertidas del AAV2
terapia génica (neuropatía óptica hereditaria de Leber)

2964417-29-4

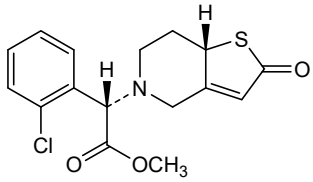
becondogrelum

becondogrel — methyl (*S*)-(2-chlorophenyl)[(7a*S*)-2-oxo-2,6,7,7a-tetrahydrothieno[3,2-*c*]pyridin-5(4*H*)-yl]acetate
platelet aggregation inhibitor

bécondogrel — (*S*)-(2-chlorophényl)[(7a*S*)-2-oxo-2,6,7,7a-tétrahydrothiéno[3,2-*c*]pyridin-5(4*H*)-yl]acétate de méthyle
antiagrégant plaquettaire

becondogrel — (*S*)-(2-clorofenil)[(7a*S*)-2-oxo-2,6,7,7a-tetrahidrotieno[3,2-*c*]piridin-5(4*H*)-il]acetato de metilo
inhibidor de la agregación plaquetaria

$C_{16}H_{16}ClNO_3S$ 1416696-44-0



besufetamigum #

besufetamig — immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific;
H-gamma1 heavy chain anti-PDCD1 *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (122), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v72 CH3 D7, E24 (CH1 R120 (224) (128-225), hinge 1-15 (226-240), CH2 L1.2>G (245), G1.1>R (246) (241-350), CH3 L7>D (361), E12 (366), M14 (368), L24>E (378) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')];
H-gamma1 heavy chain anti-CD3E *Homo sapiens* (1''-447'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-33''.51''-58''.97''-107'')) (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v73 CH3 K7, K22 (CH1 R120 (215) (119''-216''), hinge 1-15 (217'', 231''), CH2 L1.2>G (236''), G1.1>R (237'') (232''-341''), CH3 L7>K (352''), E12 (357''), M14 (359''), T22>K (367'') (342''-446''), CHS K2>del (447'')) (119''-447'')], (221''-214''')-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimer (236-227'': 239-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
immunosuppressant, antineoplastic

bésufétamig	immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, bispécifique; chaîne lourde H-gamma1 anti-PDCD1 *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (122), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v72 CH3 D7, E24 (CH1 R120 (224) (128-225), charnière 1-15 (226-240), CH2 L1.2>G (245), G1.1>R (246) (241-350), CH3 L7>D (361), E12 (366), M14 (368), L24>E (378) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfure avec la chaîne légère commune L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; chaîne lourde H-gamma1 anti-CD3E *Homo sapiens* (1''-447'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26''-33''.51''-58''.97''-107'')) (1''-118'') -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v73 CH3 K7, K22 (CH1 R120 (215) (119''-216''), charnière 1-15 (217'', 231''), CH2 L1.2>G (236''), G1.1>R (237'') (232''-341''), CH3 L7>K (352''), E12 (357''), M14 (359''), T22>K (367'') (342''-446''), CHS K2>del (447'')) (119''-447'')], (221''-214''')-disulfure avec la chaîne légère commune L-kappa *Homo sapiens* (1'''-214''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'''-32'''.50'''-52'''.89'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'''), V101 (191''')) (108'''-214''')]; dimère (236-227'': 239-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *immunosuppresseur, antinéoplasique*
besufetamig	inmunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, biespecífico; cadena pesada H-gamma1 anti-PDCD1 *Homo sapiens* (1-456) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (122), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v72 CH3 D7, E24 (CH1 R120 (224) (128-225), bisagra 1-15 (226-240), CH2 L1.2>G (245), G1.1>R (246) (241-350), CH3 L7>D (361), E12 (366), M14 (368), L24>E (378) (351-455), CHS K2>del (456)) (128-456)], (230-214')-disulfuro con la cadena ligera común L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')];

cadena pesada H-gamma1 anti-CD3E *Homo sapiens* (1"-447") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ5*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26"-33".51"-58".97"-107")) (1"-118") -*Homo sapiens* IGHG1*03 G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v59-1 CH2 G1.2, R1.1, 14-G1v73 CH3 K7, K22 (CH1 R120 (215) (119"-216"), bisagra 1-15 (217", 231"), CH2 L1.2>G (236"), G1.1>R (237") (232"-341"), CH3 L7>K (352"), E12 (357"), M14 (359"), T22>K (367") (342"-446"), CHS K2>del (447")) (119"-447")], (221"-214"')-disulfuro con la cadena ligera común L-kappa *Homo sapiens* (1'"-214"') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'"-32'".50'"-52'".89'"-97'")) (1'"-107"') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'"), V101 (191'")) (108'"-214'")]; dímero (236-227": 239-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa

3037124-22-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-PDCD1 (H)

```
QVQLVQSGSE LKQPGASVKV SCKASGYTFT HYALHWLRQA PGQGLEWMGW  50
LNTNTENPTF AQGFTGRFVF SLDTSVTTAY LQISSLKAED TAVYYCARGD 100
MVVPTTIWNY YHFMDVWGQG TTVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS 200
SSLGTQTYIC NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKTHTCPPCP APELGRGPSV 250
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK 300
PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK 350
GQPREPQVYT DPPSREEMTK NQVSLTCEVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN 400
YKTTPPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS 450
LSLSPG                                                 456
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-CD3E (H")

```
QVQLVQSGGG VVQPGRSLRL SCVASGFTFS SYGMHWVRQA PGKGLEWVAQ  50
IWYNARKQEY SDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCTRGT 100
GYNWFDPWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPELGRGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TKPPSREEMT KNQVSLKCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPG    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common (L', L'")

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSIS SYLNWYQQKP GKAPKLLIYA  50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 154-210 271-331 377-435
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"

Intra-H-L (h 5-CL 126) 230-214' 221"-214'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 236-227" 239-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 307, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

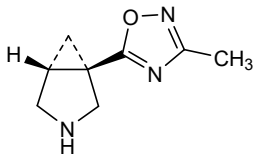
betovumelinum

betovumeline — (1*R*,5*R*)-1-(3-methyl-1,2,4-oxadiazol-5-yl)-3-azabicyclo[3.1.0]hexane
muscarinic receptor agonist

bétovuméline — (1*R*,5*R*)-1-(3-méthyl-1,2,4-oxadiazol-5-yl)-3-azabicyclo[3.1.0]hexane
agoniste des récepteurs muscariniques

betovumelina — (1*R*,5*R*)-1-(3-metil-1,2,4-oxadiazol-5-il)-3-azabiciclo[3.1.0]hexano
agonista de los receptores muscarinicos

$C_8H_{11}N_3O$ 1314018-44-4



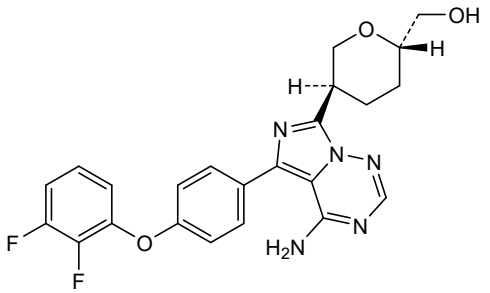
birelentinibum

birelentinib — [(2*S*,5*S*)-5-{4-amino-5-[4-(2,3-difluorophenoxy)phenyl]imidazo[5,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl}oxan-2-yl]methanol
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

birélentinib — [(2*S*,5*S*)-5-{4-amino-5-[4-(2,3-difluorophénoxy)phényl]imidazo[5,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl}oxan-2-yl]méthanol
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

birelentinib — [(2*S*,5*S*)-5-{4-amino-5-[4-(2,3-difluorofenoxi)fenil]imidazo[5,1-*f*][1,2,4]triazin-7-il}oxan-2-il]metanol
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{23}H_{21}F_2N_5O_3$ 2662512-15-2



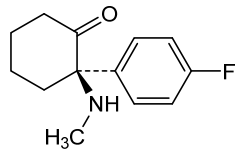
blixeprodilum

blixeprodil — (2*R*)-2-(4-fluorophenyl)-2-(methylamino)cyclohexan-1-one
N-methyl-D-aspartate (NMDA) receptor antagonist

blixéprodil — (2*R*)-2-(4-fluorophényl)-2-(méthylamino)cyclohexan-1-one
antagoniste des récepteurs du N-méthyl-D-aspartate (NMDA)

blixeprodil (2*R*)-2-(4-fluorofenil)-2-(metilamino)ciclohexan-1-ona
antagonista del receptor de N-metil-D-aspartato (NMDA)

$C_{13}H_{16}FNO$ 2881017-49-6



bocunebartum #

bocunebart immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1 (adenylate cyclase-activating polypeptide 1, pituitary adenylate cyclase-activating polypeptide, PACAP)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.6] (26-33.51-57.96-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (209) (113-210), hinge 1-15 (211-225), CH2 N84.4>A (292) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-216')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (85.4%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (102'), CDR-IMGT [7.3.10] (27'-33'.51'-53'.90'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (155'), V101 (193')) (110'-216')]; dimer (221-221'':224-224'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, non-glycosylated
anti-inflammatory

bocunebart immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1 (polypeptide 1 activant l'adénylate cyclase, polypeptide activant l'adénylate cyclase pituitaire, PACAP)]; anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.6] (26-33.51-57.96-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (209) (113-210), charnière 1-15 (211-225), CH2 N84.4>A (292) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-216')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (85.4%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (102'), CDR-IMGT [7.3.10] (27'-33'.51'-53'.90'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (155'), V101 (193')) (110'-216')]; dimère (221-221'':224-224'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, non-glycosylé
anti-inflammatoire

bocunebart inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ADCYAP1 (polipéptido 1 activador de la adenilato ciclasa, polipéptido activador de la adenilato ciclasa pituitaria, PACAP)]; anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.6] (26-33.51-57.96-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 8-G1v29 CH2 A84.4 (CH1 R120>K (209) (113-210), bisagra 1-15 (211-225), CH2 N84.4>A (292) (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-216')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-216') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*01 (85.4%) -IGKJ1*01 (90.0%) Q120>G (102'), CDR-IMGT [7.3.10] (27'-33'.51'-53'.90'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (155'), V101 (193')) (110'-216')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, no glicosilado

antiinflamatorio

2984605-64-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGIDLN SYYMTWVRQA PGKGLEWIGF  50
IDAGGDAYYA SWAKGRFTIS RDNSKNTVYL QMNSLRAEDT AVYFCARDLD 100
LWGQGTLVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL VKDYFPEPVT 150
VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT QTYICNVNHK 200
PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR 250
TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ YASTYRVVSV 300
LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR 350
EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP PVLDSDGSFF 400
LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP GK         442
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQLTQSPST LSASVGDRVT ITCQSSESVY GNYLAWFQQK PGKAPKFLIY  50
EASKLESGVP SRFSGSGSGT EFTLTISSLQ PDDFATYYCA GGDISEGVAF 100
GGGTKVEIKR TVAAPSVFIF PPSDEQLKSG TASVVCLLNN FYPREAKVQW 150
KVDNALQSGN SQESVTEQDS KDSTYSLSST LTLSKADYEK HKVYACEVTH 200
QGLSSPVTKS FNRGEC                                      216
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 139-195 256-316 362-420
22"-95" 139"-195" 256"-316" 362"-420"
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 136'-196'
23'''-89''' 136'''-196'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 215-216' 215"-216'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 221-221" 224-224"

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningùm posición de N-glycosilación
H CH2 N84.4>A (8-G1v29): 292, 292"

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 442, 442"

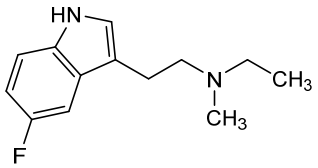
bretisilocinum

bretisilocin — *N*-ethyl-2-(5-fluoro-1*H*-indol-3-yl)-*N*-methylethan-1-amine
serotonin (5-HT$_{2A}$) receptor agonist

brétisilocine — *N*-éthyl-2-(5-fluoro-1*H*-indol-3-yl)-*N*-méthyléthan-1-amine
agoniste des récepteurs de la sérotonine (5-HT$_{2A}$)

bretisilocina — *N*-etil-2-(5-fluoro-1*H*-indol-3-il)-*N*-metiletan-1-amina
agonista del receptor de serotonina (5-HT$_{2A}$)

$C_{13}H_{17}FN_2$ 2698331-35-8



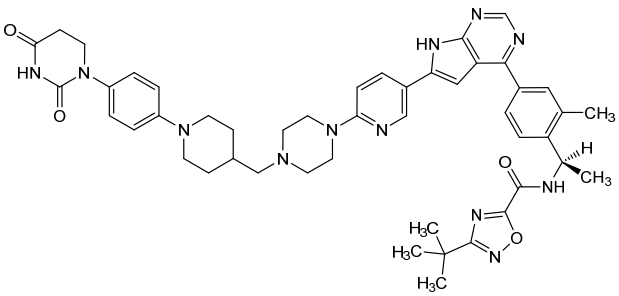
catadegbrutinibum

catadegbrutinib — 3-*tert*-butyl-*N*-{(1*R*)-1-[1^3-methyl-8^2,8^4-dioxo-2^7*H*-2(4,6)-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidina-8(1)-[1,3]diazinana-4(1,4)-piperazina-3(5,2)-pyridina-6(4,1)-piperidina-1(1),7(1,4)-dibenzenaoctaphan-1^4-yl]ethyl}-1,2,4-oxadiazole-5-carboxamide
Bruton tyrosine kinase degrader, antineoplastic

catadegbrutinib — 3-*tert*-butyl-*N*-{(1*R*)-1-[1^3-méthyl-8^2,8^4-dioxo-2^7*H*-2(4,6)-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidina-8(1)-[1,3]diazinana-4(1,4)-pipérazina-3(5,2)-pyridina-6(4,1)-pipéridina-1(1),7(1,4)-dibenzénaoctaphan-1^4-yl]éthyl}-1,2,4-oxadiazole-5-carboxamide
dégradeur de tyrosine kinase de Bruton, antinéoplasique

catadegbrutinib — 3-*terc*-butil-*N*-{(1*R*)-1-[1^3-metil-8^2,8^4-dioxo-2^7*H*-2(4,6)-pirrolo[2,3-*d*]pirimidina-8(1)-[1,3]diazinana-4(1,4)-piperazina-3(5,2)-piridina-6(4,1)-piperidina-1(1),7(1,4)-dibencenaoctafan-1^4-il]etil}-1,2,4-oxadiazol-5-carboxamida
degradador de la tirosina kinasa de Bruton, antineoplásico

$C_{47}H_{54}N_{12}O_4$ 2736508-60-2



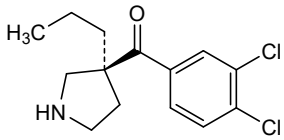
cendifensinum

cendifensine — (3,4-dichlorophenyl)[(3*S*)-3-propylpyrrolidin-3-yl]methanone
monoamine reuptake inhibitor

cendifensine — (3,4-dichlorophényl)[(3*S*)-3-propylpyrrolidin-3-yl]méthanone
inhibiteur de la recapture des monoamines

cendifensina — (3,4-diclorofenil)[(3*S*)-3-propilpirrolidin-3-il]metanona
modulador de la recaptación de monoaminas

$C_{14}H_{17}Cl_2NO$ 1034048-49-1



cenvacibartum #

cenvacibart — immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (coagulation factor 11, coagulation factor XI, FXI, plasma thromboplastin antecedent, PTA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (91.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (119-216), hinge 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (224-224":227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
anticoagulant

cenvacibart — immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (facteur de coagulation 11, facteur de coagulation XI, FXI, antécédent de la thromboplastine plasmatique, PTA)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (91.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (119-216), charnière 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (224-224":227-227")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
anticoagulant

cenvacibart — inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* F11 (factor de coagulación 11, factor de coagulación XI, FXI, antecedente de la tromboplastina plasmática, PTA)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;

cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (91.7%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (119-216), bisagra 1-12 S10>P (226) (217-228), CH2 L92 (307) (229-338), CH3 (339-443), CHS (444-445)) (119-445)], (132-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (224-224":227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
anticoagulante

3008610-21-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS DYSMNWIRQA PGKGLEWISY  50
ISFSGNSIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRVED TAIYYCTSRD 100
WGYAFDIWGQ GTMVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTKTYT 200
CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCPAP EFLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQFNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ PREPQVYTLP 350
PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS LSLGK      445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSF LSASLGDRVT ITCQASQDIS NYLNWYQVKP GKAPKLLIYD  50
ASNLETGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYFCQQ YDNLPYIFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 259-319 365-423
22"-96" 145"-201" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 132-214' 132"-214'"
Inter-H-H (h 8, h 11) 224-224" 227-227"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

cenzestotugum #

cenzestotug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 4, OX40, CD134)], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV2-2*01 (80.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>L (108)/*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.7] (26-33.51-57.96-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (210) (114-211), hinge 1-15 (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%) V124>L (104'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

cenzestotug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (membre 4 de la superfamille des récepteurs des facteurs de nécrose tumorale (TNFR), OX40, CD134)]; anticorps monoclonal;

chaîne lourde H-gamma1 (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV2-2*01 (80.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>L (108)/*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.7] (26-33.51-57.96-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (210) (114-211), charnière 1-15 (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%) V124>L (104'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

cenzestotug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF4 (miembro 4 de la superfamilia de los receptores de los factores de necrosis tumoral (TNFR), OX40, CD134)]; anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV2-2*01 (80.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>L (108)/*Homo sapiens* IGHV3-30-5*03 (76.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.7.7] (26-33.51-57.96-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (210) (114-211), bisagra 1-15 (212-226), CH2 (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.4%) -IGKJ4*01 (81.8%) V124>L (104'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3014361-58-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVESGGG VVQPGRSLRI SCAVSGFSLT SYGVLWVRQA PGKGLEWLGV  50
IWSGGSTDYN AAFISRLTIS RDNSKSTVYF QMNSLRAEDT AVYYCAREEF 100
GYWGQGTLVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TQTYICNVNH 200
KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSLS PGK        443
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDIN NYLNWYQQKP GGAVKLLIYY  50
TSRLHTGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDIATYYCQQ TNTLPWTFGG 100
GTKLEVKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 140-196 257-317 363-421
22"-95" 140"-196" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 216-214' 216"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 222-222" 225-225"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 293, 293"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 443, 443"

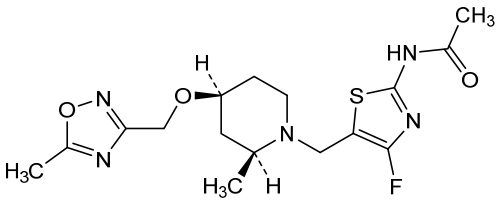
ceperognastatum

ceperognastat — *N*-[4-fluoro-5-({(2*S*,4*S*)-2-methyl-4-[(5-methyl-1,2,4-oxadiazol-3-yl)methoxy]piperidin-1-yl}methyl)-1,3-thiazol-2-yl]acetamide
O-GlcNAcase (OGA) enzyme inhibitor

cépérognastat — *N*-[4-fluoro-5-({(2*S*,4*S*)-2-méthyl-4-[(5-méthyl-1,2,4-oxadiazol-3-yl)méthoxy]pipéridin-1-yl}méthyl)-1,3-thiazol-2-yl]acétamide
inhibiteur de l'enzyme O-GlcNAcase (OGA)

ceperognastat — *N*-[4-fluoro-5-({(2*S*,4*S*)-2-metil-4-[(5-metil-1,2,4-oxadiazol-3-il)metoxi]piperidin-1-il}metil)-1,3-tiazol-2-il]acetamida
inhibidor del enzima O-GlcNAcase (OGA)

$C_{16}H_{22}FN_5O_3S$ 2241514-56-5



ciltistotugum #

ciltistotug — immunoglobulin G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (TNFRSF5, tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 5, p50)], monoclonal antibody;
H-gamma2 heavy chain (1-441) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) V124>L (111), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG2*01 G2m.. (100%) CH2 V45.1 (CH1 (116-213), hinge 1-12 (214-225), CH2 V45.1 (276) (226-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-219')-disulfide with L-kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (88.0%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (109')/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (217-217":218-218":221-221":224-224")-tetrakisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

ciltistotug — immunoglobuline G2-kappa, anti-[*Homo sapiens*CD40 (TNFRSF5, membre 5 de la superfamille des récepteurs des facteurs de nécrose tumorale (TNFR), p50)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma2 (1-441) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) V124>L (111), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG2*01 G2m.. (100%) CH2 V45.1 (CH1 (116-213), charnière 1-12 (214-225), CH2 V45.1 (276) (226-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-219')-disulfure avec la chaîne

légère kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (88.0%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (109')/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (217-217":218-218":221-221":224-224")-tétrakisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

ciltistotug — inmunoglobulina G2-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40 (TNFRSF5, miembro 5 de la superfamilia de los receptores de los factores de necrosis tumoral (TNFR), p50)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma2 (1-441) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (84.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-2*02 (79.6%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) V124>L (111), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG2*01 G2m.. (100%) CH2 V45.1 (CH1 (116-213), bisagra 1-12 (214-225), CH2 V45.1 (276) (226-334), CH3 (335-439), CHS (440-441)) (116-441)], (129-219')-disulfuro con la cadena ligera kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (88.0%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (109')/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (88.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (217-217":218-218":221-221":224-224")-tetrakisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3014361-59-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKL SCKASGYTFI SYYIYWVKQA PGQGLEWIGG  50
INPRNGGTNF NEKFKSRATL TVDTSISTAY MELSRLRSED TAVYYCTRHG 100
NGVYWGQGTT LTVSSASTKG PSVFPLAPCS RSTSESTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSN FGTQTYTCNV 200
DHKPSNTKVD KTVERKCCVE CPPCPAPPVA GPSVFLFPPK PKDTLMISRT 250
PEVTCVVVDV SHEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF NSTFRVVSVL 300
TVVHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPAPIEKTI SKTKGQPREP QVYTLPPSRE 350
EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP MLDSDGSFFL 400
YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG K         441
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DVVMTQSPLS LPVTLGQPAS ISCRSSQSLL HSNGNTYLHW YQQRPGQSPN  50
HLIYQVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YFCSQTTHVP 100
WTFGGGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 255-315 361-419
22"-96" 142"-198" 255"-315" 361"-419"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'"-93'" 139'"-199'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 129-219' 129"-219'"
Inter-H-H (h 4, h 5, h 8, h11) 217-217" 218-218" 221-221" 224-224"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 291, 291"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 441, 441"

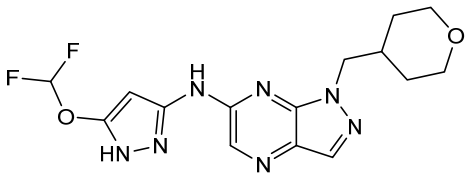
cirtociclibum

cirtociclib — *N*-[5-(difluoromethoxy)-1*H*-pyrazol-3-yl]-1-[(oxan-4-yl)methyl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyrazin-6-amine
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

cirtociclib — *N*-[5-(difluorométhoxy)-1*H*-pyrazol-3-yl]-1-[(oxan-4-yl)méthyl]-1*H*-pyrazolo[3,4-*b*]pyrazin-6-amine
inhibiteur de la kinase cycline-dépendante, antinéoplasique

cirtociclib — *N*-[5-(difluorometoxi)-1*H*-pirazol-3-il]-1-[(oxan-4-il)metil]-1*H*-pirazolo[3,4-*b*]pirazin-6-amina
inhibidor de la kinasa dependiente de ciclinas, antineoplásico

$C_{15}H_{17}F_2N_7O_2$ 2888704-84-3



claseprubartum #

claseprubart — immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (complement C1s)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (118-215), hinge 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L1.2>E (232), M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253), L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (223-223'':226-226'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunosuppressant

claséprubart — immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (complément C1s)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (118-215), charnière 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L1.2>E (232), M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253), L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens*

(1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunosuppresseur

claseprubart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1S (complemento C1s)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-443) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2, 9-G4v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 (118-215), bisagra 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L1.2>E (232), M15.1>Y (249), S16>T (251), T18>E (253), L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS K2>del (443)) (118-443)], (131-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (95.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunosupresor

2922766-89-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS DYYMSWIRQA PGKGLEWVSY  50
ISRSGSTKYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARDE 100
NYALDWWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FEGGPSVFLF PPKPKDTLYI 250
TREPEVTCVV VDVSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLG        443
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASQDIS NYLNWYQQKP GKAPKLLIYD  50
ASNLETGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQH YEDYPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 258-318 364-422
22"-96" 144"-200" 258"-318" 364"-422"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 131-214' 131"-214'"
Inter-H-H (h 8, h 11) 223-223" 226-226"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

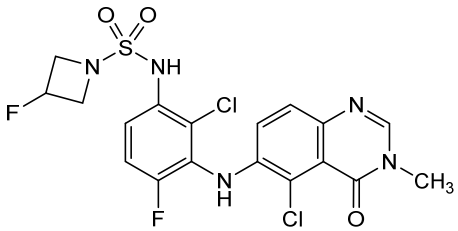
claturafenibum

claturafenib — *N*-{2-chloro-3-[(5-chloro-3-methyl-4-oxo-3,4-dihydroquinazolin-6-yl)amino]-4-fluorophenyl}-3-fluoroazetidine-1-sulfonamide
B-Raf (BRAF) inhibitor, antineoplastic

claturafénib — *N*-{2-chloro-3-[(5-chloro-3-méthyl-4-oxo-3,4-dihydroquinazolin-6-yl)amino]-4-fluorophényl}-3-fluoroazétidine-1-sulfonamide
inhibiteur de B-Raf (BRAF), antinéoplasique

claturafenib — *N*-{2-cloro-3-[(5-cloro-3-metil-4-oxo-3,4-dihidroquinazolin-6-il)amino]-4-fluorofenil}-3-fluoroazetidina-1-sulfonamida
inhibidor B-Raf (BRAF), antineoplásico

$C_{18}H_{15}Cl_2F_2N_5O_3S$ 2754408-94-9



cliramitugum #

cliramitug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TTR (transthyretin) amyloid], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.12](26-35.53-59.98-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (92.6%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
transthyretin inhibitor, amyloidosis

cliramitug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TTR (transthyrétine) amyloïde], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.12] (26-35.53-59.98-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (92.6%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
inhibiteur de la transthyrétine, amylose

cliramitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TTR (transtiretina) amieloide], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (87.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (100%), CDR-IMGT [10.7.12] (26-35.53-59.98-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (92.6%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inhibidor de transtiretina, amiloidosis

2965214-50-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QLQLQESGPG LVKPSETLSL TCSVSGGSII SRSSYWGWIR QPPGKGLEWI  50
GGIYHSGNTY DNPSLKSRLT MSVDTSKNQF SLNLRSVTAA DTAVYYCARI 100
VPGGDAFDIW GQGTMVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKRVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT IACRASQSVG TYLNWYQQKR GKAPKLLIFA  50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYSSPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-97 147-203 264-324 370-428
22"-97" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

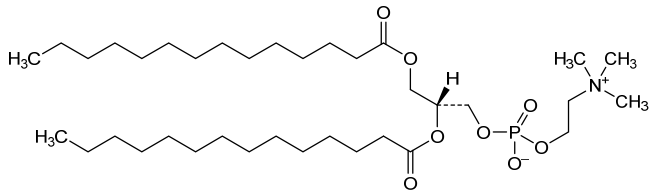
colfoscerili miristas
colfosceril miristate

(2*R*)-2,3-bis(tetradecanoyloxy)propyl 2-(trimethylazaniumyl)ethyl phosphate
surfactant replacement

miristate de colfoscéril — phosphate de (2*R*)-2,3-bis(tétradécanoyloxy)propyle et de 2-(triméthylazaniumyl)éthyle
surfactant pulmonaire

miristato de colfoscerilo — fosfato de (2*R*)-2,3-bis(tetradecanoiloxi)propilo y 2-(trimetilazanioil)etilo
surfactante pulmonar

$C_{36}H_{72}NO_8P$ 18194-24-6



colulintidum

colulintide — *N*$^{2.1}$-acetyl-*N*$^{6.11}$-[(22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oyl]calcitonin [*Anguilla japonica* (Japanese eel)], [C^{1}>A, N^{3}>H, C^{7}>A, Q^{14}>2MeAla, Q^{20}>E, T^{21}>D, G^{30}>E, T^{31}>S]-variant;
N-acetyl-L-alanyl-L-seryl-L-histidyl-L-leucyl-L-seryl-L-threonyl-L-alanyl-L-valyl-L-leucylglycyl-N^{6}-({[N-(19-carboxynonadecanoyl)-L-γ-glutamyl]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tetraoxa-9-azaheptadecanoic-1-oyl)-L-lysyl-L-leucyl-L-seryl-2-methylalanyl-L-α-glutamyl-L-leucyl-L-histidyl-L-lysyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-prolyl-L-arginyl-L-threonyl-L-α-aspartyl-L-valylglycyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-seryl-L-prolylamide
amylin functional analogue, obesity

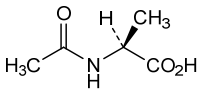
colulintide — *N*$^{2.1}$-acétyl-*N*$^{6.11}$-[(22*S*)-22,42-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazadotétracontan-1-oyl]calcitonine [*Anguilla japonica* (anguille du Japon)], variant [C^{1}>A, N^{3}>H, C^{7}>A, Q^{14}>2MeAla, Q^{20}>E, T^{21}>D, G^{30}>E, T^{31}>S];
N-acétyl-L-alanyl-L-séryl-L-histidyl-L-leucyl-L-séryl-L-thréonyl-L-alanyl-L-valyl-L-leucylglycyl-*N*^{6}-({[*N*-(19-carboxynonadécanoyl)-L-γ-glutamyl]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tétraoxa-9-azaheptadécanoïc-1-oyl)-L-lysyl-L-leucyl-L-séryl-2-méthylalanyl-L-α-glutamyl-L-leucyl-L-histidyl-L-lysyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-prolyl-L-arginyl-L-thréonyl-L-α-aspartyl-L-valylglycyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-séryl-L-prolylamide
analogue fonctionnel de l'amyline, obésité

colulintida — *N*$^{2.1}$-acetil-*N*$^{6.11}$-[(22*S*)-22,42-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazadotetracontan-1-oil]calcitonina (*Anguilla japonica*), variante [C^{1}>A, N^{3}>H, C^{7}>A, Q^{14}>2MeAla, Q^{20}>E, T^{21}>D, G^{30}>E, T^{31}>S];
N-acetil-L-alanil-L-seril-L-histidil-L-leucil-L-seril-L-treonil-L-alanil-L-valil-L-leucilglicil-*N*^{6}-({[*N*-(19-carboxinonadecanoil)-L-γ-glutamil]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tetraoxa-9-azaheptadecanoic-1-oil)-L-lisil-L-leucil-L-seril-2-metilalanil-L-α-glutamil-L-leucil-L-histidil-L-lisil-L-leucil-L-α-glutamil-L-α-aspartil-L-tirosil-L-prolil-L-arginil-L-treonil-L-α-aspartil-L-valilglicil-L-alanil-L-α-glutamil-L-seril-L-prolilamida
análogo funcional de la amilina, obesidad

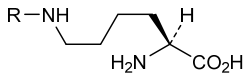
$C_{188}H_{309}N_{45}O_{62}$ 2891912-36-8

ASHLSTAVLG KLSAELHKLE DYPRTDVGAE SP 32

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

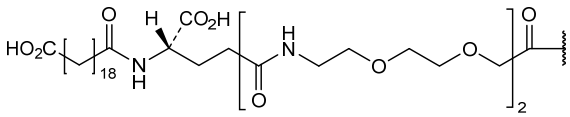


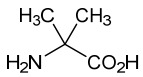
A (1)
N-Ac-L-Ala



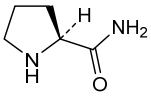
K (11)
N^6-R-L-Lys

R:





A (14)
2-methyl-Ala, Aib



P (32)
L-Pro-NH_2

corabotasum #

corabotase

botulinum neurotoxin type A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum* strain Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], heavy chain fragment (HC 1-424), fused to botulinum neurotoxin type B (BoNT/B, botB) (*Clostridium botulinum* strain Okra), heavy chain, C-terminal fragment (HC 419-850, 425-856 in the final protein), variant (E^{750}>M^{756}, S^{758}>Y^{764}), (6-429')-disulfide with botulinum neurotoxin type A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum* strain Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], des-Met^0-light chain (LC 1'-437') (EC:3.4.24.69), produced by *Escherichia coli*
muscle relaxant

corabotase

neurotoxine botulique de type A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum*, souche Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], chaîne lourde, fragment (HC 1-424), fusionné à la neurotoxine botulique de type B (BoNT/B, botB) (*Clostridium botulinum*, souche Okra), chaîne lourde, fragment C-terminal (HC 419-850, 425-856 dans la protéine finale), variant (E^{750}>M^{756}, S^{758}>Y^{764}), (6-429')-disulfure avec neurotoxine botulique de type A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum*, souche Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], chaîne légère dés-Met^0 (LC 1'-437') (EC:3.4.24.69), produite par *Escherichia coli*
relaxant musculaire

corabotasa

neurotoxina botulínica tipo A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum* cepa Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], cadena pesada, fragmento (HC 1-424), fusionada a neurotoxina botulínica tipo B (BoNT/B, botB) (*Clostridium botulinum* cepa Okra), cadena pesada, fragmento C-terminal (HC 419-850, 425-856 en la proteína final), variante (E^{750}>M^{756}, S^{758}>Y^{764}), (6-429')-

disulfuro con neurotoxina botulínica tipo A (BoNT/A, botA) [*Clostridium botulinum* cepa Hall (ATCC 3502, NCTC 13319)], cadena ligera des-Met^0 (LC 1'-437') (EC:3.4.24.69), producida por *Escherichia coli*
relajante muscular

2616765-46-7

Sequence / Séquence / Secuencia
Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: **BoNT/A** + BoNT/B

```
ALNDLCIKVN NWDLFFSPSE DNFTNDLNKG EEITSDTNIE AAEENISLDL    50
IQQYYLTFNF DNEPENISIE NLSSDIIGQL ELMPNIERFP NGKKYELDKY   100
TMFHYLRAQE FEHGKSRIAL TNSVNEALLN PSRVYTFFSS DYVKKVNKAT   150
EAAMFLGWVE QLVYDFTDET SEVSTTDKIA DITIIIPYIG PALNIGNMLY   200
KDDFVGALIF SGAVILLEFI PEIAIPVLGT FALVSYIANK VLTVQTIDNA   250
LSKRNEKWDE VYKYIVTNWL AKVNTQIDLI RKKMKEALEN QAEATKAIIN   300
YQYNQYTEEE KNNINFNIDD LSSKLNESIN KAMININKFL NQCSVSYLMN   350
SMIPYGVKRL EDFDASLKDA LLKYIYDNRG TLIGQVDRLK DKVNNTLSTD   400
IPFQLSKYVD NQRLLSTFTE YIKNILNNII LNLRYKDNNL IDLSGYGAKV   450
EVYDGVELND KNQFKLTSSA NSKIRVTQNQ NIIFNSVFLD FSVSFWIRIP   500
KYKNDGIQNY IHNEYTIINC MKNNSGWKIS IRGNRIIWTL IDINGKTKSV   550
FFEYNIREDI SEYINRWFFV TITNNLNNAK IYINGKLESN TDIKDIREVI   600
ANGEIIFKLD GDIDRTQFIW MKYFSIFNTE LSQSNIEERY KIQSYSEYLK   650
DFWGNPLMYN KEYYMFNAGN KNSYIKLKKD SPVGEILTRS KYNQNSKYIN   700
YRDLYIGEKF IIRRKSNSQS INDDIVRKED YIYLDFFNLN QEWRVYTYKY   750
FKKEFMKLFL APIYDSDEFY NTIQIKEYDE QPTYSCQLLF KKDEESTDEI   800
GLIGIHRFYE SGIVFEEYKD YFCISKWYLK EVKRKPYNLK LGCNWQFIPK   850
DEGWTE                                                   856
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: BoNT/A

```
PFVNKQFNYK DPVNGVDIAY IKIPNAGQMQ PVKAFKIHNK IWVIPERDTF    50
TNPEEGDLNP PPEAKQVPVS YYDSTYLSTD NEKDNYLKGV TKLFERIYST   100
DLGRMLLTSI VRGIPFWGGS TIDTELKVID TNCINVIQPD GSYRSEELNL   150
VIIGPSADII QFECKSFGHE VLNLTRNGYG STQYIRFSPD FTFGFEESLE   200
VDTNPLLGAG KFATDPAVTL AHELIHAGHR LYGIAINPNR VFKVNTNAYY   250
EMSGLEVSFE ELRTFGGHDA KFIDSLQENE FRLYYYNKFK DIASTLNKAK   300
SIVGTTASLQ YMKNVFKEKY LLSEDTSGKF SVDKLKFDKL YKMLTEIYTE   350
DNFVKFFKVL NRKTYLNFDK AVFKINIVPK VNYTIYDGFN LRNTNLAANF   400
NGQNTEINNM NFTKLKNFTG LFEFYKLLCV RGIITSK                 437
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes
BoNT/B C-terminal fragment: E^{750}>**M**^{756}, S^{758}>**Y**^{764}

Post-translational modifications
Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro
6-429'

N-Glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
none / aucun / ninguna

crusekitugum #
crusekitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (89.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
immunosuppressant, anti-inflammatory

crusékitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (89.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunosuppresseur, anti-inflammatoire

crusekitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-4*08 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.14] (26-33.51-57.96-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-217')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (89.2%) -IGKJ4*01 (91.7%), CDR-IMGT [6.3.12] (27'-32'.50'-52'.89'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
inmunosupresor, intiinflamatorio

2956768-50-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLQESGPG LVKPSETLSL TCTVSGIDLS LFYMSWIRQP PGKGLEWIGT  50
IHEVASSYYA SWAKGRVTIS KDTSKNQFSL KLSSVTAADT AVYYCARETY 100
SSRYPYPNIW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCQASQNIG GSLAWYQQKP GKAPKLLIYG  50
ASSLASGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQS YNTISTYGLA 100
FGGGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC                                     217
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 147-203 264-324 370-428
22"-95" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 137'-197'
23'''-88''' 137'''-197'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-217' 223"-217'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

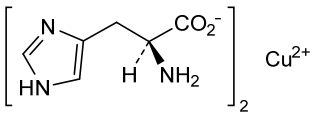
cupri histidinas

copper histidinate — di(L-histidinato)copper
copper supplement

histidinate de cuivre — di(L-histidinato)cuivre
supplément en cuivre

histidinato de cobre — di(L-histidinato)cobre
suplemento de cobre

$C_{12}H_{16}CuN_6O_4$ 13870-80-9



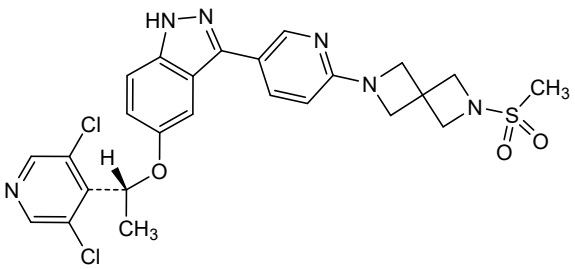
dabogratinibum

dabogratinib — [6-(5-{5-[(1*R*)-1-(3,5-dichloropyridin-4-yl)ethoxy]-1*H*-indazol-3-yl}pyridin-2-yl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptan-2-yl](methyl)-λ^6-sulfanedione
fibroblast growth factor receptor inhibitor, antineoplastic

dabogratinib — [6-(5-{5-[(1*R*)-1-(3,5-dichloropyridin-4-yl)éthoxy]-1*H*-indazol-3-yl}pyridin-2-yl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptan-2-yl](méthyl)- λ^6-sulfanedione
inhibiteur du récepteur du facteur de croissance des fibroblastes, antinéoplasique

dabogratinib — [6-(5-{5-[(1*R*)-1-(3,5-dicloropiridin-4-il)etoxi]-1*H*-indazol-3-il}piridin-2-il)-2,6-diazaespiro[3.3]heptan-2-il](metil)-λ^6-sulfanodiona
inhibidor del receptor del factor de crecimiento de fibroblastos, antineoplásico

$C_{25}H_{24}Cl_2N_6O_3S$ 2800223-30-5



dalidnetugum #

dalidnetug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloid beta, A4 precursor protein) Abeta], humanized monoclonal antibody;

H-gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (85.0%) - IGKJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
clearance of amyloid beta, Alzheimer's disease

dalidnetug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amyloïde bêta, protéine précurseur A4) Abêta]; anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (85.0%) -IGKJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
clairance d'amyloïde bêta, maladie d'Alzheimer

dalidnetug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* APP (amieloide beta, proteína precursor A4) Abeta]; anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (87.8%) -(IGHD) - IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.12] (26-33.51-58.97-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14(CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (85.0%) - IGKJ1*01 (90.9%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
eliminación de beta amiloide, enfermedad de Alzheimer

2991369-43-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS NYGMSWVRQA PGKGLEWVAS  50
IRSGSGRTYY SDNVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCVRYD 100
HYSGSSDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DVVMTQSPLS LPVTLGEPAS ISCKSSQSLL DYDGKTYLNW LLQKPGQSPQ  50
RLIYRVTNRD TGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCWQGTHFP 100
RSFGQGTKVE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 146-202 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'"-93'" 139'"-199'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-219' 222"-219'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

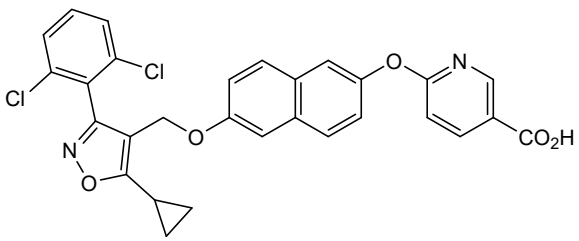
danifexorum

danifexor — $1^2,1^6$-dichloro-2^5-cyclopropyl-4,6-dioxa-7(2)-pyridina-2(3,4)-[1,2]oxazola-5(2,6)-naphthalena-1(1)-benzenaheptaphane-7^5-carboxylic acid
farnesoid X receptor agonist

danifexor — acide $1^2,1^6$-dichloro-2^5-cyclopropyl-4,6-dioxa-7(2)-pyridina-2(3,4)-[1,2]oxazola-5(2,6)-naphtaléna-1(1)-benzénaheptaphane-7^5-carboxylique
agoniste du récepteur farnésoïde X

danifexor — ácido 2^5-ciclopropil-$1^2,1^6$-dicloro-4,6-dioxa-7(2)-piridina-2(3,4)-[1,2]oxazola-5(2,6)-naftalena-1(1)-bencenaheptafano-7^5-carboxílico
agonista del receptor de farnesoide X

$C_{29}H_{20}Cl_2N_2O_5$ 2648738-68-3



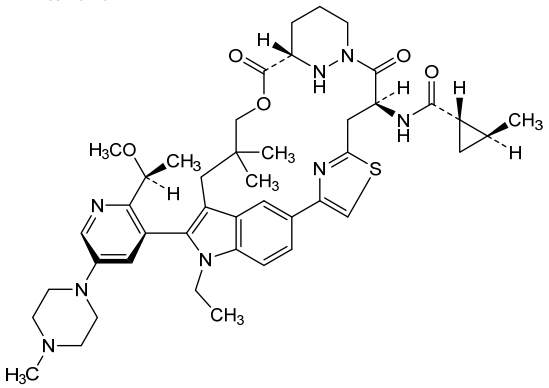
daraxonrasibum

daraxonrasib (1*S*,2*S*)-*N*-[(1^2*M*,4*S*,6^3*S*)-1^1-ethyl-1^2-{2-[(1*S*)-1-methoxyethyl]-5-(4-methylpiperazin-1-yl)pyridin-3-yl}-10,10-dimethyl-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-6(1,3)-[1,2]diazinana-2(4,2)-[1,3]thiazolacycloundecaphan-4-yl]-2-methylcyclopropane-1-carboxamide
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

daraxonrasib (1*S*,2*S*)-*N*-[(1^2*M*,4*S*,6^3*S*)-1^1-éthyl-1^2-{2-[(1*S*)-1-méthoxyéthyl]-5-(4-méthylpipérazin-1-yl)pyridin-3-yl}-10,10-diméthyl-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-6(1,3)-[1,2]diazinana-2(4,2)-[1,3]thiazolacycloundécaphan-4-yl]-2-méthylcyclopropane-1-carboxamide
inhibiteur d'homologue d'oncogène viral du sarcome de rat de Kirsten, antinéoplasique

daraxonrasib (1*S*,2*S*)-*N*-[(1^2*M*,4*S*,6^6*S*)-1^1-etil-10,10-dimetil-1^2-{5-(4-metilpiperazin-1-il)-2-[(1*S*)-1-metoxietil]piridin-3-il}-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-6(2,6)-[1,2]diazinana-2(4,2)-[1,3]tiazolacicloundecafan-4-il]-2-metilciclopropano-1-carboxamida
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

$C_{44}H_{58}N_8O_5S$ 2765081-21-6



daretabartum #

daretabart immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GD2 (disialoganglioside GD2)], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42*04 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (71.4%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107) /*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (71.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107), L123>S (108), CDR-IMGT [8.8.6] (26-33.51-58.97-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 5-G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (210) (114-211), hinge 1-15 (212-226), CH2 K105>A (318) (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfide with L-kappa light chain (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (82.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (106'), I126>L (112'), CDR-IMGT [11.3.10] (27'-37'.55'-57'.94'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (222-222":225-225")-bisdisulfide, produced in YB2/0 cell line, glycoform alfa
antineoplastic

darétabart immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GD2 (disialoganglioside GD2)]; anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma1 (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42*04 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (71.4%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107) /*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (71.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107), L123>S (108), CDR-IMGT [8.8.6] (26-33.51-58.97-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 5-G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (210) (114-211), charnière 1-15 (212-226), CH2 K105>A (318) (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (82.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (106'), I126>L (112'), CDR-IMGT [11.3.10] (27'-37'.55'-57'.94'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (222-222":225-225")-bisdisulfure, produit dans la lignée cellulaire YB2/0, glycoforme alfa
antinéoplasique

daretabart inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* GD2 (disialogangliósido GD2)]; anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-443) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42*04 (86.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (71.4%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107) /*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (71.9%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (75.0%) Q120>T (105), G121>Q (106), T122>G (107), L123>S (108), CDR-IMGT [8.8.6] (26-33.51-58.97-102)) (1-113) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 5-G1v20 CH2 A105 (CH1 R120 (210) (114-211), bisagra 1-15 (212-226), CH2 K105>A (318) (227-336), CH3 E12 (352), M14 (354) (337-441), CHS (442-443)) (114-443)], (216-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-220') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-110*01 (94.0%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2D-29*02 (82.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (106'), I126>L (112'), CDR-IMGT [11.3.10] (27'-37'.55'-57'.94'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (222-222":225-225")-bisdisulfuro, producido en la línea celular YB2/0, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3011830-62-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLVQSGAE VEKPGASVKI SCKASGSSFT GYNMNWVRQN IGKSLEWIGA  50
IDPYYGGTSY NQKFKGRATL TVDKSTSTAY MHLKSLRSED TAVYYCVSGM 100
EYWGTQGSVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC LVKDYFPEPV 150
TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG TQTYICNVNH 200
KPSNTKVDKR VEPKSCDKTH TCPPCPAPEL LGGPSVFLFP PKPKDTLMIS 250
RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE QYNSTYRVVS 300
VLTVLHQDWL NGKEYKCAVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR EPQVYTLPPS 350
REEMTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT PPVLDSDGSF 400
FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSLS PGK        443
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DVVMTQTPLS LPVTPGEPAS ISCRSSQSLV HRNGNTYLHW YLQKPGQSPK  50
LLIHKVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDLGV YFCSQSTHVP 100
PLTFGAGTKL ELKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC                                  220
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 140-196 257-317 363-421
22"-96" 140"-196" 257"-317" 363"-421"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 140'-200'
23'''-93''' 140'''-200'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 216-220' 216"-220'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 222-222" 225-225"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 293, 293"
Mainly (>40%) afucosylated complex bi-antennary YB2/0-type glycans / glycanes de type YB2/0 bi-antennaires complexes principalement (>40%) afucosylés / glicanos de tipo YB2/0 biantenarios complejos principalmente (>40%) afucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 443, 443"

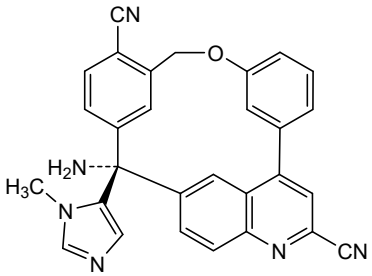
darlifarnibum

darlifarnib — (3*S*)-3-amino-3-(1-methyl-1*H*-imidazol-5-yl)-6-oxa-2(4,6)-quinolina-1,4(1,3)-dibenzenacyclohexaphane-2^2,4^4-dicarbonitrile
farnesyl transferase inhibitor, antineoplastic

darlifarnib — (3*S*)-3-amino-3-(1-méthyl-1*H*-imidazol-5-yl)-6-oxa-2(4,6)-quinoléina-1,4(1,3)-dibenzénacyclohexaphane-2^2,4^4-dicarbonitrile
inhibiteur de farnésyl transférase, antinéoplasique

darlifarnib — (3*S*)-3-amino-3-(1-metil-1*H*-imidazol-5-il)-6-oxa-2(4,6)-quinoleína-1,4(1,3)-dibencenaciclohexafano-2^2,4^4-dicarbonitrilo
inhibidor de la farnesil transferasa, antineoplásico

$C_{29}H_{20}N_6O$ 2939824-30-1



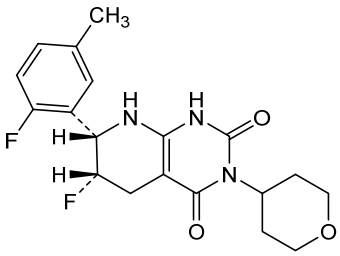
delocamtenum

delocamten — (6*S*,7*S*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-5-methylphenyl)-3-(oxan-4-yl)-5,6,7,8-tetrahydropyrido[2,3-*d*]pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
cardiac myosin inhibitor

délocamten — (6*S*,7*S*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-5-méthylphényl)-3-(oxan-4-yl)-5,6,7,8-tétrahydropyrido[2,3-*d*]pyrimidine-2,4(1*H*,3*H*)-dione
inhibiteur de myosine cardiaque

delocamtén — (6*S*,7*S*)-6-fluoro-7-(2-fluoro-5-metilfenil)-3-(oxan-4-il)-5,6,7,8-tetrahidropirido[2,3-*d*]pirimidina-2,4(1*H*,3*H*)-diona
inhibidor de la miosina cardíaca

$C_{19}H_{21}F_2N_3O_3$ 2417411-02-8



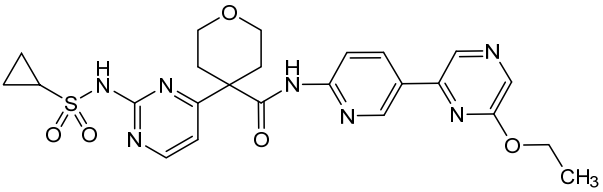
dencatistatum

dencatistat — 4-[2-(cyclopropanesulfonamido)pyrimidin-4-yl]-*N*-[5-(6-ethoxypyrazin-2-yl)pyridin-2-yl]oxane-4-carboxamide
CTP synthase 1 inhibitor, antineoplastic

dencatistat — 4-[2-(cyclopropanesulfonamido)pyrimidin-4-yl]-*N*-[5-(6-éthoxypyrazin-2-yl)pyridin-2-yl]oxane-4-carboxamide
inhibiteur de la CTP synthase 1, antinéoplasique

dencatistat — 4-[2-(ciclopropanosulfonamido)pirimidin-4-il]-*N*-[5-(6-etoxipirazin-2-il)piridin-2-il]oxano-4-carboxamida
inhibidor de la sintasa 1 de CTP, antineoplásico

$C_{24}H_{27}N_7O_5S$ 2377000-84-3



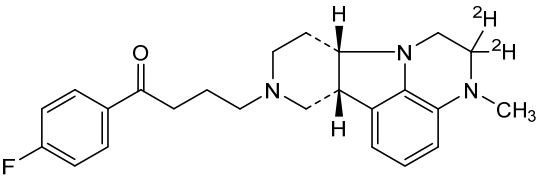
deulumateperonum

deulumateperone — 1-(4-fluorophenyl)-4-[(6b*R*,10a*S*)-3-methyl-2,3,6b,9,10,10a-(2-^{2}H)hexahydro(2-^{2}H)-1*H*-pyrido[3',4':4,5]pyrrolo[1,2,3-*de*]quinoxalin-8(7*H*)-yl]butan-1-one
antipsychotic

deulumatépérone — 1-(4-fluorophényl)-4-[(6b*R*,10a*S*)-3-méthyl-2,3,6b,9,10,10a-(2-^{2}H)hexahydro(2-^{2}H)-1*H*-pyrido[3',4':4,5]pyrrolo[1,2,3-*de*]quinoxalin-8(7*H*)-yl]butan-1-one
antipsychotique

deulumateperona — 1-(4-fluorofenil)-4-[(6b*R*,10a*S*)-3-metil-2,3,6b,9,10,10a-(2-^{2}H)hexahidro(2-^{2}H)-1*H*-pirido[3',4':4,5]pirrolo[1,2,3-*de*]quinoxalin-8(7*H*)-il]butan-1-ona
antipsicótico

$C_{24}H_{26}{}^2H_2FN_3O$ 2102683-75-8



diranersenum

diranersen — *all-P-ambo*-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridine
microtubule-associated protein tau synthesis reducer, Alzheimer's disease

diranersen

tout-P-ambo-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridine
réducteur de la synthèse de la protéine tau associée aux microtubules, maladie d'Alzheimer

diranersén

todo-P-ambo-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridina
reductor de la síntesis de la proteína tau asociada al microtúbulo, enfermedad de Alzheimer

$C_{210}H_{300}N_{53}O_{116}P_{17}S_{15}$ 2304711-06-4

(3'-5')<u>*C*</u>=<u>*C*</u>–<u>*G*</u>=<u>*U*</u>=<u>*U*</u>=dT=dT=d*C*=dT=dT=dA=d*C*=d*C*=<u>A</u>=<u>*C*</u>–<u>*C*</u>=<u>*C*</u>=<u>*U*</u>

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
dN : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
<u>N</u> : 2'-*O*-(2-methoxyethyl)-N / 2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-N / 2'-*O*-(metoxietil)-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

dirozalkibum

dirozalkib

5-chloro-N^2-[7-methyl-8-(piperidin-4-yl)-2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-5-yl]-N^4-[2-(propane-2-sulfonyl)phenyl]pyrimidine-2,4-diamine
anaplastic lymphoma kinase (ALK) inhibitor, antineoplastic

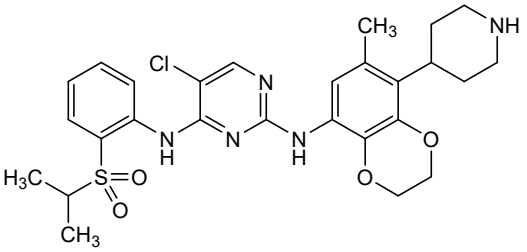
dirozalkib

5-chloro-N^2-[7-méthyl-8-(pipéridin-4-yl)-2,3-dihydro-1,4-benzodioxin-5-yl]-N^4-[2-(propane-2-sulfonyl)phényl]pyrimidine-2,4-diamine
inhibiteur de la kinase du lymphome anaplasique (ALK), antinéoplasique

dirozalkib

5-cloro-N^2-[7-metil-8-(piperidin-4-il)-2,3-dihidro-1,4-benzodioxin-5-il]-N^4-[2-(propano-2-sulfonil)fenil]pirimidina-2,4-diamina
inhibidor de la kinasa de linfoma anaplásico (ALK), antineoplásico

$C_{27}H_{32}ClN_5O_4S$ 1893419-37-8



efclarofuspum alfa #

efclarofusp alfa

human vascular endothelial growth factor receptor 1 (VEGFR1, vascular permeability factor receptor, Fms-like tyrosine kinase 1, FLT1, tyrosine-protein kinase receptor FLT, tyrosine-protein kinase FRT, EC:2.7.10.1), fragment 103-206 (containing the Ig-like C2-type domain 2) (1-104), fused to human vascular endothelial growth factor receptor 2 (VEGFR2, fetal liver kinase 1, FLK1, protein-tyrosine kinase receptor flk-1, kinase insert domain receptor, KDR, CD309, EC:2.7.10.1), fragment 208-308 (containing the Ig-like C2-type domain 3) (105-205), fused to an immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (206-431) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (hinge (206-215), CH2 (216-325), CH3 (326-430), CHS K^{432}>del (431-431))] fused via the peptide linker $(G_4S)_3$ (432-446) to disintegrin rhodostomin [*Calloselasma rhodostoma* (Malayan pit viper, *Agkistrodon rhodostoma*)] (447-514), [S^{39}>K^{485}, R^{40}>K^{486}, G^{42}>R^{488}, K^{43}>T^{489}, R^{46}>A^{492}, I^{47}>R^{493}, P^{48}>G^{494}, M^{52}>N^{498}]-variant; dimer (211-211':214-214')-bisdisulfide; produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1; glycoform alfa
angiogenesis inhibitor

efclarofusp alfa

récepteur 1 du facteur de croissance endothélial vasculaire humain (VEGFR1, récepteur du facteur de perméabilité vasculaire, tyrosine kinase 1 de type Fms, FLT1, récepteur tyrosine-protéine kinase FLT, tyrosine-protéine kinase FRT, EC:2.7.10.1), fragment 103-206 (contenant le domaine 2 de type Ig de type C2) (1-104), fusionné au récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire humain (VEGFR2, kinase hépatique 1 fœtale, FLK1, récepteur protéine-tyrosine kinase flk-1, récepteur du domaine d'insertion de kinase, KDR, CD309, EC:2.7.10.1), fragment 208-308 (contenant le domaine 3 de type C2 de type Ig) (105-205), fusionné à un fragment Fc d'immunoglobuline G1 (IgG1) (domaines h-CH2-CH3-CHS) (206-431) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (charnière (206-215), CH2 (216-325), CH3 (326-430), CHS K^{432}>del (431-431))] fusionné via le coupleur peptidique $(G_4S)_3$ (432-446) à la désintégrine rhodostomine [*Calloselasma rhodostoma* (vipère malaise, *Agkistrodon rhodostoma*)] (447-514), variant [S^{39}>K^{485}, R^{40}>K^{486}, G^{42}>R^{488}, K^{43}>T^{489}, R^{46}>A^{492}, I^{47}>R^{493}, P^{48}>G^{494}, M^{52}>N^{498}]; dimère (211-211':214-214')-bisdisulfure; produit dans des cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1; glycoforme alfa
inhibiteur de l'angiogenèse

efclarofusp alfa

receptor 1 del factor de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR1, receptor del factor de permeabilidad vascular, tirosina quinasa 1 similar a Fms, FLT1, receptor de tirosina-proteína quinasa FLT, tirosina-proteína quinasa FRT, EC:2.7.10.1), fragmento 103-206 (que contiene el dominio 2 tipo C2 similar a Ig) (1-104), fusionado al receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular humano (VEGFR2, quinasa 1 de hígado fetal, FLK1, receptor de proteína tirosina quinasa flk-1, receptor de dominio de inserción de quinasa, KDR, CD309, EC:2.7.10.1), fragmento 208-308 (que contiene el dominio 3 tipo C2 similar a Ig) (105-205), fusionado a un fragmento Fc de inmunoglobulina G1 (IgG1) (dominios h-CH2-CH3-CHS) (206-431) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (bisagra (206-215), CH2 (216-325), CH3 (326-430), CHS K^{432}>del (431-431))] fusionado mediante el enlazador peptídico $(G_4S)_3$ (432-446) a la desintegrina rodostomina [*Calloselasma rhodostoma* (víbora malaya, *Agkistrodon rhodostoma*)] (447-514), variante [S^{39}>K^{485}, R^{40}>K^{486}, G^{42}>R^{488}, K^{43}>T^{489}, R^{46}>A^{492}, I^{47}>R^{493}, P^{48}>G^{494}, M^{52}>N^{498}]; dímero (211-211':214-214')-bisdisulfuro; producido en células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1; forma glicosilada alfa

inhibidor de la angiogénesis

3053638-35-7

Sequence / Séquence / Secuencia

```
SDTGRPFVEM YSEIPEIIHM TEGRELVIPC RVTSPNITVT LKKFPLDTLI   50
PDGKRIIWDS RKGFIISNAT YKEIGLLTCE ATVNGHLYKT NYLTHRQTNT  100
IIDVVLSPSH GIELSVGEKL VLNCTARTEL NVGIDFNWEY PSSKHQHKKL  150
VNRDLKTQSG SEMKKFLSTL TIDGVTRSDQ GLYTCAASSG LMTKKNSTFV  200
RVHEKDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP KPKDTLMISR TPEVTCVVVD  250
VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN  300
GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE PQVYTLPPSR DELTKNQVSL  350
TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP PVLDSDGSFF LYSKLTVDKS  400
RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP GGGGGSGGGG SGGGGSGKEC  450
DCSSPENPCC DAATCKLRPG AQCGEGLCCE QCKFKKARTI CARGRGDNPD  500
DRCTGQSADC PRYH                                         514
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes

disintegrin: S^{39}>**K**^{485}, R^{40}>**K**^{486}, G^{42}>**R**^{488}, K^{43}>**T**^{489}, R^{46}>**A**^{492}, I^{47}>**R**^{493}, P^{48}>**G**^{494}, M^{52}>**N**^{498}

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión

^{432}*GGGGSGGGG SGGGGS*^{446}

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

VEGFR1 IgC2 domain 2: 30-79 30'-79' VEGFR2 IgC2 domain 3: 124-185 124'-185'

IgG1 Fc: 246-306 352-410 246'-306' 352'-410' inter-IgG1 Fc: 211-211' 214-214'

disintegrin: 450-465 452-460 459-482 473-479 478-503 491-510 450'-465' 452'-460' 459'-482' 473'-479' 478'-503' 491'-510'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

VEGFR1 IgC2 domain 2: N36, N68, N36', N68'

VEGFR2 IgC2 domain 3: N123, N196, N123', N196'; IgG1 Fc: N282, N282'

efitazanamivirum alfa #

efitazanamivir alfa

Fc fragment of human immunoglobulin G1 (1-247) [*Homo sapiens* IGHG1*01(CH1 final 15 residues (1-15), hinge (16-30), CH2 M^{52}>Y, S^{54}>T, T^{56}>E (31-140), CH3 (141-245), CHS (246-247))], dimer (26-26':29-29')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted on an average of 4 to 5 L-lysine residues at N^6 with radical group 1-{4-[(23*R*,24*R*)-23-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acetamido-4-(carbamimidoylamino)-6-carboxy-3,4-dihydro-2*H*-pyran-2-yl]-14-(2-{2-[({(1*R*,2*R*)-1-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acetamido-4-(carbamimidoylamino)-6-carboxy-3,4-dihydro-2*H*-pyran-2-yl]-2,3-dihydroxypropoxy}carbonyl)(methyl)amino]ethoxy}ethyl)-24,25-dihydroxy-20-methyl-21-oxo-2,5,8,11,17,22-hexaoxa-14,20-diazapentacosan-1-yl]-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl}-3,6,9,12-tetraoxapentadecan-15-oyl

neuraminidase inhibitor, antiviral

éfitazanamivir alfa	fragment Fc d'immunoglobuline humaine G1 (1-247) [*Homo sapiens* IGHG1*01(15 résidus finaux CH1 (1-15), charnière (16-30), CH2 M^{52}>Y, S^{54}>T, T^{56}>E (31-140), CH3 (141-245), CHS (246-247))], dimère (26-26':29-29')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué en N^6 de 4 à 5 résidus L-lysine en moyenne avec le groupe 1-(4-{(23*R*,24*R*)-14-(2-{2-[({(1*R*,2*R*)-1-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acétamido-4-carbamimidamido-6-carboxy-3,4-dihydro-2*H*-pyran-2-yl]-2,3-dihydroxypropoxy}carbonyl)(méthyl)amino]éthoxy}éthyl)-23-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acétamido-4-(carbamimidoylamino)-6-carboxy-3,4-dihydro-2*H*-pyran-2-yl]-24,25-dihydroxy-20-méthyl-21-oxo-2,5,8,11,17,22-hexaoxa-14,20-diazapentacosan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl)-15-oxo-3,6,9,12-tétraoxapentadécan-15-yle *inhibiteur de la neuraminidase, antiviral*
efitazanamivir alfa	fragmento Fc de inmunoglobulina humana G1 (1-247) [*Homo sapiens* IGHG1*01(15 residuos finales CH1 (1-15), bisagra (16-30), CH2 M^{52}>Y, S^{54}>T, T^{56}>E (31-140), CH3 (141-245), CHS (246-247))], dímero (26-26':29-29')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en N^6 de 4 a 5 residuos L-lisina por término medio con el grupo 1-(4-{(23*R*,24*R*)-14-(2-{2-[({(1*R*,2*R*)-1-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acetamido-4-carbamimidamido-6-carboxi-3,4-dihidro-2*H*-piran-2-il]-2,3-dihidroxipropoxi}carbonil)(metil)amino]etoxi}etil)-23-[(2*R*,3*R*,4*S*)-3-acetamido-4-(carbamimidoilamino)-6-carboxi-3,4-dihidro-2*H*-piran-2-il]-24,25-dihidroxi-20-metil-21-oxo-2,5,8,11,17,22-hexaoxa-14,20-diazapentacosan-1-il}-1*H*-1,2,3-triazol-1-il)-15-oxo-3,6,9,12-tetraoxapentadecan-15-ilo *inhibidor de la neuraminidasa, antiviral*

2781830-14-4

Monomer sequence / Séquence du monomère / Secuencia del monómero

```
NVNHKPSNTK  VDKKVEPKSS  DKTHTCPPCP  APELLGGPSV  FLFPPKPKDT 50
LYITREPEVT  CVVVDVSHED  PEVKFNWYVD  GVEVHNAKTK  PREEQYNSTY 100
RVVSVLTVLH  QDWLNGKEYK  CKVSNKALPA  PIEKTISKAK  GQPREPQVYT 150
LPPSRDELTK  NQVSLTCLVK  GFYPSDIAVE  WESNGQPENN  YKTTPPVLDS 200
DGSFFLYSKL  TVDKSRWQQG  NVFSCSVMHE  ALHNHYTQKS  LSLSPGK    247
```

Post-translational modifications

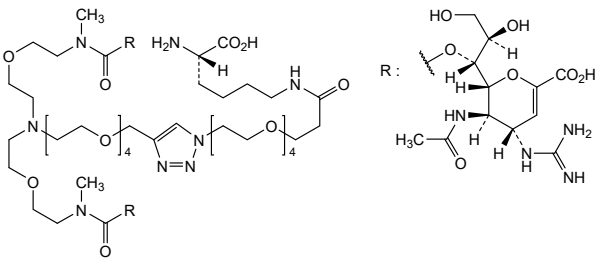
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra	61-121	167-225
	61'-121'	167'-225'
Inter	26-26'	29-29'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
97, 97'

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS: 247, 247"

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales*
K
*(*zanamivir*:protein ~ 9:1)



efranarelaxinum alfa #

efranarelaxin alfa	human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (1-226) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (hinge (1-10), CH2 L^{14}>F, L^{15}>E, P^{111}>S (11-120), CH3 S^{134}>C, T^{146}>W (121-225), CHS K^{227}>del (226))] fused via peptide linker $(G_4S)_3G_5S$ (227-247) to the chain A of human relaxin H2 (RLN2) (1-24, 248-271 in the actual sequence), heterodimer (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfide with human immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains) (1'-226') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (hinge (1'-10'), CH2 $L^{14'}$>F, $L^{15'}$>E, $P^{111'}$>S (11'-120'), CH3 $T^{146'}$>S, $L^{148'}$>A, $Y^{187'}$>V (121'-225'), CHS $K^{227'}$>del (226'))] fused via peptide linker $(G_4S)_3G_5S$ (227'-247') to the des-Asp^1-chain B of human relaxin H2 (RLN2) (2-29, 248'-275' in the actual sequence), produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa *relaxin analogue*
efranarélaxine alfa	fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (1-226) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (charnière (1-10), CH2 L^{14}>F, L^{15}>E, P^{111}>S (11-120), CH3 S^{134}>C, T^{146}>W (121-225), CHS K^{227}>del (226))] fusionné via un coupleur peptidique $(G_4S)_3G_5S$ (227-247) à la chaîne A de la relaxine H2 (RLN2) humaine (1-24, 248-271 dans la sequence actuelle), hétérodimère (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfure avec fragment Fc de l'immunoglobuline G1 humaine (1'-226') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (charnière (1'-10'), CH2 $L^{14'}$>F, $L^{15'}$>E, $P^{111'}$>S (11'-120'), CH3 $T^{146'}$>S, $L^{148'}$>A, $Y^{187'}$>V (121'-225'), CHS $K^{227'}$>del (226'))] fusionné via un coupleur peptidique $(G_4S)_3G_5S$ (227'-247') à la dés-Asp^1-chaîne B de la relaxine H2 (RLN2) humaine (2-29, 248'-275' dans la sequence actuelle), produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *analogue de la relaxine*
efranarelaxina alfa	fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (1-226) [*Homo sapiens* IGHG1*03 (bisagra (1-10), CH2 L^{14}>F, L^{15}>E, P^{111}>S (11-120), CH3 S^{134}>C, T^{146}>W (121-225), CHS K^{227}>del (226))] fusionado mediante el enlazador peptídico $(G_4S)_3G_5S$ (227-247) a la cadena A de la relaxina H2 (RLN2) humana (1-24, 248-271 en la secuencia actual), heterodímero (6-6':9-9':134-129':258-257':271-269')-pentakisdisulfuro con fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 humana (1'-226') [*Homo sapiens* IGHG1*03 (bisagra (1'-10'), CH2 $L^{14'}$>F, $L^{15'}$>E, $P^{111'}$>S (11'-120'), CH3 $T^{146'}$>S, $L^{148'}$>A, $Y^{187'}$>V (121'-225'), CHS $K^{227'}$>del (226'))] fusionado mediante el enlazador peptídico $(G_4S)_3G_5S$ (227'-247') a la des-Asp^1-cadena B de la relaxina H2 (RLN2) humana (2-29, 248'-275' en la secuencia actual), producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicoforma alfa *análogo de la relaxina*

2969217-22-7

Sequences / Séquences / Secuencias

Fc-$(G_4S)_3G_5S$-RLN2 A

```
DKTHTCPPCP APEFEGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED   50
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK  100
CKVSNKALPA SIEKTISKAK GQPREPQVYT LPPCREEMTK NQVSLWCLVK  150
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG  200
NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGGGGG SGGGGSGGGG SGGGGGSQLY  250
SALANKCCHV GCTKRSLARF C                                 271
```

Fc-$(G_4S)_3G_5S$-RLN2 B

```
DKTHTCPPCP APEFEGGPSV FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED   50
PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK  100
CKVSNKALPA SIEKTISKAK GQPREPQVCT LPPSREEMTK NQVSLSCAVK  150
GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS DGSFFLVSKL TVDKSRWQQG  200
NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGGGGG SGGGGSGGGG SGGGGGSSWM  250
EEVIKLCGRE LVRAQIAICG MSTWS                             275
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes

L^{14}>**F**, L^{15}>**E**, P^{111}>**S**, S^{134}>**C**, T146>**W**;
L14'>**F**, L15'>**E**, $P^{111'}$>**S**, $Y^{129'}$>**C**, $T^{146'}$>**S**, $L^{148'}$>**A**, $Y^{187'}$>**V**

Peptide linkers / Peptides liants / Péptidos de unión

^{227}*GGGGSGGGGS GGGGSGGGGG* S^{247} (1-21);
$^{227'}$*GGGGSGGGGS GGGGSGGGGG* $S^{247'}$ (1-21)

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

intra-Fc: 41-101 147-205 intra-RLN2 A: 257-261
41'-101' 147'-205'
inter-Fc-Fc': 6-6' 9-9' 134-129' inter-RLN2 A-B: 258-257' 271-269'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

N77, N77'

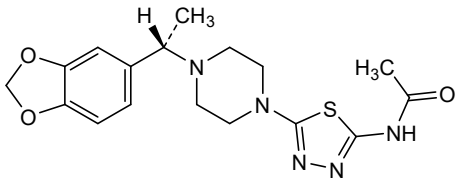
egalognastatum

egalognastat — *N*-(5-{4-[(1*S*)-1-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)ethyl]piperazin-1-yl}-1,3,4-thiadiazol-2-yl)acetamide
O-GlcNAcase enzyme inhibitor

égalognastat — *N*-(5-{4-[(1*S*)-1-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-yl)éthyl]pipérazin-1-yl}-1,3,4-thiadiazol-2-yl)acétamide
inhibiteur de l'enzyme O-GlcNAcase

egalognastat — *N*-(5-{4-[(1*S*)-1-(2*H*-1,3-benzodioxol-5-il)etil]piperazin-1-il}-1,3,4-tiadiazol-2-il)acetamida
inhibidor del enzima O-GlcNAcasa

$C_{17}H_{21}N_5O_3S$ 1884154-02-2



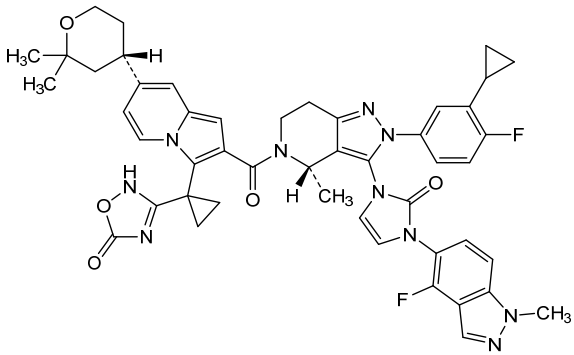
elecoglipronum

elecoglipron (3^4*S*)-3^2-(3-cyclopropyl-4-fluorophenyl)-5^7-[(4*S*)-2,2-dimethyloxan-4-yl]-1^4-fluoro-1^1,3^4-dimethyl-3^2,3^4,3^6,3^7-tetrahydro-1^1*H*,2^2*H*-3(3,5)-pyrazolo[4,3-*c*]pyridina-1(5)-indazola-5(2,3)-indolizina-7(3)-[1,2,4]oxadiazola-2(1,3)-imidazola-6(1,1)-cyclopropanaheptaphane-2^2,4,7^5(7^2*H*)-trione
glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist

élécoglipron (3^4*S*)-3^2-(3-cyclopropyl-4-fluorophényl)-5^7-[(4*S*)-2,2-diméthyloxan-4-yl]-1^4-fluoro-1^1,3^4-diméthyl-3^2,3^4,3^6,3^7-tétrahydro-1^1*H*,2^2*H*-3(3,5)-pyrazolo[4,3-c]pyridina-1(5)-indazola-5(2,3)-indolizina-7(3)-[1,2,4]oxadiazola-2(1,3)-imidazola-6(1,1)-cyclopropanaheptaphane-2^2,4,7^5(7^2*H*)-trione
agoniste du récepteur du peptide 1 de type glucagon (GLP-1)

elecogliprón (3^4*S*)-3^2-(3-ciclopropil-4-fluorofenil)-5^7-[(4*S*)-2,2-dimetiloxan-4-il]-1^4-fluoro-1^1,3^4-dimetil-3^2,3^4,3^6,3^7-tetrahidro-1^1*H*,2^2*H*-3(3,5)-pirazolo[4,3-c]piridina-1(5)-indazola-5(2,3)-indolizina-7(3)-[1,2,4]oxadiazola-2(1,3)-imidazola-6(1,1)-ciclopropanaheptafano-2^2,4,7^5(7^2*H*)-triona
agonista del receptor del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1)

$C_{48}H_{46}F_2N_{10}O_5$ 3011682-49-5



elegrobartum #

elegrobart immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (insulin-like growth factor 1 receptor, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-69-5*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%) A120>Q (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) C104>F (96) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 M15.1>Y (259), S16>T (261), T18>E (263) (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K2>del (453)) (125-453)], (227-219')-disulfide with L-kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (81.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (109'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (233-233'':236-236'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
thyroid eye disease

élégrobart immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (récepteur du facteur de croissance insuline-like 1, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], anticorps monoclonal ;
chaîne lourde H-gamma1 (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus*

IGHV1-69-5*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%) A120>Q (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) C104>F (96) -(IGHD) -IGHJ5*04 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 M15.1>Y (259), S16>T (261), T18>E (263) (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K2>del (453)) (125-453)], (227-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (81.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (109'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (233-233'':236-236'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
maladie ophtalmologique liée à la thyroïde

elegrobart — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IGF1R (receptor 1 del factor de crecimiento similar a la insulina, IGF1-R, IGF-1R, CD221)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-453) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-69-5*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (93.8%) A120>Q (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (77.6%) C104>F (96) -(IGHD) -IGHJ5*04 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 M15.1>Y (259), S16>T (261), T18>E (263) (238-347), CH3 D12 (363), L14 (365) (348-452), CHS K2>del (453)) (125-453)], (227-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV1-117*01 (93.0%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (81.0%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (109'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (233-233'':236-236'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
enfermedad ocular tiroidea

2832924-76-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVQSGAE VVKPGASVKL SCKASGYTFT SYWMHWVKQR PGQGLEWIGE  50
INPSNGRTNY NQKFQGKATL TVDKSSSTAY MQLSSLTSED SAVYYFARGR 100
PDYYGSSKWY FDVWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLYI TREPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SRDELTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPG                                                    453
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DVVMTQTPLS LPVSLGDPAS ISCRSSQSIV HSNVNTYLEW YLQKPGQSPR  50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS GAGTDFTLRI SRVEAEDLGI YYCFQGSHVP 100
PTFGGGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22* 151-207 268-328 374-432
22"* 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'"-93'" 139'"-199'"
Inter-H-L (h5-CL 126) 227-219' 227"-219'"
Inter-H-H (h11, h14) 233-233" 236-236"
* Free sulfhydryl owing to the amino acid change C104>F (96, 96").

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 304, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

elironrasibum

elironrasib

1-[4-(dimethylamino)-4-methylpent-2-ynoyl]-*N*-[(2*S*)-1-{[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^3*S*)-1^1-ethyl-1^2-{2-[(1*S*)-1-methoxyethyl]pyridin-3-yl}-10,10-dimethyl-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morpholina-6(1,3)-[1,2]diazinanacycloundecaphan-4-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]-4-fluoro-*N*-methylpiperidine-4-carboxamide
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

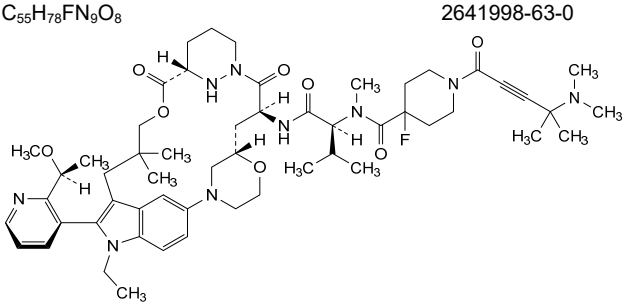
élironrasib

1-[4-(diméthylamino)-4-méthylpent-2-ynoyl]-*N*-[(2*S*)-1-{[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^3*S*)-1^1-éthyl-1^2-{2-[(1*S*)-1-méthoxyéthyl]pyridin-3-yl}-10,10-diméthyl-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morpholina-6(1,3)-[1,2]diazinanacycloundécaphan-4-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]-4-fluoro-*N*-méthylpipéridine-4-carboxamide
inhibiteur d'homologue d'oncogène viral du sarcome de rat de Kirsten, antinéoplasique

elironrasib

1-[4-(dimetilamino)-4-metilpent-2-inoil]-*N*-[(2*S*)-1-{[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^6*S*)-1^1-etil-10,10-dimetil-1^2-{2-[(1*S*)-1-metoxietil]piridin-3-il}-5,7-dioxo-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morfolina-6(2,6)-[1,2]diazinanacicloundecafan-4-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il]-4-fluoro-*N*-metilpiperidina-4-carboxamida
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

$C_{55}H_{78}FN_9O_8$ 2641998-63-0



elisrasibum

elisrasib

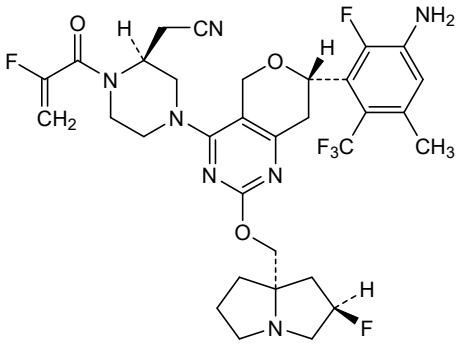
[(2*S*)-4-[(7*S*)-7-[3-amino-2-fluoro-5-methyl-6-(trifluoromethyl)phenyl]-2-{[(2*R*,7a*S*)-2-fluorotetrahydro-1*H*-pyrrolizin-7a(5*H*)-yl]methoxy}-7,8-dihydro-5*H*-pyrano[4,3-*d*]pyrimidin-4-yl]-1-(2-fluoroprop-2-enoyl)piperazin-2-yl]acetonitrile
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

élisrasib

[(2*S*)-4-[(7*S*)-7-[3-amino-2-fluoro-5-méthyl-6-(trifluorométhyl)phényl]-2-{[(2*R*,7a*S*)-2-fluorotétrahydro-1*H*-pyrrolizin-7a(5*H*)-yl]méthoxy}-7,8-dihydro-5*H*-pyrano[4,3-*d*]pyrimidin-4-yl]-1-(2-fluoroprop-2-énoyl)pipérazin-2-yl]acétonitrile
inhibiteur d'homologue d'oncogène viral du sarcome de rat de Kirsten, antinéoplasique

elisrasib [(2*S*)-4-[(7*S*)-7-[3-amino-2-fluoro-5-metil-6-(trifluorometil)fenil]-2-{[(2*R*,7a*S*)-2-fluorotetrahidro-1*H*-pirrolizin-7a(5*H*)-il]metoxi}-7,8-dihidro-5*H*-pirano[4,3-*d*]pirimidin-4-il]-1-(2-fluoroprop-2-enoil)piperazin-2-il]acetonitrilo
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

$C_{32}H_{35}F_6N_7O_3$ 2914919-85-8



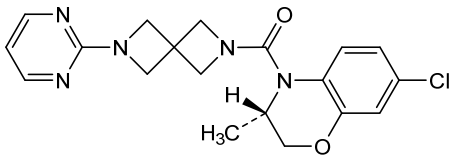
elsovaptanum

elsovaptan [(3*S*)-7-chloro-3-methyl-2,3-dihydro-4*H*-1,4-benzoxazin-4-yl][6-(pyrimidin-2-yl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptan-2-yl]methanone
vasopressin receptor antagonist, Alzheimer disease

elsovaptan [(3*S*)-7-chloro-3-méthyl-2,3-dihydro-4*H*-1,4-benzoxazin-4-yl][6-(pyrimidin-2-yl)-2,6-diazaspiro[3.3]heptan-2-yl]méthanone
antagoniste du récepteur de la vasopressine, maladie d'Alzheimer

elsovaptán [(3*S*)-7-cloro-3-metil-2,3-dihidro-4*H*-1,4-benzoxazin-4-il][6-(pirimidin-2-il)-2,6-diazaespiro[3.3]heptan-2-il]metanona
antagonista del receptor de vasopresina, enfermedad de Alzheimer

$C_{19}H_{20}ClN_5O_2$ 2296801-25-5



elunetiromum

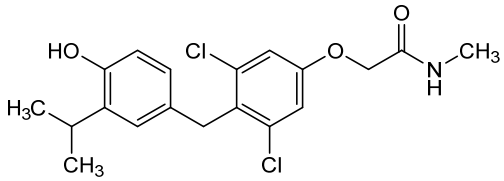
elunetirom 2-(3,5-dichloro-4-{[4-hydroxy-3-(propan-2-yl)phenyl]methyl}phenoxy)-*N*-methylacetamide
thyroid hormone beta receptor agonist

élunétirom 2-(3,5-dichloro-4-{[4-hydroxy-3-(propan-2-yl)phényl]méthyl}phénoxy)-*N*-méthylacétamide
agoniste des récepteurs bêta de l'hormone thyroïdienne

elunetirom

2-(3,5-dicloro-4-{[4-hidroxi-3-(propan-2-il)fenil]metil}fenoxi)-*N*-metilacetamida
agonista del receptor beta de la hormona tiroidea

$C_{19}H_{21}Cl_2NO_3$ 2156649-32-8



emupertinibum

emupertinib

N-{4-[4-amino-6-ethynyl-5-(quinolin-3-yl)-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl]bicyclo[2.2.1]heptan-1-yl}-5-methylpyrazine-2-carboxamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

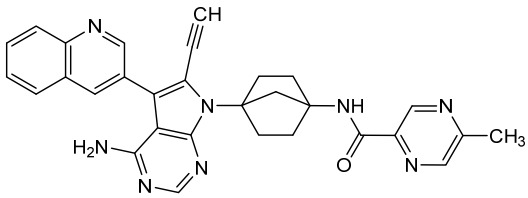
émupertinib

N-{4-[4-amino-6-éthynyl-5-(quinoléin-3-yl)-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl]bicyclo[2.2.1]heptan-1-yl}-5-méthylpyrazine-2-carboxamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

emupertinib

N-{4-[4-amino-6-etinil-5-(quinolein-3-il)-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-7-il]biciclo[2.2.1]heptan-1-il}-5-metilpirazina-2-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{30}H_{26}N_8O$ 2472802-77-8



encofosbuvirum

encofosbuvir

propan-2-yl *N*-[(*P*$^{5'}$*S*,2'*R*)-2'-deoxy-2'-fluoro-3-({[*N*-(methoxycarbonyl)-L-methionyl]oxy}methyl)-2'-methyl-*O*^{P}-phenyl-5'-uridylyl]-L-alaninate
antiviral

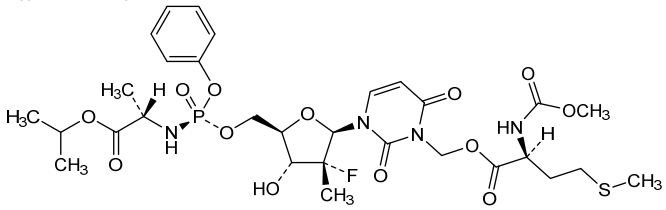
encofosbuvir

N-[(*P*$^{5'}$*S*,2'*R*)-2'-désoxy-2'-fluoro-3-({[*N*-(méthoxycarbonyl)-L-méthionyl]oxy}méthyl)-2'-méthyl-*O*^{P}-phényl-5'-uridylyl]-L-alaninate de propan-2-yle
antiviral

encofosbuvir

N-[(*P*$^{5'}$*S*,2'*R*)-2'-desoxi-*O*^{P}-fenil-2'-fluoro-2'-metil-3-({[*N*-(metoxicarbonil)-L-metionil]oxi}metil)-5'-uridilil]-L-alaninato de propan-2-ilo
antiviral

$C_{30}H_{42}FN_4O_{13}PS$ 2232134-77-7



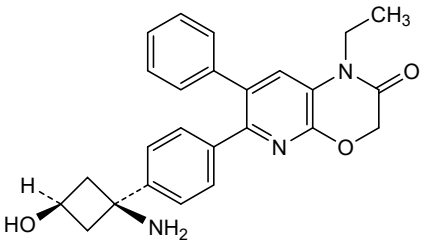
engasertibum

engasertib — 6-{4-[(1*S*,3*S*)-1-amino-3-hydroxycyclobutyl]phenyl}-1-ethyl-7-phenyl-1*H*-pyrido[2,3-*b*][1,4]oxazin-2(3*H*)-one
serine/threonine kinase inhibitor

engasertib — 6-{4-[(1*S*,3*S*)-1-amino-3-hydroxycyclobutyl]phényl}-1-éthyl-7-phényl-1*H*-pyrido[2,3-*b*][1,4]oxazin-2(3*H*)-one
inhibiteur de sérine/thréonine kinases

engasertib — 6-{4-[(1*S*,3*S*)-1-amino-3-hidroxiciclobutil]fenil}-1-etil-7-fenil-1*H*-pirido[2,3-*b*][1,4]oxazin-2(3*H*)-ona
inhibidor de la serina/treonina kinasa

$C_{25}H_{25}N_3O_3$ 1313439-71-2



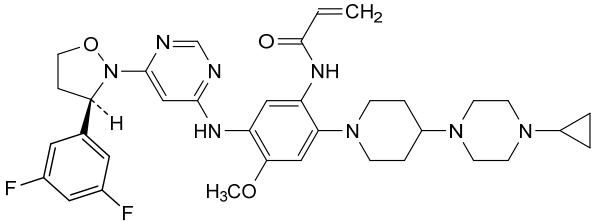
enozertinibum

enozertinib — *N*-[(7^3*R*)-8^3,8^5-difluoro-4^5-methoxy-5-aza-6(4,6)-pyrimidina-2(1,4)-piperazina-3(4,1)-piperidina-7(2,3)-[1,2]oxazolidina-4(1,4),8(1)-dibenzena-1(1)-cyclopropanaoctaphan-4^2-yl]prop-2-enamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

énozertinib — *N*-[(7^3*R*)-8^3,8^5-difluoro-4^5-méthoxy-5-aza-6(4,6)-pyrimidina-2(1,4)-pipérazina-3(4,1)-pipéridina-7(2,3)-[1,2]oxazolidina-4(1,4),8(1)-dibenzéna-1(1)-cyclopropanaoctaphan-4^2-yl]prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

enozertinib — *N*-[(7^3*R*)-8^3,8^5-difluoro-4^5-metoxi-5-aza-6(4,6)-pirimidina-2(1,4)-piperazina-3(4,1)-piperidina-7(2,3)-[1,2]oxazolidina-4(1,4),8(1)-dibencena-1(1)-ciclopropanaoctafan-4^2-il]prop-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{35}H_{42}F_2N_8O_3$ 2489185-38-6



enzelkitugum #

enzelkitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (C-C motif chemokine receptor 8, CKR-L1, CDw198) N-terminus], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (91.7%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.13] (27'-32'.50'-52'.89'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

enzelkitug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (récepteur 8 de chimiokine C-C motif, CKR-L1, CDw198) N-terminus], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (91.7%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.13] (27'-32'.50'-52'.89'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

enzelkitug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR8 (receptor 8 de quimiocina C-C motivo, CKR-L1, CDw198) N-terminus], anticuerpo monoclonal humanizado;

cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (91.7%) M123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (87.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.13] (27'-32'.50'-52'.89'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

2999644-88-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGIDLS TYAMGWVRQA PGKGLEWVGL  50
IHRSGRTYYA TWAKGRFTIS KDSSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCTRSYP 100
DYSATASIWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQVTQSPSS LSASVGDRVT ITCQASENIA NALAWYQQKP GKPPKFLIYG  50
ASNLASGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQQ AYYGNSFVEG 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC                                    218
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 146-202 263-323 369-427
22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 138'-198'
23'"-88'" 138'"-198'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-218' 222"-218'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"
Low fucosylated (<15%) complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes faiblement fucosylés (<15%) / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos bajo fucosilados (<15 %)

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

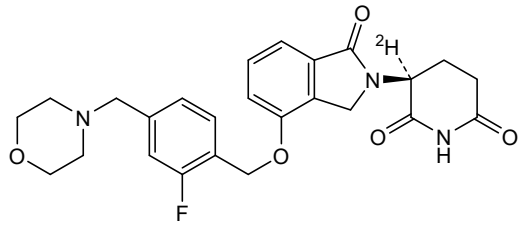
epaldeudomidum

epaldeudomide — (1^3S)-5^2-fluoro(1^3-^{2}H)-3-oxa-2(2,4)-isoindola-7(4)-morpholina-1(3)-piperidina-5(1,4)-benzenaheptaphane-1^2,1^6,2^1(2^3H)-trione
immunomodulator, antineoplastic

épaldeudomide — (1^3S)-5^2-fluoro(1^3-^{2}H)-3-oxa-2(2,4)-isoindola-7(4)-morpholina-1(3)-pipéridina-5(1,4)-benzénaheptaphane-1^2,1^6,2^1(2^3H)-trione
immunomodulateur, antinéoplasique

epaldeudomida — (1^3S)-5^2-fluoro(1^3-^{2}H)-3-oxa-2(2,4)-isoindola-7(4)-morfolina-1(3)-piperidina-5(1,4)-bencenaheptafano-1^2,1^6,2^1(2^3H)-triona
inmunomodulador, antineoplásico

$C_{25}H_{25}{}^{2}HFN_3O_5$ 1918159-31-5



etuptamigum #

etuptamig

immunoglobulin L-kappa-H-gamma1_L-lambda-H-gamma1, anti-[*Homo sapiens* NCR3LG1 (natural killer cell cytotoxicity receptor 3 ligand 1, B7 homolog 6, B7-H6)] and anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific;
fused chain L-kappa-H-gamma1 anti-NCR3LG1 (1-698) (knob) [L-kappa anti-NCR3LG1 (1-214) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (90.9%) Q120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107)-*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')] -38-mer(tetraglycylseryl-bis(EGKSSGSGSESKST)-tetraglycylseryl) linker (215-252) -[H-gamma-1 heavy chain anti-NCR3LG1 (253-698) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (278-285.303-310.349-358)) (253-369)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14,6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (466) (370-467), hinge 1-15 (468-482), CH2 L1.3>A (486), L1.2>A (487) (483-592), CH3 E12 (608), M14 (610), T22>W (618) (593-697), CHS K2>del (698)) (370-698)]];
fused chain L-lambda6-H-gamma1 anti-CD3E (1-707) (hole) [L-lambda6 anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (82.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC6*01 (100%) (C-LAMBDA6) (110'-215')] -38-mer (tetraglycylseryl-bis(EGKSSGSGSESKST)-tetraglycylseryl) linker (216'-253') -[H-gamma-1 anti-CD3E (254'-707') [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (81.8%) T123>L (373'), S128>A (378'), CDR-IMGT [8.10.16] (279'-286'.304'-313'.352'-367')) (254'-378')-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2,14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120 (475') (379'-476'), hinge 1-15 (477'-491'), CH2 L1.3>A (495'), L1.2>A (496') (492'-601'), CH3 E12 (617'), M14 (619'), T22>S (627'), L24>A (629'), Y86>V (668'), H115>R (696'), Y116>F (697') (602'-706'), CHS K2>del (707')) (379'-707')]]; dimer (478-487':481-490')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

étuptamig

immunoglobuline L-kappa-H-gamma1_L-lambda-H-gamma1, anti-[*Homo sapiens* NCR3LG1 (ligand 1 du récepteur 3 de la cytotoxicité des cellules tueuses naturelles, B7 homologue 6, B7-H6)] et anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anticorps monoclonal, bispécifique;
chaîne fusionnée L-kappa-H-gamma1 anti-NCR3LG1 (1-698) (knob) [L-kappa anti-NCR3LG1 (1-214) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01(85.3%) -IGKJ2*01 (90.9%) Q120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107)-*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1,

V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')] -38-mer(GGGGS tétraglycylséryl-bis(EGKSSGSGSESKST)-tétraglycylséryl) linker (215-252) -[H-gamma1 anti-NCR3LG1 (253-698) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (278-285.303-310.349-358)) (253-369)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14,6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (466) (370-467), charnière 1-15 (468-482), CH2 L1.3>A (486), L1.2>A (487) (483-592), CH3 E12 (608), M14 (610), T22>W (618) (593-697), CHS K2>del (698)) (370-698)]];
chaîne fusionnée L-lambda6-H-gamma1 anti-CD3E (1-707) (hole) [L-lambda6 anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (82.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC6*01 (100%) (C-LAMBDA6) (110'-215')] -38-mer (GGGGS tétraglycylséryl-bis(EGKSSGSGSESKST)-tétraglycylséryl) linker (216'-253') -[H-gamma1 anti-CD3E (254'-707') [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (81.8%) T123>L (373'), S128>A (378'), CDR-IMGT [8.10.16] (279'-286'.304'-313'.352'-367')) (254'-378')-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2,14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120 (475') (379'-476'), charnière 1-15 (477'-491'), CH2 L1.3>A (495'), L1.2>A (496') (492'-601'), CH3 E12 (617'), M14 (619'), T22>S (627'), L24>A (629'), Y86>V (668'), H115>R (696'), Y116>F (697') (602'-706'), CHS K2>del (707')) (379'-707')]]; dimère (478-487':481-490')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

etuptamig

inmunoglobulina L-kappa-H-gamma1_L-lambda-H-gamma1, anti-[*Homo sapiens* NCR3LG1 (ligando 1 del receptor 3 de la citotoxicidad de las células asesinas naturales, B7 homólogo 6, B7-H6)] y anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anticuerpo monoclonal, biespecífico;
cadena fusionada L-kappa-H-gamma1 anti-NCR3LG1 (1-698) (knob) [L-kappa anti-NCR3LG1 (1-214) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (85.3%) -IGKJ2*01 (90.9%) Q120>A (100), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1-107)-*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')] -38-mer(GGGGS tetraglicilseril-bis(EGKSSGSGSESKST)-tetraglicilseril) enlace (215-252) -[H-gamma1 anti-NCR3LG1 (253-698) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (92.3%), CDR-IMGT [8.8.10] (278-285.303-310.349-358)) (253-369)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14,6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2, 14-G1v32 CH3 W22 (knob) (CH1 R120 (466) (370-467), bisagra 1-15 (468-482), CH2 L1.3>A (486), L1.2>A (487) (483-592), CH3 E12 (608), M14 (610), T22>W (618) (593-697), CHS K2>del (698)) (370-698)]];
cadena fusionada L-lambda6-H-gamma1 anti-CD3E (1-707) (hole) [L-lambda6 anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (82.3%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*01 (76.8%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC6*01 (100%) (C-LAMBDA6) (110'-215')] -38-mer (GGGGS tetraglicilseril-bis(EGKSSGSGSESKST)-tetraglicilseril) enlace (216'-253') -[H-gamma1 anti-CD3E (254'-707') [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV10-1*04 (93.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (81.8%) T123>L (373'), S128>A (378'), CDR-IMGT [8.10.16] (279'-286'.304'-313'.352'-367')) (254'-378')-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1, CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2,14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120 (475') (379'-476'), bisagra 1-15 (477'-491'), CH2 L1.3>A (495'), L1.2>A (496') (492'-601'), CH3 E12 (617'), M14 (619'), T22>S (627'), L24>A (629'), Y86>V (668'), H115>R (696'), Y116>F (697') (602'-706'), CHS K2>del (707')) (379'-707')]]; dímero (478-487':481-490')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3009874-10-3

Fused chain / Chaîne fusionnée / Cadena fusionada:
L-kappa-H-gamma1 (L-H) anti-NCR3LG1 (knob)

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQNVG KYVAWYQQKP GKAPKSLIYS  50
ASNRYDGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYFCQQ YISYPLTFGA 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGECGGGGSE GKSSGSGSES KSTEGKSSGS GSESKSTGGG 250
GSQVQLVQSG AEVKKPGASV KVSCKASGYT FTNYWMNWMK QAPGQGLEWI 300
GGIYLNGDST DYNEKFKGKV TMTVDTSTST VYMELSSLRS EDTAVYYCTR 350
RGDYFGDFWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 400
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 450
ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPEAAGGP SVFLFPPKPK 500
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 550
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 600
YTLPPSREEM TKNQVSLWCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 650
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPG   698
```

Fused chain / Chaîne fusionnée / Cadena fusionada:
L-lambda6-H-gamma1 (L'-H') anti-CD3E (hole)

```
EAVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQE KPGQLPRGLI  50
GGTNKRAPWV PARFSGSLLG GKAALTLSGA QPEDEAEYFC ALWYSNLWVF 100
GGGTKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVKVA 150
WKADGSPVNT GVETTTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTVA PAECSGGGGS EGKSSGSGSE SKSTEGKSSG SGSESKSTGG 250
GGSEVQLVES GGGLVQPGGS LKLSCAASGF TFNTYAMNWV RQAPGKGLEW 300
VARIRSKYNN YATYYADSVK DRFTISRDDS KNTAYLQMNN LKTEDTAVYY 350
CVRHGNFGNS YVSWFAYWGQ GTLVTVSAAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT 400
AALGCLVKDY FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP 450
SSSLGTQTYI CNVNHKPSNT KVDKRVEPKS CDKTHTCPPC PAPEAAGGPS 500
VFLFPPKPKD TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT 550
KPREEQYNST YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA 600
KGQPREPQVY TLPPSREEMT KNQVSLSCAV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN 650
NYKTTPPVLD SDGSFFLVSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNRFTQK 700
SLSLSPG                                                707
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

L-H	Intra-L (C23-C104)	23-88	134-194		
(knob)	Intra-H (C23-C104)	274-348	396-452	513-573	619-677
	Intra-(L-H) (h 5-CL 126)	472-214			
L'-H'	Intra-L' (C23-C104)	22'-90'	137'-196'		
(hole)	Intra-H' (C23-C104)	275'-351'	405'-461'	522'-582'	628'-686'
	Intra-(L'-H') (h 5-CL 126)	481'-214'			

Inter-(L-H)-(L'-H') (h 11, h 14) 478-487' 481-490'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 549, 558"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

exerenibartum #
exerenibart

immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TMPRSS6 (transmembrane serine protease 6, matriptase-2, MT2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (125-222), hinge 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 L92 (313) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
iron metabolism regulator

exérénibart — immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TMPRSS6 (sérine protéase transmembranaire 6, matriptase-2, MT2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (125-222), charnière 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 L92 (313) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
régulateur du métabolisme du fer

exerenibart — inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* TMPRSS6 (serina proteasa transmembranaria 6, matriptasa-2, MT2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.9%) L123>T (119), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (125-222), bisagra 1-12 S10>P (232) (223-234), CH2 L92 (313) (235-344), CH3 (345-449), CHS (450-451)) (125-451)], (138-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-12*01 (92.6%) -IGKJ3*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
regulador del metabolismo del hierro

2996101-49-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMTWVRQA PGKGLEWVSA  50
ISGSDTSTYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLF LQMNSLRAED TAVYYCAKHQ 100
DYDFSYYYSA MDVWGQGTTV TVSSASTKGP SVFPLAPCSR STSESTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTKTYTCNVD HKPSNTKVDK RVESKYGPPC PPCPAPEFLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SQEDPEVQFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQF 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK GLPSSIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSQE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSRLTVDKSR WQEGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSLG 450
K                                                      451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVI ITCRASQDFN SWLAWYQQKP GKAPKLLIYA  50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ TDSFPFTFGP 100
GTKVDIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	151-207	265-325	371-429
	22"-96"	151"-207"	265"-325"	371"-429"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	134'-194'		
	23'"-88'"	134'"-194'"		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	138-214'	138"-214'"		
Inter-H-H (h 8, h 11)	230-230"	233-233"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 451, 451"

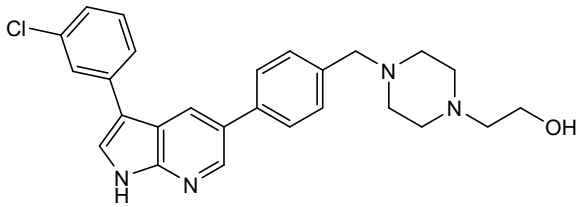
famlasertibum

famlasertib — 2-[4-({4-[3-(3-chlorophenyl)-1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-5-yl]phenyl}methyl)piperazin-1-yl]ethan-1-ol
serine/threonine kinase inhibitor, amyotrophic lateral sclerosis

famlasertib — 2-[4-({4-[3-(3-chlorophényl)-1*H*-pyrrolo[2,3-*b*]pyridin-5-yl]phényl}méthyl)pipérazin-1-yl]éthan-1-ol
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, sclérose latérale amyotrophique

famlasertib — 2-[4-({4-[3-(3-clorofenil)-1*H*-pirrolo[2,3-*b*]piridin-5-il]fenil}metil)piperazin-1-il]etan-1-ol
inhibidor de la serina/treonina kinasa, esclarosis lateral amiotrófica

$C_{26}H_{27}ClN_4O$ 2375591-69-6



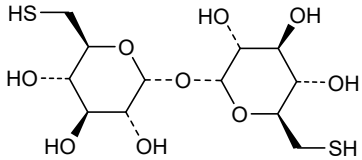
fexlamosum

fexlamose — 6-thio-α-D-glucopyranosyl 6-thio-α-D-glucopyranoside; 6,6'-dithiotrehalose
mucolytic

fexlamose — 6-thio-α-D-glucopyranoside de 6-thio-α-D-glucopyranosyle; 6,6'-dithiotréhalose
mucolytique

fexlamosa — 6-tio-α-D-glucopiranósido de 6-tio-α-D-glucopiranosilo; 6,6'-ditiotrehalosa
mucolítico

$C_{12}H_{22}O_9S_2$ 1285607-08-0



firsekibartum #

firsekibart — immunoglobulin G4-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukin 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*05 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.10.19] (26-33.51-60.99-117)) (1-128) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (129-226), hinge 1-12 S10>P (236) (227-238), CH2 L92 (317) (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (129-455)], (142-211')-disulfide

with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (96.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (26'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (107'-212')]; dimer (234-234":237-237")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
anti-inflammatory

firsékibart — immunoglobuline G4-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukine 1 bêta, IL-1B, 1L1F2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma4 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*05 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.10.19] (26-33.51-60.99-117)) (1-128) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (129-226), charnière 1-12 S10>P (236) (227-238), CH2 L92 (317) (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (129-455)], (142-211')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (96.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (26'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (107'-212')]; dimère (234-234":237-237")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
anti-inflammatoire

firsekibart — inmunoglobulina G4-lambda2, anti-[*Homo sapiens* IL1B (interleukina 1 beta, IL-1B, 1L1F2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma4 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*05 (94.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.10.19] (26-33.51-60.99-117)) (1-128) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (129-226), bisagra 1-12 S10>P (236) (227-238), CH2 L92 (317) (239-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (129-455)], (142-211')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-212') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-1*01 (96.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (26'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (107'-212')]; dímero (234-234":237-237")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio

2981430-39-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLVESGGG LVKPGRSLRL SCTGSGFTFG DYALNWFRQA PGMGLEWVGF  50
IRGKAYGGTT EYAASVKGRF TISRDDSKSI AYLQMNSLKT EDTAVYYCNR 100
EVEYCRSSEN YCYGMDVWGQ GTTVTVSSAS TKGPSVFPLA PCSRSTSEST 150
AALGCLVKDY FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP 200
SSSLGTKTYT CNVDHKPSNT KVDKRVESKY GPPCPPCPAP EFLGGPSVFL 250
FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQFNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLP PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS 450
LSLGK                                                  455
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
SYELTQPPSV SVSPGQTASI TCSGDKLGDK FACWYQQKPG QSPVLVIYQD  50
TKRPSGIPER FSGSNSGNTA TLTISGTQAM DEADYYCQAW DSNTVVFGGG 100
TKLTVLGQPK AAPSVTLFPP SSEELQANKA TLVCLISDFY PGAVTVAWKA 150
DSSPVKAGVE TTTPSKQSNN KYAASSYLSL TPEQWKSHRS YSCQVTHEGS 200
TVEKTVAPTE CS                                          212
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 105-112 155-211 269-329 375-433
22"-98" 105"-112" 155"-211" 269"-329" 375"-433"
Intra-L (C23-C104) 22'-87' 134'-193'
22'"-87'" 134'"-193'"
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 142-211' 142"-211'"
Inter-H-H (h 8, h 11) 234-234" 237-237"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 305, 305"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 455, 455"

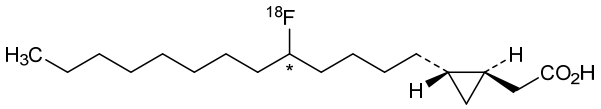
florcicaperum (^{18}F)

florcicaper (^{18}F) — *rac*-{(1*R*,2*S*)-2-[(5*RS*)-5-(^{18}F)fluorotridecyl]cyclopropyl}acetic acid
imaging agent

florcicaper (^{18}F) — acide *rac*-{(1*R*,2*S*)-2-[(5*RS*)-5-(^{18}F)fluorotridécyl]cyclopropyl}acétique
agent d'imagerie diagnostique

florcicapero (^{18}F) — ácido *rac*-{(1*R*,2*S*)-2-[(5*RS*)-5-(^{18}F)fluorotridecil]ciclopropil}acético
agente de diagnóstico por imagen

$C_{18}H_{33}{}^{18}FO_2$ 855927-17-2



its epimer at C* and their enantiomers
son épimère en C* et leurs énantiomères
su epímero al C* y sus enantiómeros

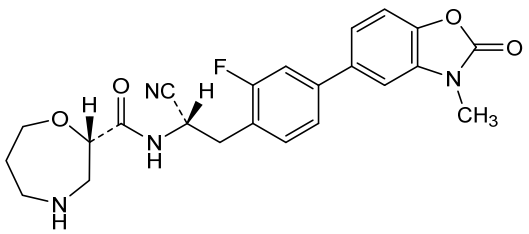
florensocatibum

florensocatib — (2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[2-fluoro-4-(3-methyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-5-yl)phenyl]ethyl}-1,4-oxazepane-2-carboxamide
cathepsin inhibitor

florensocatib — (2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[2-fluoro-4-(3-méthyl-2-oxo-2,3-dihydro-1,3-benzoxazol-5-yl)phényl]éthyl}-1,4-oxazépane-2-carboxamide
inhibiteur de la cathepsine

florensocatib — (2*S*)-*N*-{(1*S*)-1-ciano-2-[2-fluoro-4-(3-metil-2-oxo-2,3-dihidro-1,3-benzoxazol-5-il)fenil]etil}-1,4-oxazepano-2-carboxamida
inhibidor de la catepsina

$C_{23}H_{23}FN_4O_4$ 2762114-61-2



flormotridazum (^{18}F)

flormotridaz (^{18}F) — 2-*tert*-butyl-4-chloro-5-[(3-{[4-({2-[2-(^{18}F)fluoroethoxy]ethoxy}methyl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]methyl}phenyl)methoxy]pyridazin-3(2*H*)-one
imaging agent

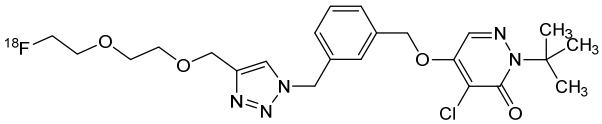
flormotridaz (^{18}F)

2-*tert*-butyl-4-chloro-5-[(3-{[4-({2-[2-(^{18}F)fluoroéthoxy]éthoxy}méthyl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]méthyl}phényl)méthoxy]pyridazin-3(2*H*)-one
agent d'imagerie diagnostique

flormotridaz (^{18}F)

2-*terc*-butil-4-cloro-5-[(3-{[4-({2-[2-(^{18}F)fluoroetoxi]etoxi}metil)-1*H*-1,2,3-triazol-1-il]metil}fenil)metoxi]piridazin-3(2*H*)-ona
agente de diagnóstico por imagen

$C_{23}H_{29}Cl^{18}FN_5O_4$ 2798832-03-6



fosizensertibum

fosizensertib

(2*S*)-1-(5-{[1-(difluoromethyl)-1*H*-pyrazol-4-yl]ethynyl}-*N*-methylpyridine-3-carboxamido)-3-phenylpropan-2-yl dihydrogen phosphate
receptor-interacting serine/threonine protein (RIP-1) kinase inhibitor

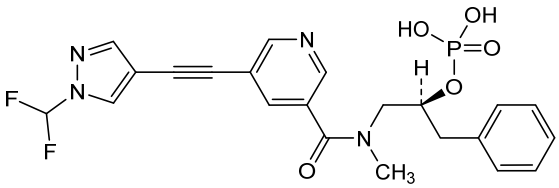
fosizensertib

dihydrogénophosphate de (2*S*)-1-(5-{[1-(difluorométhyl)-1*H*-pyrazol-4-yl]éthynyl}-*N*-méthylpyridine-3-carboxamido)-3-phénylpropan-2-yle
inhibiteur de la protéine kinase 1 interagissant avec les récepteurs (RIP-1)

fosizensertib

dihidrógenofosfato de (2*S*)-1-(5-{[1-(difluorometil)-1*H*-pirazol-4-il]etinil}-*N*-metilpiridina-3-carboxamido)-3-fenilpropan-2-ilo
inhibidor del receptor que interactua con la proteína serina/treonina (RIP-1) kinasa

$C_{22}H_{21}F_2N_4O_5P$ 2905377-00-4



fosrugocrixanum

fosrugocrixan

(2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-phenylethyl]sulfanyl}[1,3]thiazolo[4,5-*d*]pyrimidin-7-yl)amino]-4-methylpentyl dihydrogen phosphate
CX3C chemokine receptor 1 (CX3CR1) antagonist, anti-inflammatory

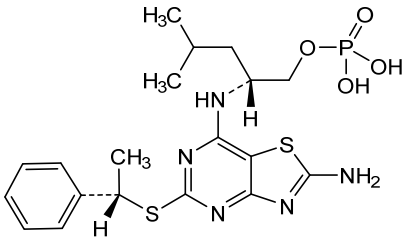
fosrugocrixan

dihydrogénophosphate de (2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-phényléthyl]sulfanyl}[1,3]thiazolo[4,5-*d*]pyrimidin-7-yl)amino]-4-méthylpentyle
antagoniste du récepteur 1 de la chimioquine CX3C (CX3CR1), anti-inflammatoire

fosrugocrixán

dihidrogenofosfato de (2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-feniletil]sulfanil}[1,3]tiazolo[4,5-*d*]pirimidin-7-il)amino]-4-metilpentilo
antagonista del receptor 1 de la quimioquina CX3C (CX3CR1), antiinflamatorio

$C_{19}H_{26}N_5O_4PS_2$ 2408145-38-8



fudapirinum

fudapirine

(1*R*,2*S*)-1-[5-(4-chlorophenyl)-2-methoxypyridin-3-yl]-4-(dimethylamino)-2-(naphthalen-1-yl)-1-phenylbutan-2-ol
antibacterial

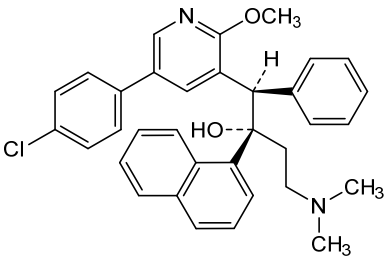
fudapirine

(1*R*,2*S*)-1-[5-(4-chlorophényl)-2-méthoxypyridin-3-yl]-4-(diméthylamino)-2-(naphtalén-1-yl)-1-phénylbutan-2-ol
antibactérien

fudapirina

(1*R*,2*S*)-1-[5-(4-clorofenil)-2-metoxipiridin-3-il]-4-(dimetilamino)-1-fenil-2-(naftalen-1-il)butan-2-ol
antibacteriano

$C_{34}H_{33}ClN_2O_2$ 1859978-72-5



fulipiftidum

fulipiftide

pigment epithelium-derived factor *(Homo sapiens*) (PEDF, cell proliferation-inducing gene 35 protein, PIG-35, EPC-1, serpin F1), $N^{2.1}$-acetyl-(74-102)-peptide (1-29)-29-amide; *N*-acetyl-L-seryl-L-leucylglycyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-glutaminyl-L-arginyl-L-threonyl-L-α-glutamyl-L-seryl-L-isoleucyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L-arginyl-L-alanyl-L-leucyl-L-tyrosyl-L-tyrosyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-seryl-L-seryl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-isoleucyl-L-histidylglycyl-L-threoninamide
anti-inflammatory

fulipiftide

facteur dérivé de l'épithélium pigmentaire *(Homo sapiens)* (PEDF, protéine du gène 35 induisant la prolifération cellulaire, PIG-35, EPC-1, serpine F1), $N^{2.1}$-acétyl-(74-102)-peptide (1-29)-29-amide;
N-acétyl-L-séryl-L-leucylglycyl-L-alanyl-L-α-glutamyl-L-glutaminyl-L-arginyl-L-thréonyl-L-α-glutamyl-L-séryl-L-isoleucyl-L-isoleucyl-L-histidyl-L-arginyl-L-alanyl-L-leucyl-L-tyrosyl-L-tyrosyl-L-α-aspartyl-L-leucyl-L-isoleucyl-L-séryl-L-séryl-L-prolyl-L-α-aspartyl-L-isoleucyl-L-histidylglycyl-L-thréoninamide
anti-inflammatoire

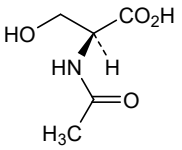
fulipiftida

factor derivado del epitelio pigmentario *(Homo sapiens)* (PEDF, proteína del gen 35 inductor de proliferación celular, PIG-35, EPC-1, serpina F1), $N^{2.1}$-acetil-(74-102)-péptido (1-29)-29-amida;
N-acetil-L-seril-L-leucilglicil-L-alanil-L-α-glutamil-L-glutaminil-L-arginil-L-treonil-L-α-glutamil-L-seril-L-isoleucil-L-isoleucil-L-histidil-L-arginil-L-alanil-L-leucil-L-tirosil-L-tirosil-L-α-aspartil-L-leucil-L-isoleucil-L-seril-L-seril-L-prolil-L-α-aspartil-L-isoleucil-L-histidilglicil-L-treoninamida
antiinflamatorio

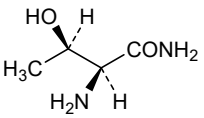
$C_{144}H_{227}N_{41}O_{47}$ 2868985-56-0

SLGAEQRTES IIHRALYYDL ISSPDIHGT 29

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



S (1)
N-Ac-L-Ser



T (29)
L-Thr-NH_2

futermestotugum #

futermestotug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (cytotoxic T-lymphocyte associated protein 4, CTLA-4, CD152)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) S128>A (122), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) - *Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') - *Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

futermestotug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (protéine 4 associée aux lymphocytes T cytotoxiques, CTLA-4, CD152)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) S128>A (122), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

futermestotug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CTLA4 (proteína 4 asociada a los linfocitos T citotóxicos, CTLA-4, CD152)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (90.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) S128>A (122), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS (451-452)) (123-452)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-9*01 (85.3%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3014361-57-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYTMSWVRQA PGKGLEWVAT  50
ISRGGGYTSY PDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARED 100
YGSSYVHWFA YWGQGTLVTV SAASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP 400
PVLDSDGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP 450
GK                                                     452
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSF LSASVGDRVT ITCRAGENIY SYLAWYQQKP GKAPKLLIYN  50
ARTLAEGVPS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP EDFATYYCQH HYGSPRTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 225"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 302, 302"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 452, 452"

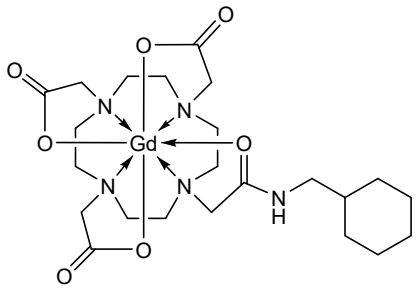
gadosircoclamidum

gadosircoclamide — [2,2',2"-(10-{2-[(cyclohexylmethyl)amino]-2-oxo-κ*O*-ethyl}-1,4,7,10-tetraazacyclododecane-1,4,7-triyl-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10})tri(acetato-κ*O*)]gadolinium
radiodiagnostic agent

gadosircoclamide — [2,2',2"-(10-{2-[(cyclohexylméthyl)amino]-2-oxo-κ*O*-éthyl}-1,4,7,10-tétraazacyclododécane-1,4,7-triyl-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10})tri(acétato-κ*O*)]gadolinium
produit de radiodiagnostic

gadosircoclamida — [2,2',2"-(10-{2-[(ciclohexilmetil)amino]-2-oxo-κ*O*-etil}-1,4,7,10-tetraazaciclododecano-1,4,7-triil-κ^4*N*^{1},*N*^{4},*N*^{7},*N*^{10})tri(acetato-κ*O*)]gadolinio
agente de radiodiagnóstico

$C_{23}H_{38}GdN_5O_7$ 1801159-68-1



garetatugum #

garetatug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

garétatug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

garetatug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada al surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3023285-05-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYWMHWVRQA PGQRLEWMGM  50
IHPNSGSTNY NEKFKGRVTI TRDTSASTAY MELSSLRSED TAVYYCARLK 100
TGNSFDYWGQ GTTVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVLTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLL NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP  50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNAYTY 100
PFTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC                                  220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'"-94'" 140'"-200'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-220' 221"-220'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

garetatugum rezetecanum #

garetatug rezetecan — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], humanized monoclonal antibody; conjugated on an average of four cysteinyl residues to *rezetecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);
H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of four L-cysteinyl residues on an average among 220', 220"', 221, 221", 227, 227", 230 and 230" with (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*rezetecan*) groups
antineoplastic

garétatug rézétecan — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal humanisé, conjuguée par quatre résidus cystéinyles en moyenne au *rézétécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécan*);
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 220', 220"', 221, 221", 227, 227", 230 et 230", avec des groupes (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6 ,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*rézétécan*)
antinéoplasique

garetatug rezetecán — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada al surfactante, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado, por cuatro residuos de cisteinilo, por término medio a *rezetecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*);

cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-3*01 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) L123>T (113), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (90.1%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (227-227":230-230")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de cuatro residuos de L-cisteinilo en promedio de 220', 220''', 221, 221", 227, 227", 230 y 230", con grupos (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-bencil-2-ciclopropil-1-{[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*rezetecán*)

antineoplásico

3023285-06-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
EVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT SYWMHWVRQA PGQRLEWMGM  50
IHPNSGSTNY NEKFKGRVTI TRDTSASTAY MELSSLRSED TAVYYCARLK 100
TGNSFDYWGQ GTTVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L''')

```
DIVLTQSPDS LAVSLGERAT INCKSSQSLL NSGNQKNYLT WYQQKPGQPP  50
KLLIYWASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQNAYTY 100
PFTFGQGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC                                  220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"

Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'''-94''' 140'''-200'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 221-220' 221"-220'''

Inter-H-H (h 11, h 14)* 227-227" 230-230"

*Three or four of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 (3.5-4.5) cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Trois ou quatre des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 (3.5-4.5) cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Tres or cuatro de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 (3.5-4.5) cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 298, 298"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

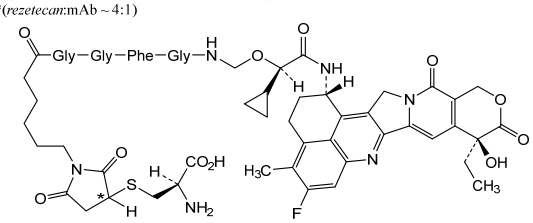
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 448, 448"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (221, 227, 230, 220', 221", 227", 230", 220''')

*(*rezetecan*:mAb ~ 4:1)



gatuzosiranum

gatuzosiran

all-P-ambo-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxymethyl)oxolan-3-yl] hydrogen 5'-*O*-({[(2*R*,3*S*)-3-({[(*cis*-4-{(3*S*,8*S*)-17-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,8-bis[(2-{2-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]ethoxy}ethyl)carbamoyl]-6,11-dioxo-15-oxa-2,7,12-triazaheptadecan-1-oyl}cyclohexyl)oxy]hydroxyphosphorothioyl}oxy)oxolan-2-yl]methoxy}hydroxyphosphorothioyl)-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thio-3'-adenylate
duplex with *all-P-ambo* 2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridine
17-beta-hydroxysteroid dehydrogenase 13 synthesis reducer, fatty liver disease

gatuzosiran

tout-P-ambo-5'-*O*-({[(2*R*,3*S*)-3-({[(*cis*-4-{(3*S*,8*S*)-17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,8-bis[(2-{2-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]éthoxy}éthyl)carbamoyl]-6,11-dioxo-15-oxa-2,7,12-triazaheptadécan-1-oyl}cyclohexyl)oxy]hydroxyphosphorothioyl}oxy)oxolan-2-yl]méthoxy}hydroxyphosphorothioyl)-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-*P*-thio-3'-adénylate de[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxyméthyl)oxolan-3-yle]
duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridine
réducteur de synthèse de la 17-bêta-hydroxystéroïde déshydrogénase 13, stéatose hépatique

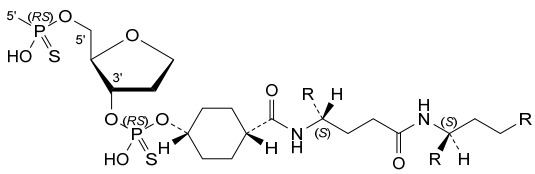
gatuzosirán *todo-P-ambo*-5'-*O*-({[(2*R*,3*S*)-3-({[(*cis*-4-{(3*S*,8*S*)-17-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-3,8-bis[(2-{2-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]etoxi}etil)carbamoil]-6,11-dioxo-15-oxa-2,7,12-triazaheptadecan-1-oil}ciclohexil)oxi]hidroxifosforotioil}oxi)oxolan-2-il]metoxi}hidroxifosforotioil)-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-*P*-tio-3'-adenilato de *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hidroximetil)oxolan-3-ilo]
dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridina
reductor dela síntesis de la 17-beta-hydroxiesteroide deshidrogenasa 13, enfermedad del hígado graso

$C_{493}H_{653}F_{11}N_{163}O_{311}P_{43}S_7$ 2409783-34-0

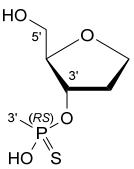
(3'-5')R1–*C*–*G*–*U*–*A*–*A*–*G*–*A*–*A*–G̲–*U*–C̲–*U*–G̲–*A*–*U*–*A*–*G*–*A*–*U*–*G*–*A*–R2
(5'-3')*G*=C̲–*A*–U̲–*U*–C̲–*U*–U̲–*C*–A̲–*G*–*A*–*C*–*U*–*A*–U̲–*C*–U̲=*A*=C̲=*U*

N : A,C,G,U
N : 2'-*O*-methyl-N / 2'-*O*-méthyl-N / 2'-*O*-metil-N
N̲ : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

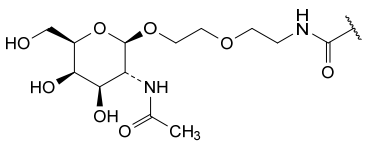
R1 :



R2 :



R :



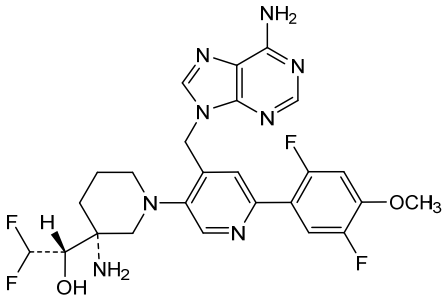
gintemetostatum

gintemetostat (1*S*)-1-[(3*R*)-3-amino-4'-[(6-amino-9*H*-purin-9-yl)methyl]-6'-(2,5-difluoro-4-methoxyphenyl)-3,4,5,6-tetrahydro-2*H*-[1,3'-bipyridin]-3-yl]-2,2-difluoroethan-1-ol
antineoplastic

gintémétostat (1*S*)-1-[(3*R*)-3-amino-4'-[(6-amino-9*H*-purin-9-yl)méthyl]-6'-(2,5-difluoro-4-méthoxyphényl)-3,4,5,6-tétrahydro-2*H*-[1,3'-bipyridin]-3-yl]-2,2-difluoroéthan-1-ol
antinéoplasique

gintemetostat (1*S*)-1-[(3*R*)-3-amino-4'-[(6-amino-9*H*-purin-9-il)metil]-6'-(2,5-difluoro-4-metoxifenil)-3,4,5,6-tetrahidro-2*H*-[1,3'-bipiridin]-3-il]-2,2-difluoroetan-1-ol
antineoplásico

$C_{25}H_{26}F_4N_8O_2$ 2604513-16-6



givopegsomatropinum #

givopegsomatropin human somatotropin (growth hormone, GH), conjugated to a two-arm polyethylene glycol carrier molecule; produced by *Escherichia coli*, mono-substituted at the N-terminus (F1) or at $N^{6.Lys}$ of either K38, K140, K145 or K158 with one N^2,N^6-bis{[α-methylpoly(oxyethylene)-ω-oxy]carbonyl}-L-lysyl group (~40 kDa)
growth hormone derivative

givopegsomatropine somatotropine humaine (hormone de croissance, GH), conjuguée à une molécule porteuse de polyéthylène glycol à deux bras; produite par *Escherichia coli*, mono-substituée à l'extrémité N-terminale (F1) ou en $N^{6.Lys}$ de K38, K140, K145 ou K158 par un groupe N^2,N^6-bis{[α-méthylpoly(oxyéthylène)-ω-oxy]carbonyl}-L-lysyle (~40 kDa)
dérivé de l'hormone de croissance

givopegsomatropina somatotropina humana (hormona de crecimiento, GH), conjugada con una molécula portadora con dos brazos de polietelenglicol; producida por *Escherichia coli*, mono-sustituida en el extremo N-terminal (F1) o en $N^{6.Lys}$ de K38, K140, K145 o K158 con un grupo N^2,N^6-bis{[α-metilpoli(oxietileno)-ω-oxi]carbonil}-L-lisilo (~40 kDa)
derivado de la hormona de crecimiento

3001334-30-8

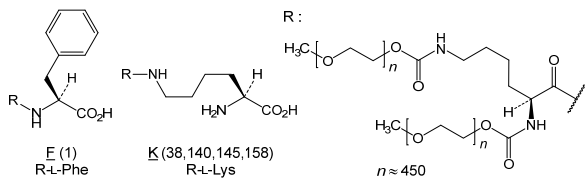
Sequence / Séquence / Secuencia

```
FPTIPLSRLF DNAMLRAHRL HQLAFDTYQE FEEAYIPKEQ KYSFLQNPQT    50
SLCFSESIPT PSNREETQQK SNLELLRISL LLIQSWLEPV QFLRSVFANS   100
LVYGASDSNV YDLLKDLEEG IQTLMGRLED GSPRTGQIFK QTYSKFDTNS   150
HNDDALLKNY GLLYCFRKDM DKVETFLRIV QCRSVEGSCG F            191
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
53-165 182-189

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
none / aucun / ninguna

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales
F1, K38, K140, K145, or K158



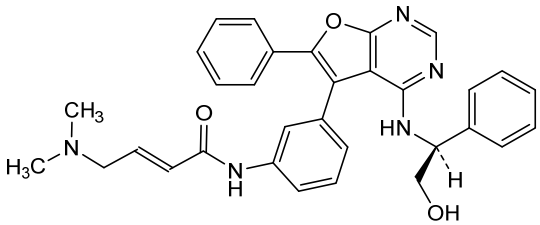
gozanertinibum

gozanertinib — (2*E*)-4-(dimethylamino)-*N*-[3-(4-{[(1*S*)-2-hydroxy-1-phenylethyl]amino}-6-phenylfuro[2,3-*d*]pyrimidin-5-yl)phenyl]but-2-enamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

gozanertinib — (2*E*)-4-(diméthylamino)-*N*-[3-(4-{[(1*S*)-2-hydroxy-1-phényléthyl]amino}-6-phénylfuro[2,3-*d*]pyrimidin-5-yl)phényl]but-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

gozanertinib — (2*E*)-4-(dimetilamino)-*N*-[3-(6-fenil-4-{[(1*S*)-1-fenil-2-hidroxietil]amino}furo[2,3-*d*]pirimidin-5-il)fenil]but-2-enamida
inhibidor del receptor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{32}H_{31}N_5O_3$ 1226549-49-0



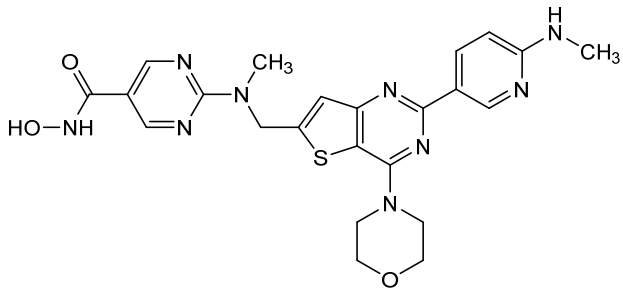
ifupinostatum

ifupinostat — *N*-hydroxy-2-[methyl({2-[6-(methylamino)pyridin-3-yl]-4-(morpholin-4-yl)thieno[3,2-*d*]pyrimidin-6-yl}methyl)amino]pyrimidine-5-carboxamide
histone deacetylase inhibitor, antineoplastic

ifupinostat — *N*-hydroxy-2-[méthyl({2-[6-(méthylamino)pyridin-3-yl]-4-(morpholin-4-yl)thiéno[3,2-*d*]pyrimidin-6-yl}méthyl)amino]pyrimidine-5-carboxamide
inhibiteur d'histone désacétylase, antinéoplasique

ifupinostat — *N*-hidroxi-2-[metil({2-[6-(metilamino)piridin-3-il]-4-(morfolin-4-il)tieno[3,2-*d*]pirimidin-6-il}metil)amino]pirimidina-5-carboxamida
inhibidor de la deacetilasa de la histona, antineoplásico

$C_{23}H_{25}N_9O_3S$ 1235449-52-1



imapextidum

imapextide

glucagon-like peptide 1(15-35) [human GLP-1(15-35)] (1-21 in the real sequence), [G^{22}>E^{8}, A^{25}>V^{11}, K^{26}>R^{12}, K^{34}>R^{20}]-variant, fused to the C-terminal (30-39)-peptide of exendin-4 (*Heloderma suspectum*) (22-31), substituted at the N-atom of the L-α-aspartyl residue 1 with a 17-carboxyheptadecanoyl group;
N-(17-carboxyheptadecanoyl)-L-α-aspartyl-L-valyl-L-seryl-L-seryl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-glutaminyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-valyl-L-arginylglycylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-serine
glucagon-like peptide-1 (GLP-1) receptor antagonist, treatment of hypoglycemia

imapextide

peptide similaire au glucagon de type 1(15-35) [GLP-1(15-35) humain] (1-21 dans la séquence réelle), variante [G^{22}>E^{8}, A^{25}>V^{11}, K^{26}>R^{12}, K^{34}>R^{20}], fusionné au (30-39)-peptide C-terminal d'exendine-4 (*Heloderma suspectum*) (22-31), substitué en l'atome N du résidu L-α-aspartyle 1 par un groupe 17-carboxyheptadécanoyle;
N-(17-carboxyheptadécanoyl)-L-α-aspartyl-L-valyl-L-séryl-L-séryl-L-tyrosyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-α-glutamyl-L-glutaminyl-L-alanyl-L-valyl-L-arginyl-L-α-glutamyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-alanyl-L-tryptophyl-L-leucyl-L-valyl-L-arginylglycylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl-L-sérine
antagoniste du récepteur du peptide-1 similaire au glucagon (GLP-1), traitement de l'hypoglycémie

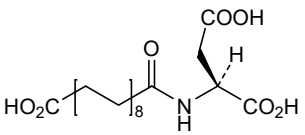
imapextida

péptido similar al glucagón tipo 1(15-35) [GLP-1(15-35) humano] (1-21 en la secuencia real), variante [G^{22}>E^{8}, A^{25}>V^{11}, K^{26}>R^{12}, K^{34}>R^{20}], fusionado al (30-39)-péptido C-terminal de exendina-4 (*Heloderma suspectum*) (22-31), sustituido en el átomo de N del residuo L-α-aspartilo con un grupo 17-carboxiheptadecanoilo;
N-(17-carboxiheptadecanoil)-L-α-aspartil-L-valil-L-seril-L-seril-L-tyrosil-L-leucil-L-α-glutamil-L-α-glutamil-L-glutaminil-L-alanil-L-valil-L-arginil-L-α-glutamil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-alanil-L-triptofil-L-leucil-L-valil-L-arginilglicilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil-L-serina
antagonista del receptor del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), tratamiento de la hipoglucemia

$C_{166}H_{257}N_{39}O_{50}$ 3004569-93-8

D̲VSSYLEEQA VREFIAWLVR GGPSSGAPPP S 31

Modified residue / Résidu modifié / Resto modificado



D̲ (1)
N-(HO_2C-[CH_2]$_{16}$-CO)-L-Asp

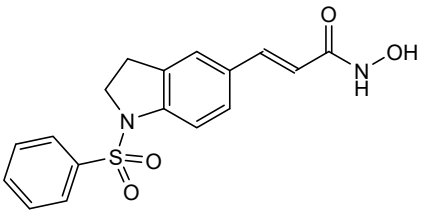
imofinostatum

imofinostat (2*E*)-3-[1-(benzenesulfonyl)-2,3-dihydro-1*H*-indol-5-yl]-*N*-hydroxyprop-2-enamide
histone deacetylase inhibitor, antineoplastic

imofinostat (2*E*)-3-[1-(benzènesulfonyl)-2,3-dihydro-1*H*-indol-5-yl]-*N*-hydroxyprop-2-énamide
inhibiteur d'histone désacétylase, antinéoplasique

imofinostat (2*E*)-3-[1-(bencenosulfonil)-2,3-dihidro-1*H*-indol-5-il]-*N*-hidroxiprop-2-enamida
inhibidor de la deacetilasa de la histona, antineoplásico

$C_{17}H_{16}N_2O_4S$ 1338320-94-7



infliximabum beta #

infliximab beta immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (tumor necrosis factor, TNF superfamily member 2, TNFSF2, TNF-alpha, TNFA)], chimeric monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain chimeric (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (89.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfide with L-kappa light chain chimeric (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (83.3%) K123>N (103'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229'':232-232'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
anti-inflammatory

infliximab bêta immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (facteur de nécrose tumorale, membre 2 de la superfamille du TNF, TNFSF2, TNF-alpha, TNFA)], anticorps monoclonal chimérique;
chaîne lourde H-gamma1 chimérique (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (89.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa chimérique (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (83.3%) K123>N (103'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
anti-inflammatoire

infliximab beta

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* TNF (factor de necrosis tumoral, miembro 2 de la superfamilia del TNF, TNFSF2, TNF-alfa, TNFA)], anticuerpo monoclonal quimérico;
cadena pesada H-gamma1 quimérica (1-450) [VH (*Mus musculus* IGHV6-6*02 (89.0%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.10.11] (26-33.51-60.99-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa quimérica (1'-214') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV5-48*01 (93.7%) -IGKJ4*01 (83.3%) K123>N (103'), I126>V (106'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio

2639475-46-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVKLEESGGG LVQPGGSMKL SCVASGFIFS NHWMNWVRQS PEKGLEWVAE  50
IRSKSINSAT HYAESVKGRF TISRDDSKSA VYLQMTDLRT EDTGVYYCSR 100
NYYGSTYDYW GQGTTLTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DILLTQSPAI LSVSPGERVS FSCRASQFVG SSIHWYQQRT NGSPRLLIKY  50
ASESMSGIPS RFSGSGSGTD FTLSINTVES EDIADYYCQQ SHSWPFTFGS 100
GTNLEVKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 147-203 264-324 370-428
22"-98" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-214' 223"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

inidascaminum

inidascamine

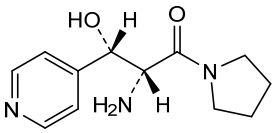
(2*R*,3*S*)-2-amino-3-hydroxy-3-(pyridin-4-yl)-1-(pyrrolidin-1-yl)propan-1-one
schizophrenia

inidascamine

(2*R*,3*S*)-2-amino-3-hydroxy-3-(pyridin-4-yl)-1-(pyrrolidin-1-yl)propan-1-one
schizophrénie

inidascamina (2*R*,3*S*)-2-amino-3-hidroxi-3-(piridin-4-il)-1-(pirrolidin-1-il)propan-1-ona
esquizofrenia

$C_{12}H_{17}N_3O_2$ 903884-71-9



inlecitugum #

inlecitug immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (kinase insert domain receptor, vascular endothelial growth factor receptor 2, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], chimeric monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain chimeric (1-447) [VH (*Mus musculus* IGHV14-4*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-213')-disulfide with L-kappa light chain chimeric (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
angiogenesis inhibitor, antineoplastic

inlécitug immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (récepteur à domaine insert kinase, récepteur 2 du facteur de croissance endothélial vasculaire, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], anticorps monoclonal chimérique; chaîne lourde H-gamma1 chimérique (1-447) [VH (*Mus musculus* IGHV14-4*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-213')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa chimérique (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa
inhibiteur de l'angiogenèse, antinéoplasique

inlecitug inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KDR (receptor de dominio kinasa de inserción, receptor 2 del factor de crecimiento endotelial vascular, VEGFR2, VEGF-R2, FLK1, CD309)], anticuerpo monoclonal quimérico; cadena pesada H-gamma1 quimérica (1-447) [VH (*Mus musculus* IGHV14-4*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (91.7%) S123>T (112), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-213')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa quimérica (1'-213') [V-KAPPA (*Mus musculus* IGKV4-57*01 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [5.3.9] (27'-31'.49'-51'.88'-96')) (1'-106') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152'), V101 (190')) (107'-213')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa
inhibidor de la angiogénesis, antineoplásico

2997627-68-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVKLQQSGAE LVGSGASVKL SCTTSGFNIK DFYMHWVKQR PEQGLEWIGW  50
IDPENGDSDY APKFQGKATM TADSSSNTAY LQLSSLTSED TAVYYCNAYY 100
GDYEGYWGQG TTVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIELTQSPAI MSASPGEKVT ITCSASSSVS YMHWFQQKPG TSPKLWIYST  50
SNLASGVPAR FSGSGSGTSY SLTISRMEAE DAATYYCQQR SSYPFTFGSG 100
TKLEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC                                         213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-87' 133'-193'
23'''-87''' 133'''-193'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-213' 220"-213'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4:

297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

ipanumeranum #

ipanumeran — messenger RNA (mRNA), 5'[1,2-[m^7G_m-(5'→5')-p-[P(R)]-s^p-p-G]]-capped, encoding codon-optimised human claudin-6 (CLDN6), flanked by 5' and 3' untranslated regions (UTRs), followed by a 3' polyadenylation (polyA) tail. The 5' UTR is derived from the human alpha-globin gene and contains an optimised Kozak sequence; the synthetic 3' UTR is a combination of two elements derived from the amino-terminal enhancer of split (AES) mRNA and the mitochondrial encoded 12S ribosomal RNA. The polyA tail consists of 30 adenosine residues followed by a 10-nucleotide linker sequence and another 70 adenosine residues

immunological agent for active immunization (antineoplastic)

ipanuméran — ARN messager (ARNm), coiffé en 5'[1,2-[m^7G_m-(5'→5')-p-[P(R)]-s^p-p-G]], codant, avec des codons optimisés, la claudine-6 humaine (CLDN6), flanqué des régions non traduites (UTRs) en 5' et en 3' et suivie d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3'. La région UTR en 5' est dérivée du gène de l'alpha-globine humaine et contient une séquence Kozak optimisée; la région UTR en 3' synthétique est une combinaison de deux éléments dérivés de l'ARNm de l'amplificateur amino-terminal divisé (AES) et de l'ARN ribosomique 12S codé par les mitochondries. La queue polyA se compose de 30 résidus d'adénosine, suivis d'une séquence de liaison de 10 nucléotides et de 70 autres résidus d'adénosine

agent immunologique pour immunisation active (antinéoplasique)

ipanumerán ARN mensajero (ARNm), protegido con la caperuza 5'[1,2-[m^7G_m-(5'→5')-p-[P(R)]-s^p-p-G]], que codifica, con codones optimizados, claudina-6 (CLDN6) humana, flanqueado por regiones sin traducir (UTRs) 5' y 3' seguido de una cola de poliadenilación (poliA) en 3'. La 5' UTR deriva del gen de la alfa-globina humana y contiene una secuencia Kozak optimizada; la 3' UTR sintética es una combinación de dos elementos derivados del ARNm del potenciador amino-terminal de división (AES) y el ARN ribosómico 12S codificado en la mitocondria. El poliA consta de 30 residuos de adenosina seguidos de una secuencia enlazadora de 10 nucleótidos y otros 70 residuos de adenosina
agente inmunológico para inmunización activa (antineoplásico)

3026599-66-3

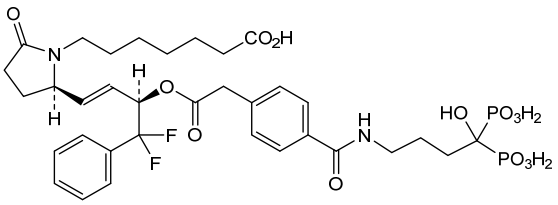
irodanoprostum

irodanoprost 7-[(2*R*)-2-{(1*E*,3*R*)-4,4-difluoro-3-[({4-[(4-hydroxy-4,4-diphosphonobutyl)carbamoyl]phenyl}acetyl)oxy]-4-phenylbut-1-en-1-yl}-5-oxopyrrolidin-1-yl]heptanoic acid
prostaglandin receptor agonist, osteogenesis-related diseases

irodanoprost acide 7-[(2*R*)-2-{(1*E*,3*R*)-4,4-difluoro-3-[({4-[(4-hydroxy-4,4-diphosphonobutyl)carbamoyl]phényl}acétyl)oxy]-4-phénylbut-1-én-1-yl}-5-oxopyrrolidin-1-yl]heptanoïque
agoniste des récepteurs des prostaglandines, maladies liées à l'ostéogenèse

irodanoprost ácido 7-[(2*R*)-2-{(1*E*,3*R*)-3-[({4-[(4,4-difosfono-4-hidroxibutil)carbamoil]fenil}acetil)oxi]-4-fenil-4,4-difluorobut-1-en-1-il}-5-oxopirrolidin-1-il]heptanoico
agonista del receptor de prostaglandinas, enfermedades relacionadas con la osteogénesis

$C_{34}H_{44}F_2N_2O_{13}P_2$ 2055490-48-5



isuventatugum #

isuventatug immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MICA (MIC-A, MH1-like A) and *Homo sapiens* MICB (MIC-B, MH1-like B)], monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-219')-disulfide with L-kappa light chain (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (90.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>P (105')/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86.0%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>P (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (230-230'':233-233'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, glycoform alfa
antineoplastic

isuventatug

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MICA (MIC-A, MH1-like A) et *Homo sapiens* MICB (MIC-B, MH1-like B)], anticorps monoclonal; chaîne lourde H-gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (90.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>P (105')/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86.0%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>P (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (230-230'':233-233'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, glycoforme alfa *antinéoplasique*

isuventatug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* MICA (MIC-A, MH1-like A) y *Homo sapiens* MICB (MIC-B, MH1-like B)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma1 (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-11*01 (93.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235-344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS K2>del (450)) (122-450)], (224-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-219') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV2-137*01 (90.0%) -IGKJ4*01 (91.7%) S120>P (105')/*Homo sapiens* IGKV2-28*01 (86.0%) -IGKJ2*02 (90.9%) Q120>P (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (230-230'':233-233'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

2986317-23-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS NYAMSWIRQA PGKGLEWVSY  50
ISPGGDYIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCTTDR 100
RHYGSYAMDY WGQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPLS LPVTPGEPAS ISCRSSKSLL HSNLNTYLYW FLQKPGQSPQ  50
ILIYRMSNLA SGVPDRFSGS GSGTAFTLKI SRVEAEDVGV YYCMQHLEYP 100
FTFGPGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-219' 224"-219'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

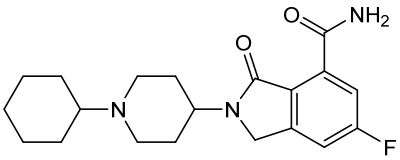
itareparibum

itareparib — 2-(1-cyclohexylpiperidin-4-yl)-6-fluoro-3-oxo-2,3-dihydro-1*H*-isoindole-4-carboxamide
poly (ADP-ribose) polymerase (PARP) inhibitor, antineoplastic

itaréparib — 2-(1-cyclohexylpipéridin-4-yl)-6-fluoro-3-oxo-2,3-dihydro-1*H*-isoindole-4-carboxamide
inhibiteur de la poly-ADP-ribose polymérase, antinéoplasique

itareparib — 2-(1-ciclohexilpiperidin-4-il)-6-fluoro-3-oxo-2,3-dihidro-1*H*-isoindol-4-carboxamida
inhibidor de poli-ADP-ribosa polimerasa, antineoplásico

$C_{20}H_{26}FN_3O_2$ 1606995-47-4



ixotatugum #

ixotatug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudin 6, claudin-6)], monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-S, glycoform alfa
antineoplastic

ixotatug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudine 6, claudine-6)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
antinéoplasique

ixotatug

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudina 6, claudina-6)], anticuerpo monoclonal; cadena pesada H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-S, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3018936-99-4

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLLESGGG LVQPGGSMRL SCAASGFTFS NYWMNWVRQA PGKGLEWVAQ  50
IRLKSDNYAT HYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLRA EDTGVYYCND 100
GPPSGSWGQG TLLTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRISENIY SYLAWYQQKP GKAPKLLVYN  50
AKILVEGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFGTYYCQH HYTVPWTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-98 144-200 261-321 367-425
22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

ixotatugum vedotinum #
ixotatug vedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudin 6, claudin-6)], monoclonal antibody, conjugated on an average of four cysteinyl residues to *vedotin*, comprising a cleavable linker and monomethylauristatin E (MMAE);

H-gamma1 heavy chain (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-S, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 220, 226, 229, 214', 220", 226", 229" and 214"' with (3*RS*)-1-(6-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[({[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino}-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl}-3-methoxy-5-methyl-1-oxoheptan-4-yl](methyl)amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl](methyl)carbamoyl}oxy)methyl]anilino}-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-32-yl]amino}-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*vedotin*) groups *antineoplastic*

ixotatug védotine

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudine 6, claudine-6)], anticorps monoclonal, conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *védotine*, comprenant un linker clivable et monométhylauristatine E (MMAE);
chaîne lourde H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa;

substitué sur l'atome de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 220, 226, 229, 214', 220'', 226'', 229'' et 214''' avec des groupes (3*RS*)-1-(6-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-5-(carbamoylamino)-1-{4-[({[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino}-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl}-3-méthoxy-5-méthyl-1-oxoheptan-4-yl](méthyl)amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl](méthyl)carbamoyl}oxy)méthyl]anilino}-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-32-yl]amino}-6-oxohexyl)-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*védotine*)
antinéoplasique

ixotatug vedotina

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CLDN6 (claudina 6, claudina-6)], anticuerpo monoclonal, conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *vedotina*, que comprende un enlace escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV6-3*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (90.9%) T123>L (112)/*Homo sapiens* IGHV3-23*03 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ5*01 (91.7%) V124>L (113), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-218') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV12-44*01 (83.2%) -IGKJ1*01 (91.7%) G120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (83.2%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-S, forma glicosilada alfa; sustituido en el átomo de azufre de cuatro residuos L-cisteinilo en promedio entre 220, 226, 229, 214', 220'', 226'', 229'' y 214''' con grupos (3*RS*)-1-(6-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-5-(carbamoilamino)-1-{4-[({[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{[(3*R*,4*S*,5*S*)-1-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]amino}-2-metil-1-metoxi-3-oxopropil]pirrolidin-1-il}-5-metil-3-metoxi-1-oxoheptan-4-il](metil)amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il](metil)carbamoil}oxi)metil]anilino}-1-oxopentan-2-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-32-il]amino}-6-oxohexil)-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*vedotina*)
antineoplásico

3018937-00-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
EVQLLESGGG LVQPGGSMRL SCAASGFTFS NYWMNWVRQA PGKGLEWVAQ  50
IRLKSDNYAT HYADSVKGRF TISRDDSKNT VYLQMNSLRA EDTGVYYCND 100
GPPSGSWGQG TLLTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRISENIY SYLAWYQQKP GKAPKLLVYN  50
AKILVEGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFGTYYCQH HYTVPWTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 144-200 261-321 367-425
22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 220-214' 220"-214'''

Inter-H-H (h 11, h 14)* 226-226" 229-229"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

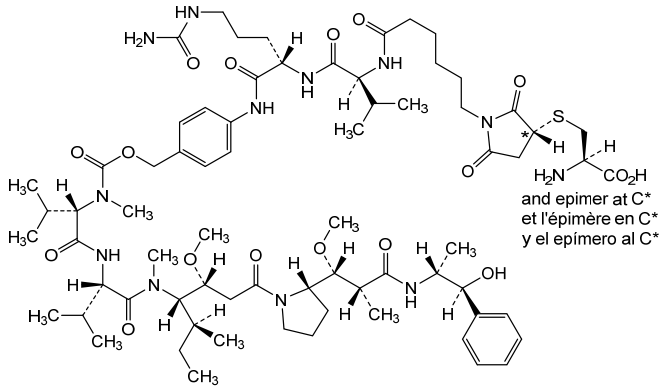
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales*

C (220, 226, 229, 214', 220", 226", 229", 214''')

*(*vedotin*:mAb ~ 4:1)



lanisidenibum

lanisidenib

(3*S*)-*N*-{(1*S*)-1-(2-chlorophenyl)-2-[(3,3-difluorocyclobutyl)amino]-2-oxoethyl}-2-(4-cyanopyridin-2-yl)-*N*-(3-fluorophenyl)-1,1-dioxo-1λ^6,2-thiazolidine-3-carboxamide

isocitrate dehydrogenase inhibitor, antineoplastic

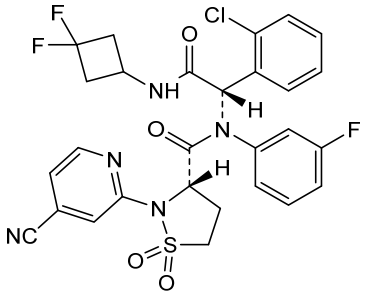
lanisidénib

(3*S*)-*N*-{(1*S*)-1-(2-chlorophenyl)-2-[(3,3-difluorocyclobutyl)amino]-2-oxoethyl}-2-(4-cyanopyridin-2-yl)-*N*-(3-fluorophenyl)-1,1-dioxo-1λ^6,2-thiazolidine-3-carboxamide
inhibiteur de l'isocitrate déshydrogénase, antinéoplasique

lanisidenib

(3*S*)-*N*-{(1*S*)-1-(2-chlorophenyl)-2-[(3,3-difluorocyclobutyl)amino]-2-oxoethyl}-2-(4-cyanopyridin-2-yl)-*N*-(3-fluorophenyl)-1,1-dioxo-1λ^6,2-thiazolidine-3-carboxamide
inhibidor de la isocitrato deshidrogenasa, antineoplásico

$C_{28}H_{23}ClF_3N_5O_4S$ 2135537-20-9



lanoracopanum

lanoracopan

4-{(2*S*,4*S*)-4-(cyclopropylmethoxy)-1-[(5-methoxy-7-methyl-1*H*-indol-4-yl)methyl]piperidin-2-yl}benzoic acid
complement factor B inhibitor

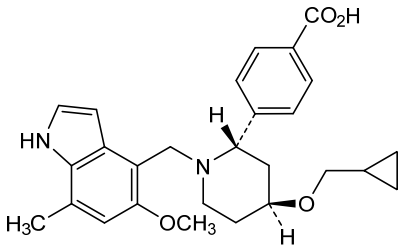
lanoracopan

acide 4-{(2*S*,4*S*)-4-(cyclopropylméthoxy)-1-[(5-méthoxy-7-méthyl-1*H*-indol-4-yl)méthyl]pipéridin-2-yl}benzoïque
inhibiteur du facteur B du complément

lanoracopán

ácido 4-{(2*S*,4*S*)-4-(ciclopropilmetoxi)-1-[(7-metil-5-metoxi-1*H*-indol-4-il)metil]piperidin-2-il}benzoico
inhibidor del factor B del complemento

$C_{27}H_{32}N_2O_4$ 2797066-85-2



laporolimusum

laporolimus

(1*R*,2*R*,4*S*)-4-{(2*R*)-2-[(3*S*,6*R*,7*E*,9*R*,10*R*,12*R*,14*S*,15*E*,17*E*,19*E*,21*S*,23*S*,26*R*,27*R*,34a*S*)-9,27-dihydroxy-10,21-dimethoxy-6,8,12,14,20,26-hexamethyl-1,5,11,28,29-pentaoxo-1,4,5,6,9,10,11,12,13,14,21,22,23,24,25,26,27,28,29,31,32,33,34,34a-tetracosahydro-3*H*-23,27-epoxypyrido[2,1-*c*][1,4]oxazacyclohentriacontin-3-yl]propyl}-2-methoxycyclohexyl cyclohexanecarboxylate
immunosuppressant

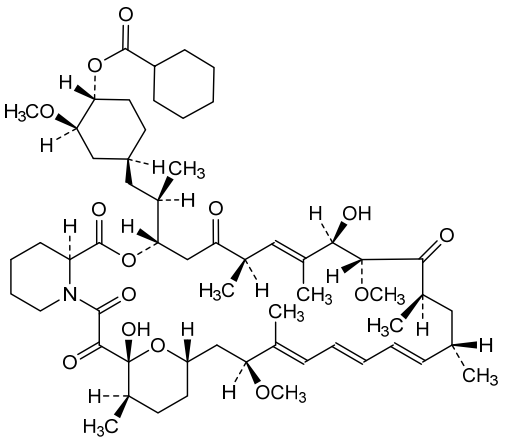
laporolimus

cyclohexanecarboxylate de (1*R*,2*R*,4*S*)-4-{(2*R*)-2-[(3*S*,6*R*,7*E*,9*R*,10*R*,12*R*,14*S*,15*E*,17*E*,19*E*,21*S*,23*S*,26*R*,27*R*,34a*S*)-9,27-dihydroxy-10,21-diméthoxy-6,8,12,14,20,26-hexaméthyl-1,5,11,28,29-pentaoxo-1,4,5,6,9,10,11,12,13,14,21,22,23,24,25,26,27,28,29,31,32,33,34,34a-tétracosahydro-3*H*-23,27-époxypyrido[2,1-*c*][1,4]oxaazacyclohentriacontin-3-yl]propyl}-2-méthoxycyclohexyle
immunosuppresseur

laporólimus

ciclohexanocarboxilato de (1*R*,2*R*,4*S*)-4-{(2*R*)-2-[(3*S*,6*R*,7*E*,9*R*,10*R*,12*R*,14*S*,15*E*,17*E*,19*E*,21*S*,23*S*,26*R*,27*R*,34a*S*)-9,27-dihidroxi-6,8,12,14,20,26-hexametil-10,21-dimetoxi-1,5,11,28,29-pentaoxo-1,4,5,6,9,10,11,12,13,14,21,22,23,24,25,26,27,28,29,31,32,33,34,34a-tetracosahidro-3*H*-23,27-epoxipirido[2,1-*c*][1,4]oxaazaciclohentriacontin-3-il]propil}-2-metoxiciclohexilo
inmunosupresor

$C_{58}H_{89}NO_{14}$ 1504576-27-5



laromestrocelum

laromestrocel	allogeneic mesenchymal stromal cells (MSC) derived from bone marrow of healthy human donors. The cells are expanded in media containing fetal bovine serum. The cells are positive (≥95%) for the mesenchymal stromal cell surface markers CD73, CD90, CD105, and are negative (≤5%) for CD34 and negative (≤2%) for markers CD11b, CD19, CD45, and HLA class II histocompatibility antigen gamma chain (HLA-DR). The cells secrete immunomodulatory factors including the interleukin 1 receptor antagonist (IL-1RA), interleukin 4 (IL-4), IL-7, IL-8, IL- 10, IL-13, and granulocyte colony stimulating factor (G-CSF) upon stimulation. In absence of exogenous stimulation, the MSCs also secrete vascular endothelial growth factor A (VEGF-A) and tissue inhibitor of metalloproteinases 2 (TIMP-2). The secreted TIMP-2 is able to inhibit matrix metalloprotease-14 (MMP-14) activity in an *in vitro* assay *cell therapy (anti-inflammatory)*
laromestrocel	cellules stromales mésenchymateuses (CSM) allogéniques dérivées de la moelle osseuse de donneurs humains sains. Les cellules sont expansées dans un milieu contenant du sérum bovin fœtal. Les cellules sont positives (≥95%) pour les marqueurs de surface des cellules stromales mésenchymateuses CD73, CD90, CD105, et sont négatives (≤5%) pour CD34 et négatives (≤2%) pour les marqueurs CD11b, CD19, CD45 et la chaîne gamma de l'antigène d'histocompatibilité (HLA) de classe II (HLA-DR). Les cellules sécrètent des facteurs immunomodulateurs, notamment l'antagoniste du récepteur de l'interleukine 1 (IL-1RA), l'interleukine 4 (IL-4), l'IL-7, l'IL-8, l'IL-10, l'IL-13 et le facteur de stimulation des colonies de granulocytes (G-CSF), lors de la stimulation. En l'absence de stimulation exogène, les CSM sécrètent également le facteur de croissance endothélial vasculaire A (VEGF-A) et l'inhibiteur tissulaire des métalloprotéinases 2 (TIMP-2). Le TIMP-2 sécrété est capable d'inhiber l'activité de la métalloprotéase matricielle 14 (MMP-14) dans un essai *in vitro* *thérapie cellulaire (anti-inflammatoire)*
laromestrocel	células estromales mesenquimales (MSC) alogénicas derivadas de médula ósea de donantes sanos. Las células se expanden en medio que contiene suero bovino fetal. Las células son positivas (≥ 95%) para los marcadores de superficie de células estromales mesenquimales CD73, CD90, CD105 y son negativas (≤ 5%) para CD34 y negativas (≤2%) para los marcadores CD11b, CD19, CD45 y la cadena gamma del antígeno de histocompatibilidad HLA de clase II (HLA-DR). Las células secretan factores inmunomoduladores incluyendo el antagonista del receptor de interleuqina 1 (IL-1RA), interleuquina 4 (IL-4), IL-7, IL-8, IL-10, IL-13 y factor estimulador de colonias de granulocitos (G-CSF) tras estimulación. En ausencia de estimulación exógena, las MSC también secretan factor de crecimiento del endotelio vascular A (VEGF-A) e inhibidor tisular de metaloproteinasas 2 (TIMP-2). El TIMP-2 secretado es capaz de inhibir la actividad de la metaloproteinasa de matriz 14 (MMP-14) en un ensayo *in vitro* *terapia celular (antiinflamatorio)*

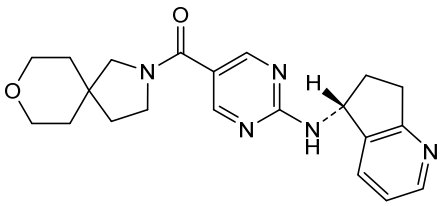
larubrilstatum

larubrilstat — (2-{[(5*R*)-6,7-dihydro-5*H*-cyclopenta[*b*]pyridin-5-yl]amino}pyrimidin-5-yl)(8-oxa-2-azaspiro[4.5]decan-2-yl)methanone
vascular non-inflammatory molecule-1 (VNN1) inhibitor

larubrilstat — (2-{[(5*R*)-6,7-dihydro-5*H*-cyclopenta[*b*]pyridin-5-yl]amino}pyrimidin-5-yl)(8-oxa-2-azaspiro[4.5]décan-2-yl)méthanone
inhibiteur de molécule-1 vasculaire non inflammatoire

larubrilstat — (2-{[(5*R*)-6,7-dihidro-5*H*-ciclopenta[*b*]piridin-5-il]amino}pirimidin-5-il)(8-oxa-2-azaespiro[4.5]decan-2-il)metanona
inhibidor de la molécula 1 vascular no inflamatoria

$C_{21}H_{25}N_5O_2$ 2765226-31-9



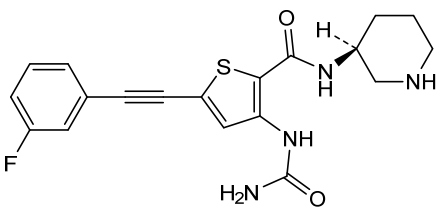
lasmotinibum

lasmotinib — 3-(carbamoylamino)-5-[(3-fluorophenyl)ethynyl]-*N*-[(3*S*)-piperidin-3-yl]thiophene-2-carboxamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

lasmotinib — 3-(carbamoylamino)-5-[(3-fluorophényl)éthynyl]-*N*-[(3*S*)-pipéridin-3-yl]thiophène-2-carboxamide
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

lasmotinib — 3-(carbamoilamino)-5-[(3-fluorofenil)etinil]-*N*-[(3*S*)-piperidin-3-il]tiofeno-2-carboxamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{19}H_{19}FN_4O_2S$ 2127107-15-5



lasrekibartum #

lasrekibart	immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukin 5, IL-5)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214')[V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (84.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (227-227'':230-230'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa *anti-inflammatory*
lasrékibart	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukine 5, IL-5)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (84.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *anti-inflammatoire*
lasrekibart	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL5 (interleukina 5, IL-5)], anticuerpo monoclonal humanizado; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*02 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 M15.1>Y (253), S16>T (255), T18>E (257) (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (84.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antiinflamatorio*

3021525-26-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS HYYMAWVRQA PGKGLEWVTS  50
ISYEGDITYY GDSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TATYYCASQT 100
LRESFDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLYITREPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS VSASVGDRVT ITCRASQDIA NYLSWYQQKP GKSPKLLIYG  50
TSNLEVGVPS RFSGSRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCLQ DKEFPRTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-214' 221"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

laventatugum tivedotinum #
laventatug tivedotin

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (solute carrier family 39 member 6, solute carrier family 39 (metal ion transporter) member 6, solute carrier family 39 (zinc transporter) member 6, LIV-1, ZIP6)], humanized monoclonal antibody, conjugated on an average of four cysteinyl residues to *tivedotin*, comprising a cleavable monovalent linker and monomethylauristatin E (MMAE);
H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of an average of four L-cysteinyl residues among 223, 229, 232, 219', 223", 229", 232" and 219'" with 2-oxo-2-({L-valyl-N^5-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophenyl)methoxy]carbonyl-*N*-methyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-methoxy-5-methyl-4-(methylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]-3-methoxy-2-methyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-$N^{2,1}$-yl)ethyl (*tivedotin*) groups
antineoplastic

laventatug tivédotine	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (membre 6 de la famille 39 des transporteurs de solutés, membre 6 de la famille 39 (transporteur d'ion métal) des transporteurs de solutés, membre 6 de la famille 39 (transporteur du zinc) des transporteurs de solutés, LIV-1, ZIP6)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué par quatre résidus cystéinyle en moyenne à la *tivédotine*, comprenant un linker monovalent clivable et monométhylauristatine E (MMAE); chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (229-229'':232-232'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 223, 229, 232, 219', 223'', 229'', 232'' et 219''' avec des groupes 2-oxo-2-({L-valyl-N^5-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophényl)méthoxy]carbonyl-*N*-méthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-$N^{2.1}$-yl)éthyle (*tivédotine*) *antinéoplasique*
laventatug tivedotina	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (miembro 6 de la familia 39 de los transportadores de solutos, miembro 6 de la familia 39 (transportador del ión metal) de los transportadores de los solutos, miembro 6 de la familia 39 (transportador del zinc) de los transportadores de solutos, LIV-1, ZIP6)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado en una media de cuatro residuos cisteinilo a la *tivedotina*, que comprende un enlace monovalente escindible y monometilauristatina E (MMAE); cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (229-229'':232-232'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa, sustituido en el átomo de

azufre de 4 residuos L-cisteinilo en promedio entre 223, 229, 232, 219', 223", 229", 232" y 219"' con grupos 2-oxo-2-({L-valil-N^5-carbamoil-L-ornitil[(4-aminofenil)metoxi]carbonil-*N*-metil-L-valil-L-valil-(3*R*,4*S*,5*S*)-5-metil-4-(metilamino)-3-metoxiheptanoil-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]-2-metil-3-metoxi-3-[(2*S*)-pirrolidin-2-il]propanamida}-$N^{2.1}$-il)etilo (*tivedotina*) *antineoplásico*

3009829-96-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
EVQLVQSGAE VKKPGATVKI SCKASGLNIE DYYMHWVQQA PGKGLEWMGW  50
IDPENGDTEY AEKFQGRVTI TADTSTNTAY MELSSLRSED TAVYYCTVHN 100
AHYGTWFAYW GQGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L"')

```
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCRSSQTLV RSDGNTYLEW YLQKPGQSPQ  50
LLIYRVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHVP 100
YTFGGGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23"'-93"' 139"'-199"'

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 223-219' 223"-219"'

Inter-H-H (h 11, h 14)* 229-229" 232-232"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 (3.8) cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 (3,8) cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 (3.8) cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 300"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

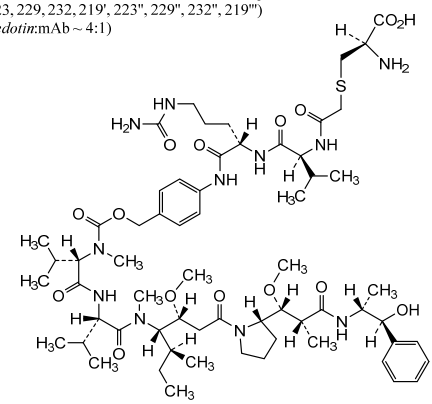
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 450, 450"

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales*

C (223, 229, 232, 219', 223", 229", 232", 219"')

*(*tivedotin*:mAb ~ 4:1)



laventatugum #

laventatug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (solute carrier family 39 member 6, solute carrier family 39 (metal ion transporter) member 6, solute carrier family 39 (zinc transporter) member 6, LIV-1), ZIP6], humanized monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
antineoplastic

laventatug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (membre 6 de la famille 39 des transporteurs de solutés, membre 6 de la famille 39 (transporteur d'ion métal) des transporteurs de solutés, membre 6 de la famille 39 (transporteur du zinc) des transporteurs de solutés, LIV-1, ZIP6)], anticorps monoclonal humanisé;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
antinéoplasique

laventatug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* SLC39A6 (miembro 6 de la familia 39 de los transportadores de solutos, miembro 6 de la familia 39 (transportador del ión metal) de los transportadores de los solutos, miembro 6 de la familia 39 (transportador del zinc) de los transportadores de solutos, LIV-1, ZIP6)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69-2*01 (88.5%) -(IGHD) -IGHJ6*05 (81.8%) K120>Q (112), A127>S (119), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 D12 (359), L14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)], (223-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-29*02 (89.0%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (105'), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
antineoplásico

3009829-91-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVQSGAE VKKPGATVKI SCKASGLNIE DYYMHWVQQA PGKGLEWMGW  50
IDPENGDTEY AEKFQGRVTI TADTSTNTAY MELSSLRSED TAVYYCTVHN 100
AHYGTWFAYW GQGTTVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSRDE LTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQTPLS LSVTPGQPAS ISCRSSQTLV RSDGNTYLEW YLQKPGQSPQ  50
LLIYRVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCFQGSHVP 100
YTFGGGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'"-93'" 139'"-199'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 223-219' 223"-219'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 450, 450"

lecankitugum #

lecankitug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukin 17A, IL-17A) and IL17F (interleukin 17F, IL-17F)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), hinge 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
anti-inflammatory

lécankitug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukine 17A, IL-17A) et IL17F (interleukine 17F, IL-17F)]; anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), charnière 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (227-227'':230-230'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
anti-inflammatoire

lecankitug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL17A (interleukina 17A, IL-17A) y IL17F (interleukina 17F, IL-17F)]; anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (26-33.51-58.97-107)) (1-118) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (215) (119-216), bisagra 1-15 (217-231), CH2 (232-341), CH3 D12 (357), L14 (359) (342-446), CHS (447-448)) (119-448)], (221-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2D-29*01 (89.0%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio

2923284-76-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QFQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYNLNWVRQA PGKGLEWMGV  50
IHPDYGTTSY NQKFKDRVTM TVDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCVRYD 100
YGDAMDYWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS CDKTHTCPPC PAPELLGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSHE DPEVKFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQYNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKALP APIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSRDELT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSK LTVDKSRWQQ GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVMTQSPLS LSVTPGQPAS ISCRSSQSLV HSNGNTYLHW YLQKPGQPPQ  50
LLIYKVSNRF SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCSQSTHVP 100
LTFGQGTKLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 145-201 262-322 368-426
22"-96" 145"-201" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'"-93'" 139'"-199'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 221-219' 221"-219'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 227-227" 230-230"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448"

ledostomigum #

ledostomig immunoglobulin (H-gamma1-scFvhk_L-kappa) dimer, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucleotidase ecto, 5'-nucleotidase, NT5, eN, eNT, NTE, CALJA, CD73)] and anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (programmed cell death 1, PD-1, PD1, CD279)], monoclonal antibody, bispecific, tetravalent;
H-gamma1 heavy chain anti-NT5E fused to a scFvhk anti-PDCD1 (1-717) [H-gamma1 heavy chain anti-NT5E (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42-1*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1(CH1 K120 (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), G1>A (241) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)] -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (452-471) -scFvhk anti-PDCD1 (472-717) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (584), CDR-IMGT [8.8.11] (497-504.522-529.568-578)) (472-589) -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (590-609) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (709), I126>L (715), CDR-IMGT [6.3.9] (636-641.659-661.698-706)) (610-717)]]; (224-220')-disulfide with L-kappa light chain anti-NT5E humanized (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

lédostomig immunoglobuline (H-gamma1-scFvhk_L-kappa) dimère, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucléotidase ecto, 5'-nucléotidase, NT5, eN, eNT, NTE, CALJA, CD73)] et anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (protéine 1 de mort cellulaire programmée, PD-1, PD1, CD279)], anticorps monoclonal, bispécifique, tétravalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-NT5E fusionnée à un scFvhk anti-PDCD1 (1-717) [chaîne lourde H-gamma1 anti-NT5E (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42-1*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121)-*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1(CH1 K120 (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), G1>A (241) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)] -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (452-471) -scFvhk anti-PDCD1 (472-717) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (584), CDR-IMGT [8.8.11] (497-504.522-529.568-578)) (472-589) -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (590-609) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (709), I126>L (715), CDR-IMGT [6.3.9] (636-641.659-661.698-706)) (610-717)]]; (224-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-NT5E humanisée (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

ledostomig inmunoglobulina (H-gamma1-scFvhk_L-kappa) dímero, anti-[*Homo sapiens* NT5E (5'-nucleotidasa ecto, 5'-nucleotidasa, NT5, eN, eNT, NTE, CALJA, CD73)] y anti-[*Homo sapiens* PDCD1 (proteína 1 de muerte celular programada, PD-1, PD1, CD279)], anticuerpo monoclonal, biespecífico, tetravalente;

cadena pesada H-gamma1 anti-NT5E fusionada con un scFvhk anti-PDCD1 (1-717) [cadena pesada H-gamma1 anti-NT5E (1-451) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-42-1*01 (82.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (86.7%) L123>T (116), V124>L (117), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121)-*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1(CH1 K120 (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 L1.3>A (238), L1.2>A (239), G1>A (241) (235-344), CH3 D12 (360), L14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)] -20-mer tetrakis(tetraglicil-seril) enlace (452-471) -scFvhk anti-PDCD1 (472-717) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (88.7%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (584), CDR-IMGT [8.8.11] (497-504.522-529.568-578)) (472-589) -20-mer tetrakis(tetraglicil-seril) enlace (590-609) -V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-111*01 (86.3%) -IGKJ5*01 (100%)/*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (80.0%) -IGKJ2*01 (81.8%) Q120>A (709), I126>L (715), CDR-IMGT [6.3.9] (636-641.659-661.698-706)) (610-717)]]; (224-220')-disulfuro com la cadena ligera L-kappa anti-NT5E humanizada (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (89.1%) -IGKJ2*01 (91.7%) Q120>G (106'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa

inmunoestimulante, antineoplásico

2769743-01-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused H-gamma1 anti-NT5E -scFvhk anti-PDCD1 (H, H")

```
QVQLVQSGAE VVKPGASVKV SCKASGYSFT GYTMNWVRQA PGQNLEWIGL  50
INPYNAGTSY NQKFQGKVTL TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCARSE 100
YRYGGDYFDY WGQGTTLTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPEAAG APSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRD ELTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
KGGGGSGGGG SGGGGSGGGG SEVQLVESGG GLVQPGGSLR LSCAASGFAF 500
SSYDMSWVRQ APGKGLDWVA TISGGGRYTY YPDSVKGRFT ISRDNSKNNL 550
YLQMNSLRAE DTALYYCANR YGEAWFAYWG QGTLVTVSSG GGGSGGGGSG 600
GGGSGGGGSD IQMTQSPSSM SASVGDRVTF TCRASQDINT YLSWFQQKPG 650
KSPKTLIYRA NRLVSGVPSR FSGSGSGQDY TLTISSLQPE DMATYYCLQY 700
DEFPLTFGAG TKLELKR                                     717
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-NT5E (L', L''')

```
DIVMTQSPSS LAVSVGERVT ISCKSSQSLL NSSNQKNYLA WYQQKPGQAP  50
KLLIYFASTR ESGVPDRFSG SGSGTDFTLT ISSLQAEDVA VYYCQQHYDT 100
PYTFGGGTKL EIKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC                                  220
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 265-325 371-429
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
493-567 632-697
493"-567' 632"-697"
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'''-94''' 140'''-200'''
Intra-H-L (h 5-CL 126) 224-220' 224"-220'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

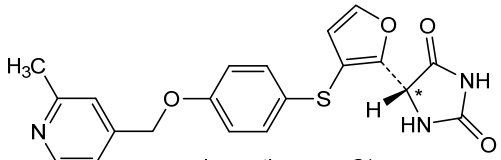
lerepmeranum #

lerepmeran	messenger RNA (mRNA), 5'(m^7G-(5'→5')-ppp-Gm)-capped, encoding codon-optimised human propionyl-CoA carboxylase subunit alpha (PCCA), flanked by 5' and 3' untranslated regions (UTRs), followed by a 3' polyadenylation (polyA) tail and concluded by a 5-nucleotide *Xba*I scar. The 3' UTR contains three microRNA-142 (miR-142) binding sites. Contains N^1-methylpseudouridine instead of uridine (*all*-U>$m^1\Psi$) *enzyme replacement therapy (propionic acidemia)*
lérepméran	ARN messager (ARNm), coiffé en 5'(m^7G-(5'→5')-ppp-Gm), codant, avec des codons optimisés, la sous-unité alpha de la propionyl-CoA carboxylase humaine (PCCA), flanqué des régions non traduites (UTRs) en 5' et 3', suivie d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3' et conclue par une cicatrice *Xba*I de 5 nucléotides. Le 3' UTR contient trois sites de liaison du microARN-142 (miR-142). Contient de la N^1-méthylpseudouridine au lieu de l'uridine (*tout*-U>$m^1\Psi$) *thérapie enzymatique substitutive (acidémie propionique)*
lerepmerán	ARN mensajero (ARNm), protegido con la caperuza 5'(m^7G-(5'→5')-ppp-Gm), que codifica, con codones optimizados, la subunidad alfa de la propionil-CoA carboxilasa (PCCA), flanqueado por regiones sin traducir (UTRs) 5' y 3', seguido de una cola de poliadenilación (poliA) en 3' y concluido con una cicatriz *XbaI* de 5 nucleótidos. La 3' UTR contiene tres sitios de unión del microARN-142 (miR-142). Contiene N^1-metilpseudouridina en lugar de uridina (*todo*-U>$m^1\Psi$) *tratamiento enzimático de sustitución (acidemia propiónica)*
	2924731-63-3

linvemastatum

linvemastat	*rac*-(1^4*R*)-7^2-methyl-5-oxa-3-thia-7(4)-pyridina-1(4)-imidazolidina-2(2,3)-furana-4(1,4)-benzenaheptaphane-1^2,1^5-dione *matrix metalloproteinase-12 inhibitor, lung diseases*
linvémastat	*rac*-(1^4*R*)-7^2-méthyl-5-oxa-3-thia-7(4)-pyridina-1(4)-imidazolidina-2(2,3)-furana-4(1,4)-benzénaheptaphane-1^2,1^5-dione *inhibiteur de la métalloprotéinase matricielle-12, maladies pulmonaires*
linvemastat	*rac*-(1^4*R*)-7^2-metil-5-oxa-3-tia-7(4)-piridina-1(4)-imidazolidina-2(2,3)-furana-4(1,4)-bencenaheptafano-1^2,1^5-diona *inhibidor de la metaloproteinasa 12 de la matrix, enfermedades pulmonares*

$C_{20}H_{17}N_3O_4S$ 2389060-50-6



and enantiomer at C*
et énantiomère at C*
y enantiómero at C*

liraltagenum autoleucelum #
liraltagene autoleucel

autologous CD4+/CD8+ enriched T lymphocytes derived from leukapheresis material, transduced with a non-replicating murine stem cell virus (MSCV)-derived gamma retroviral vector, encoding codon-optimised follicle-stimulating hormone (FSH) (subunits FSHβ and CGα, linked by a glycine/serine spacer), preceded by the FSHβ signal peptide, and fused to a CD8α hinge and transmembrane domain, a 4-1BB co-stimulatory domain and a CD3ζ signalling domain, under control of the Moloney murine leukemia virus (MMLV) LTR promoter. The vector also has long terminal repeats (LTRs) derived from MSCV and an extended packaging signal (Ψ+) derived from MMLV and has a splice acceptor sequence immediately upstream of the start codon. A Kozak sequence precedes the transgene.
The leukapheresis material is enriched for the lymphocyte fraction prior to activation with anti-CD3 and interleukin 2 (IL-2). The cells are then transduced with the retroviral vector and expanded in growth media containing anti-CD3 and IL-2. The cell suspension consists of T lymphocytes (≥90% CD3+; ≤0.5% CD14+, ≤0.08% CD19+, ≤5% CD3-CD56+, ≤0.55% CD3-CD33+), with ≥10% of the T lymphocytes expressing the transgene. The transduced T lymphocytes demonstrate cytotoxicity against follicle-stimulating hormone receptor (FSHR)-expressing cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

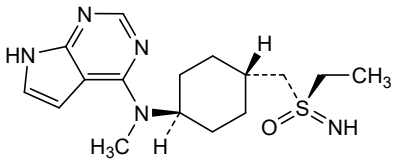
liraltagène autoleucel

lymphocytes T autologues enrichis en CD4+/CD8+, dérivés de matériel de leucaphérèse, transduits avec un vecteur rétroviral gamma dérivé du virus des cellules souches murines (MSCV), non réplicatif, codant l'hormone folliculo-stimulante (FSH) à codons optimisés (sous-unités FSHβ et CGα, liées par un espaceur glycine/sérine), précédé du peptide signal FSHβ, et fusionné à un domaine charnière et un domaine transmembranaire CD8α, un domaine co-stimulateur 4-1BB et un domaine de signalisation CD3ζ, sous le contrôle du promoteur LTR du virus de la leucémie murine Moloney (MMLV). Le vecteur possède de répétitions terminales longues (LTRs) dérivées du MSCV et un signal d'encapsidation (Ψ+) dérivé du MMLV et possède une séquence accepteur d'épissage immédiatement en amont du codon d'initiation. Une séquence Kozak précède le transgène.

	Le matériel de leucaphérèse est enrichi en fraction lymphocytaire avant l'activation avec de l'anti-CD3 et de l'interleukine 2 (IL-2). Les cellules sont ensuite transduites avec le vecteur rétroviral et expansées dans un milieu de croissance contenant de l'anti-CD3 et de l'IL-2. La suspension cellulaire est constituée de lymphocytes T (≥90% CD3+; ≤0,5% CD14+, ≤0,08% CD19+, ≤5% CD3-CD56+, ≤0,55% CD3-CD33+), avec ≥10% des lymphocytes T exprimant le transgène. Les lymphocytes T transduits démontrent une cytotoxicité contre les cellules exprimant le récepteur de l'hormone folliculo-stimulante (FSHR) *thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)*
liraltagén autoleucel	linfocitos T CD4+/CD8+ enriquecidos autólogos derivados de material de leucoaféresis, transducidos con un vector gamma retroviral derivado del virus de células madre murino (MSCV), no replicativo, que codifica, con codones optimizados, la hormona estimuladora del folículo (FSH) (subunidades FSHβ an CGα, unidas mediante un espaciador glicina/serina), precedido por el péptido señal de FSHβ y fusionado a un dominio bisagra y transmembrana de CD8α, un dominio coestimulador de 4-1BB y un dominio de señalización de CD3ζ, bajo el control del promotor LTR del virus de la leucemia murina de Moloney (MMLV). El vector tiene repeticiónes terminales largas (LTRs) derivadas del MSCV y una señal empaquetadora (Ψ+) derivada del MMLV y tiene una secuencia aceptora del procesamiento inmediatamente antes del codón de iniciación. Una secuencia Kozack precede al transgén. El material de leucoaféresis se enriquece para la fracción de linfocitos antes de la activación con anti-CD3 e interleuquina 2 (IL-2). Las células después se transducen con el vector retroviral y se expanden en medio que contiene anti-CD3 e IL-2. La suspensión celular consiste en linfocitos T (≥90% CD3+; ≤0.5% CD14+, ≤0.08% CD19+, ≤5% CD3-CD56+, ≤0.55% CD3-CD33+), con ≥10% de los linfocitos T que expresan el transgén. Los linfocitos T transducidos muestran actividad citotóxica frente a células que expresan el receptor de la hormona estimuladora del folículo (FSHR) *terapia génica basada en células (antineoplásico)*
lirucitinibum lirucitinib	(*R*)-ethyl(imino)({*trans*-4-[methyl(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)amino]cyclohexyl}methyl)-λ^6-sulfanone *Janus tyrosine kinase inhibitor, anti-inflammatory*
lirucitinib	(*R*)-éthyl(imino)({*trans*-4-[méthyl(7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl)amino]cyclohexyl}méthyl)-λ^6-sulfanone *inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire*

lirucitinib (*R*)-etil(imino)({*trans*-4-[metil(7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il)amino]ciclohexil}metil)-λ^6-sulfanona
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

$C_{16}H_{25}N_5OS$ 2458115-78-9



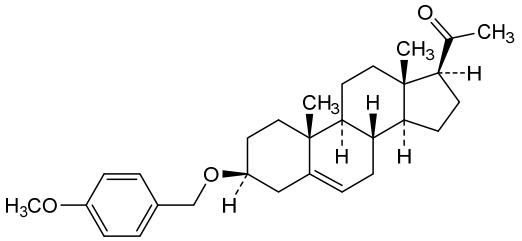
lixosiconum

lixosicone 3β-[(4-methoxyphenyl)methoxy]pregn-5-en-20-one
cannabinoid CB1 receptor signalling inhibitor

lixosicone 3β-[(4-méthoxyphényl)méthoxy]prégn-5-én-20-one
inhibiteur de signalisation du récepteur cannabinoïde CB1

lixosicona 3β-[(4-metoxifenil)metoxi]pregn-5-en-20-ona
inhibidor de la señalización del receptor cannabinoide CB1

$C_{29}H_{40}O_3$ 1610878-71-1



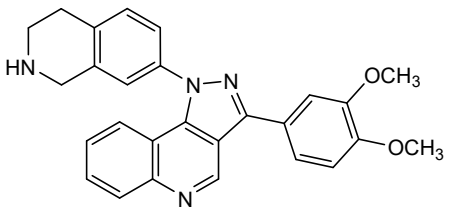
lomonitinibum

lomonitinib 3-(3,4-dimethoxyphenyl)-1-(1,2,3,4-tetrahydroisoquinolin-7-yl)-1*H*-pyrazolo[4,3-*c*]quinoline
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

lomonitinib 3-(3,4-diméthoxyphényl)-1-(1,2,3,4-tétrahydroisoquinoléin-7-yl)-1*H*-pyrazolo[4,3-*c*]quinoléine
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

lomonitinib 3-(3,4-dimetoxifenil)-1-(1,2,3,4-tetrahidroisoquinolein-7-il)-1*H*-pirazolo[4,3-*c*]quinoleína
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{27}H_{24}N_4O_2$ 2923221-56-9



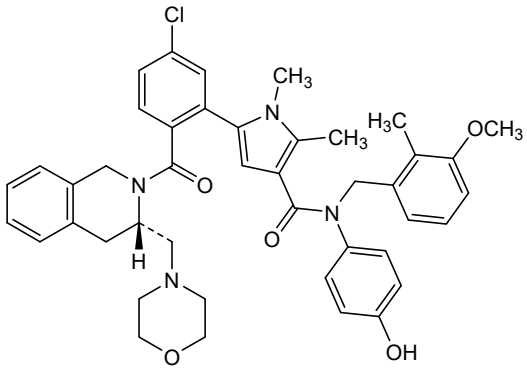
Ionitoclaxum

Ionitoclax — 5-(5-chloro-2-{(3*S*)-3-[(morpholin-4-yl)methyl]-3,4-dihydroisoquinoline-2(1*H*)-carbonyl}phenyl)-*N*-(4-hydroxyphenyl)-*N*-[(3-methoxy-2-methylphenyl)methyl]-1,2-dimethyl-1*H*-pyrrole-3-carboxamide
B-cell lymphoma 2 (Bcl-2) inhibitor, antineoplastic

Ionitoclax — 5-(5-chloro-2-{(3*S*)-3-[(morpholin-4-yl)méthyl]-3,4-dihydroisoquinoléine-2(1*H*)-carbonyl}phényl)-*N*-(4-hydroxyphényl)-*N*-[(3-méthoxy-2-méthylphényl)méthyl]-1,2-diméthyl-1*H*-pyrrole-3-carboxamide
inhibiteur du lymphome à cellules B 2 (Bcl-2), antinéoplasique

Ionitoclax — 5-(5-cloro-2-{(3*S*)-3-[(morfolin-4-il)metil]-3,4-dihidroisoquinoleína-2(1*H*)-carbonil}fenil)-*N*-(4-hidroxifenil)-1,2-dimetil-*N*-[(2-metil-3-metoxifenil)metil]-1*H*-pirrol-3-carboxamida
inhibidor del linfoma de células B 2 (Bcl-2), antineoplásico

$C_{43}H_{45}ClN_4O_5$ 2952589-57-8



Iumekefamidum

lumekefamide — L-tyrosyl-D-arginyl-L-phenylalanylglycinamide
μ-opioid receptor agonist, analgesic

luméké fa mide — L-tyrosyl-D-arginyl-L-phénylalanylglycinamide
agoniste du récepteur opioïde μ, analgésqiue

lumekefamida — L-tirosil-D-arginil-L-fenilalanilglicinamida
agonista del receptor opioide μ, analgésico

$C_{26}H_{36}N_8O_5$ 100304-60-7

H—Tyr—D-Arg—Phe—Gly—NH_2

lunsotogenum parvecum #

lunsotogene parvec	two recombinant, non-replicating adeno-associated virus serotype 1 (rAAV1) vectors containing the 5' and 3' portions, respectively, of the wild-type human otoferlin (OTOF) isoform 5 gene. The 5' vector contains exons 1-20 of the OTOF gene under expression control of the hair cell-specific myosin 15 (Myo15) promoter, followed by a splice donor and alkaline phosphatase homology region 3' to the transgene. The 3' vector contains the alkaline phosphatase homology region and a splice acceptor, followed by exons 21-45, and 47 of the OTOF gene and is terminated by a bovine somatotropin growth hormone polyadenylation sequence. Both vectors are flanked by AAV2 inverted terminal repeats *gene therapy (otoferlin-related auditory neuropathy)*
lunsotogène parvec	deux vecteurs recombinants de virus adéno-associés de sérotype 1 (rAAV1), non réplicatifs, contenant les parties 5' et 3', respectivement, de l'isoforme 5 du gène de l'otoferline humaine sauvage (OTOF). Le vecteur 5' contient les exons 1 à 20 du gène OTOF sous le contrôle de l'expression du promoteur de la myosine 15 (Myo15) spécifique des cellules ciliées, suivis d'un donneur d'épissage et d'une région d'homologie de la phosphatase alcaline 3' du transgène. Le vecteur 3' contient la région d'homologie de la phosphatase alcaline et un accepteur d'épissage, suivi des exons 21-45 et 47 du gène OTOF et se termine par une séquence de polyadénylation de l'hormone de croissance somatotropine bovine. Les deux vecteurs sont flanqués des répétitions terminales inversées de l'AAV2 *thérapie génique (neuropathie auditive liée à l'otoferline)*
lunsotogén parvec	dos vectores de virus adenoasociado del serotipo 1, recombinantes (rAAV1), no replicativos, que contienen las porciones 5' y 3', respectivamente, del tipo silvestre de la isoforma 5 del gen de la otoferlina (OTOF) humana. El vector 5' contiene los exones 1-20 del gen de OTOF bajo el control de expresión del promotor de la miosina 15 (Myio15) específica de células ciliadas, seguido de un dador del procesamiento y una región de homología de la fosfatasa alcalina 3' del transgén. El vector 3' contiene la región de homología de la fosfatasa alcalina y un aceptor de procesamiento, seguido de los exones 21-45 y 47 del gen de OTOF y se termina por una secuencia de poliadenilación de la hormona de crecimiento somatotropina bovina. Ambos vectores están flanqueados por las repeticiones terminales invertidas del AAV2 *terapia génica (neuropatía auditiva relacionada con otoferlín)*

2907748-12-1

macupatidum

macupatide

L-tyrosyl-2-methylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-threonyl-L-phenylalanyl-L-isoleucyl-L-seryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-seryl-L-isoleucyl-2-methyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-*N*^{6}-(17-{[*N*-(19-carboxynonadecanoyl)- L-γ-glutamyl]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tetraoxa-9-azaheptadecan-1-oyl)-L-lysyl-L-histidyl-L-glutaminyl-2-methylalanyl-L-α-aspartyl-L-phenylalanyl-L-valyl-L-α-glutamyl-3-(pyridine-4-yl)-L-alanyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-alanylglycyl-L-prolyl-L-seryl-L-serylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl- L-serinamide

gastric inhibitory polypeptide (GIP) receptor agonist, antidiabetic

macupatide

L-tyrosyl-2-méthylalanyl-L-α-glutamylglycyl-L-thréonyl-L-phénylalanyl-L-isoleucyl-L-séryl-L-α-aspartyl-L-tyrosyl-L-séryl-L-isoleucyl-2-méthyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-aspartyl-L-lysyl-*N*^{6}-(17-{[*N*-(19-carboxynonadécanoyl)- L-γ-glutamyl]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tétraoxa-9-azaheptadécan-1-oyl)-L-lysyl-L-histidyl-L-glutaminyl-2-méthylalanyl-L-α-aspartyl-L-phénylalanyl-L-valyl-L-α-glutamyl-3-(pyridine-4-yl)-L-alanyl-L-leucyl-L-leucyl-L-α-glutamyl-L-alanylglycyl-L-prolyl-L-séryl-L-sérylglycyl-L-alanyl-L-prolyl-L-prolyl-L-prolyl- L-sérinamide

agoniste des récepteurs polypeptidiques inhibiteurs gastriques, antidiabétique

macupatida

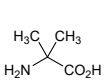
L-tirosil-2-metilalanil-L-α-glutamlglicil-L-treonil-L-fenilalanil-L-isoleucil-L-seril-L-α-aspartil-L-tirosil-L-seril-L-isoleucil-2-metil-L-leucil-L-leucil-L-α-aspartil-L-lisil-*N*^{6}-(17-{[*N*-(19-carboxinonadecanoil)- L-γ-glutamil]amino}-10-oxo-3,6,12,15-tetraoxa-9-azaheptadecan-1-oil)-L-lisil-L-histidil-L-glutaminil-2-metilalanil-L-α-aspartil-L-fenilalanil-L-valil-L-α-glutamil-3-(piridina-4-il)-L-alanil-L-leucil-L-leucil-L-α-glutamil-L-alanilglicil-L-prolil-L-seril-L-serilglicil-L-alanil-L-prolil-L-prolil-L-prolil- L-serinamida

agonista del receptor del polipéptido inhibidor gástrico, antidiabético

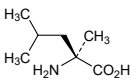
$C_{232}H_{357}N_{49}O_{72}$ 2923558-68-1

YAEGTFISDY SILLDKKHQA DFVEXLLEAG PSSGAPPPS 39

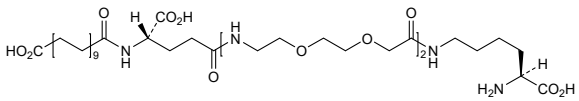
Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados



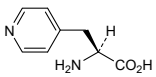
A (2, 20)
2-Me-L-Ala



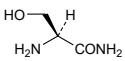
L (13)
2-Me-L-Leu



K (17)
N^6-(HO$_2$C-[CH$_2$]$_{18}$-CO-L-Glu-[NH-CH$_2$-CH$_2$-O-CH$_2$-CH$_2$-O-CH$_2$-CO]$_2$)-L-Lys



X (25)
pyridin-4-yl-L-Ala



S (39)
L-Ser-NH$_2$

marpinersenum

marpinersen	*all-P-ambo*-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)adenosine *ataxin-2 synthesis reducer, amyotrophic lateral sclerosis*
marpinersen	*tout-P-ambo*-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)guanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)adénosine *réducteur de synthèse d'ataxine-2, sclérose latérale amyotrophique*
marpinersén	*todo-P-ambo*-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)guanilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiouridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)adenosina *reductor de la síntesis de ataxina 2, esclerosis lateral amiotrófica*

$C_{230}H_{319}N_{62}O_{132}P_{19}S_{13}$ 2757908-12-4

(3'-5')*U*=G-G-A-*U*-*U*-d*C*=dT=dG=dT=dA=d*C*=dT=dT=dT=dT=*C*-*U*=*C*=A

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
dN : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
N : 2'-*O*-(2-methoxyethyl)-N / 2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-N / 2'-*O*-(metoxietil)-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

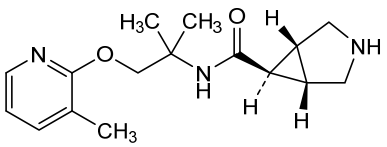
mazisotinum

mazisotine (1*R*,5*S*,6*r*)-*N*-{2-methyl-1-[(3-methylpyridin-2-yl)oxy]propan-2-yl}-3-azabicyclo[3.1.0]hexane-6-carboxamide
somatostatin receptor receptor agonist

mazisotine (1*R*,5*S*,6*r*)-*N*-{2-méthyl-1-[(3-méthylpyridin-2-yl)oxy]propan-2-yl}-3-azabicyclo[3.1.0]hexane-6-carboxamide
agoniste des récepteurs de la somatostatine

mazisotina (1*R*,5*S*,6*r*)-*N*-{2-metil-1-[(3-metilpiridin-2-il)oxi]propan-2-il}-3-azabiciclo[3.1.0]hexano-6-carboxamida
agonista del receptor de somatostatina

$C_{16}H_{23}N_3O_2$ 1638588-92-7



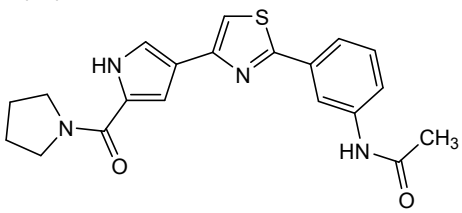
milpecitinibum

milpecitinib *N*-(3-{4-[5-(pyrrolidine-1-carbonyl)-1*H*-pyrrol-3-yl]-1,3-thiazol-2-yl}phenyl)acetamide
Janus tyrosine kinase inhibitor, anti-inflammatory (veterinary use)

milpécitinib *N*-(3-{4-[5-(pyrrolidine-1-carbonyl)-1*H*-pyrrol-3-yl]-1,3-thiazol-2-yl}phényl)acétamide
inhibiteur de tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire (usage vétérinaire)

milpecitinib *N*-(3-{4-[5-(pirrolidina-1-carbonil)-1*H*-pirrol-3-il]-1,3-tiazol-2-il}fenil)acetamida
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio (uso veterinario)

$C_{20}H_{20}N_4O_2S$ 1415819-54-3



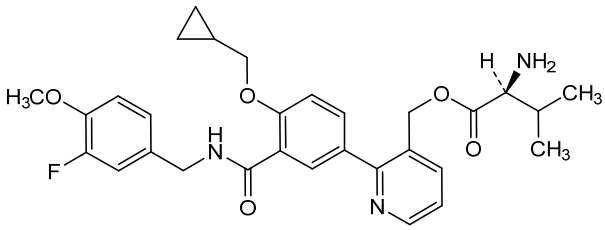
mirivadelgatum

mirivadelgat — {2-[4-(cyclopropylmethoxy)-3-{[(3-fluoro-4-methoxyphenyl)methyl]carbamoyl}phenyl]pyridin-3-yl}methyl L-valinate
aldehyde dehydrogenase 2 activator, antianaemic

mirivadelgat — L-valinate de {2-[4-(cyclopropylméthoxy)-3-{[(3-fluoro-4-méthoxyphényl)méthyl]carbamoyl}phényl]pyridin-3-yl}méthyle
activateur de l'aldéhyde déshydrogénase-2, antianémique

mirivadelgat — L-valinato de {2-[4-(ciclopropilmetoxi)-3-{[(3-fluoro-4-metoxifenil)metil]carbamoil}fenil]piridin-3-il}metilo
activador de la aldehido deshidrogenasa 2, antianémico

$C_{30}H_{34}FN_3O_5$ 1804941-96-5



mivocabtagenum autoleucelum #

mivocabtagene autoleucel — autologous CD4+/CD8+ enriched T lymphocytes derived from leukapheresis material, transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector encoding a CD19 targeting chimeric antigen receptor (CAR) comprising a CD8 alpha (CD8α) signal peptide, a single-chain variable fragment (scFv) derived from the human anti-CD19 monoclonal antibody clone 47G4, a CD8α hinge and transmembrane domain, a CD28 cytoplasmic co-stimulatory domain, and a CD3-zeta (CD3ζ) signaling domain, under control of the murine stem cell virus promoter.
The construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and also contains a Ψ packaging signal, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT) sequence /central termination sequence (CTS) and an optimised Woodchuck hepatitis virus posttranscriptional regulatory element. The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus (VSV) G glycoprotein.
The leukapheresis material is enriched for CD4+ and CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection prior to activation with CD3 and CD28 agonists in growth media containing human serum, interleukin 7 (IL-7) and interleukin 5 (IL-5). The cells are then transduced with the lentiviral vector and expanded in growth media containing interleukin 7 (IL-7) and interleukin 5 (IL-5). The cell suspension consists of T lymphocytes (>80%), with greater than 10% of the T lymphocytes expressing the CAR-CD19 transgene. The transduced T lymphocytes demonstrate cytotoxicity against CD19-expressing cells and secrete interferon gamma (IFN-γ) and interleukin 2 (IL-2)
cell-based gene therapy (antineoplastic)

mivocabtagène autoleucel	lymphocytes T autologues enrichis en CD4+/CD8+ dérivés de matériel obtenu par leucaphérèse, transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non réplicatif codant un récepteur antigénique chimérique (RAC) ciblant CD19, comprenant un peptide signal CD8 alpha (CD8α), un fragment variable à chaîne unique (scFv) dérivé du clone 47G4 d'anticorps monoclonal anti-CD19 humain, un domaine charnière et transmembranaire CD8α, un domaine co-stimulateur cytoplasmique CD28 et un domaine de signalisation CD3-zêta (CD3ζ), sous le contrôle du promoteur du virus des cellules souches murines. La construction est flanquée de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et en 3' et contient également un signal d'empaquetage Ψ, un élément de réponse Rev (RRE), une séquence de tractus polypurine central (cPPT)/séquence de terminaison centrale (CTS) et et un élément de régulation post-transcriptionnel optimisé du virus de l'hépatite de la marmotte. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4+ et CD8+ par immunosélection positive avant activation avec des agonistes CD3 et CD28 dans un milieu de croissance contenant du sérum humain, de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'interleukine 5 (IL-5). Les cellules sont ensuite transduites avec le vecteur lentiviral et expansées dans un milieu de croissance contenant de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'interleukine 5 (IL-5). La suspension cellulaire est constituée de lymphocytes T (>80%), avec plus de 10% des lymphocytes T exprimant le transgène CAR-CD19. Les lymphocytes T transduits démontrent une cytotoxicité contre les cellules exprimant CD19 et sécrètent de l'interféron gamma (IFN-γ) et de l'interleukine 2 (IL-2) *thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)*
mivocabtagén autoleucel	linfocitos T CD4+/CD8+ autólogos enriquecidos, derivados de material de leucoaféresis, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, no replicativo, que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a CD19, que consta de un péptido señal de CD8 alfa (CD8α), un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) derivado del anticuerpo monoclonal anti-CD19 clon 47G4, un dominio bisagra y transmembrana de CD8α, un dominio coestimulador citoplásmico de CD28 y un dominio de señalización de CD3-zeta (CD3ζ), bajo el control del promotor del virus de células madre murino. El constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una señal de empaquetamiento ψ, un elemento de respuesta Rev (RRE), una secuencia de tracto de poli-purina (cPPT) central/terminación central (CTS) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) optimizado. El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV).

El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4+ y CD8+ mediante inmunoselección positiva antes de la activación con agonistas de CD3 y CD28 en medio de crecimiento que contiene suero humano, interleuquina 7 (IL-7) e interleuquina 5 (IL-5). Las células se transducen a continuación con el vector lentiviral y se expanden en medio de crecimiento que contiene interleuquina 7 (IL-7) e interleuquina 5 (IL-5). La suspensión celular consiste en linfocitos T (≥80%) con más del 10% de los linfocitos T que expresan el transgén del CAR-CD19. Los linfocitos T transducidos muestran citotoxicidad frente a células que expresan CD19 y secretan interferón gamma (IFN-γ) e interleuquina 2 (IL-2)
terapia génica basada en células (antineoplásico)

moflerafuspum alfa #

moflerafusp alfa

human signal regulatory protein alpha (SIRPα) variant V2 D1 domain, (SIRPα V2D1) fragment 30-154 (1-125 in the actual sequence, comprising the first two extracellular loops of the D1 domain) variant (N^{110}>A^{80}) fused via peptide linker ^{126}GGGGSGGGGSGGGGS^{140} to the gamma 1 heavy chain of anti-(human programmed cell death 1 ligand 1 (PD-L1, programmed death ligand 1, PDCD1 ligand 1, B7 homolog 1, B7-H1, CD274)) (141-591) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.12] (171-175.190-206.239-250)) (141-261) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (262-359), hinge (360-374), CH2 S^{442}>A, E^{477}>A, K^{478}>A (375-484), CH3 (485-589), CHS (590-591)) (262-591)], (364-214')-disulfide with kappa light chain anti-(human programmed cell death 1 ligand 1 (PD-L1, programmed death ligand 1, PDCD1 ligand 1, B7 homolog 1, B7-H1, CD274)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimer (370-370":373-373")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

moflérafusp alfa

protéine régulatrice de signal alpha (SIRPα) humaine variant V2 domaine D1 (SIRPα V2D1) fragment 30-154 (1-125 dans la séquence réelle, comprenant les deux premières boucles extracellulaires du domaine D1), variant (N^{110}>A^{80}) fusionné, via un coupleur peptidique ^{126}GGGGSGGGGSGGGGS^{140}, à la chaîne lourde gamma 1 de l'anti-(ligand 1 de mort cellulaire programmée 1 humaine (PD-L1, ligand de mort programmée 1, ligand 1 PDCD1, homologue 1 B7, B7-H1, CD274)) (141-591) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 -(IGHD) -IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.12] (171-175.190-206.239-250)) (141-261) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (262-359), charnière (360-374), CH2 S^{442}>A, E^{477}>A, K^{478}>A (375-484), CH3 (485-589), CHS (590-591)) (262-591)], (364-214')-disulfure avec chaîne légère kappa anti-(ligand 1 de mort cellulaire programmée 1 humaine (PD-L1, ligand de mort programmée 1, ligand 1 PDCD1, homologue B7 1, B7-H1, CD274)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'- 107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dimère (370-370":373-373")-bisdisulfure, produit dans les cellules d'ovaire de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

moflerafusp alfa

proteína reguladora de señales alfa humana (SIRPα) variante V2 dominio D1 (SIRPα V2D1) fragmento 30-154 (1-125 en la secuencia real, que comprende los dos primeros bucles extracelulares del dominio D1) variante (N110>A80) fusionado mediante un enlazador peptídico ^{126}GGGGSGGGGSGGGGS^{140} a la cadena pesada gamma 1 de anti-(ligando 1 de muerte celular programada 1 humana (PD-L1, ligando 1 de muerte programada, ligando 1 de PDCD1, homólogo 1 de B7, B7-H1, CD274)) (141-591) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-46*01 -(IGHD) - IGHJ4*01, CDR-Kabat [5.17.12] (171-175.190-206.239-250)) (141-261) - *Homo sapiens* IGHG1*03 (CH1 (262-359)), bisagra (360-374), CH2 S^{442}>A, E^{477}>A, K^{478}>A (375-484), CH3 (485-589), CHS (590-591)) (262-591)], (364 -214')-disulfuro con cadena ligera kappa anti-(ligando 1 de muerte celular programada 1 humana (PD-L1, ligando 1 de muerte programada, ligando 1 de PDCD1, homólogo 1 de B7, B7-H1, CD274)) (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-33*01 -IGKJ1*01, CDR-Kabat [11.7.9] (24'-34'.50'-56'.89'-97')) (1'- 107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (108'-214')]; dímero (370-370'':373-373'')-bisdisulfuro, producido en células de ovario de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicoforma alfa *antineoplásico*

2983848-20-8

Sequence / Séquence / Secuencia
SIRPα - IgG1 heavy chain

```
EEELQVIQPD KSVSVAAGES AILHCTVTSL IPVGPIQWFR GAGPARELIY   50
NQKEGHFPRV TTVSESTKRE NMDFSISISA ITPADAGTYY CVKFRKGSPD  100
TEFKSGAGTE LSVRAKPSAP VVSGPGGGGS GGGGSGGGGS QVQLVQSGAE  150
VKKPGASVKV SCKASGYTFT SNWMHWVRQA PGQGLEWMGM IHPNSGSSNY  200
NEKFKSRVTM TRDTSTSTVY MELSSLRSED TAVYYCARSY YGSSPYYFDY  250
WGQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV KDYFPEPVTV  300
SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ TYICNVNHKP  350
SNTKVDKRVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK PKDTLMISRT  400
PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY NATYRVVSVL  450
TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIAATI SKAKGQPREP QVYTLPPSRE  500
EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP VLDSDGSFFL  550
YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG K           591
```

IgG1 light chain

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDII NYLNWYQQKP GKAPKLLIYY   50
TSRLHSGVPS RFSGSGSGTD FTFTISSLQP EDIATYYCQQ GDTLPWTFGQ  100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV  150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG  200
LSSPVTKSFN RGEC                                         214
```

Mutations / Mutations / Mutaciónes
SIRPα - IgG1 heavy chain: N^{110}>**A**^{80}, S^{442}>**A**, E^{477}>**A**, K^{478}>**A**

Peptide linker / Coupleur peptidique / Enlazador peptídico
^{126}*GGGGSGGGGSGGGGS*^{140}

Post-translation modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra SIRPα-IgG1 heavy chain: 25-91, 162-236, 288-344, 405-465, 511-569,
25"-91", 162"-236", 288"-344", 405"-465", 511"-569"
Intra IgG1 light chain: 23'-88', 134'-194', 23'''-88''', 134'''-194'''
Inter IgG1 light chain - SIRPα-IgG1 heavy chain: 214'-364, 214'''-364''
Inter SIRPα-IgG1 heavy chain: 370-370'', 373-373''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
SIRPα-IgG1 heavy chain: 441, 441''

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
SIRPα-IgG1 heavy chain: K591, K591''

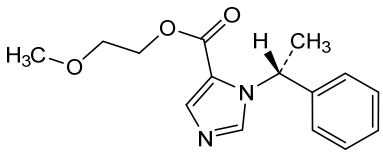
moxetomidatum

moxetomidate — 2-methoxyethyl 1-[(1*R*)-1-phenylethyl]-1*H*-imidazole-5-carboxylate
$GABA_A$ receptor agonist, hypnotic

moxétomidate — 1-[(1*R*)-1-phényléthyl]-1*H*-imidazole-5-carboxylate de 2-méthoxyéthyle
agoniste du récepteur $GABA_A$, hypnotique

moxetomidato — 1-[(1*R*)-1-feniletil]-1*H*-imidazol-5-carboxilato de 2-metoxietilo
agonista de los receptores $GABA_A$, hipnótico

$C_{15}H_{18}N_2O_3$ 1567838-90-7



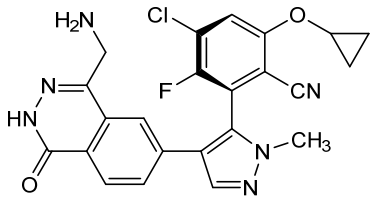
navlimetostatum

navlimetostat — (2*M*)-2-{4-[4-(aminomethyl)-1-oxo-1,2-dihydrophthalazin-6-yl]-1-methyl-1*H*-pyrazol-5-yl}-4-chloro-6-(cyclopropyloxy)-3-fluorobenzonitrile
antineoplastic

navlimétostat — (2*M*)-2-{4-[4-(aminométhyl)-1-oxo-1,2-dihydrophtalazin-6-yl]-1-méthyl-1*H*-pyrazol-5-yl}-4-chloro-6-(cyclopropyloxy)-3-fluorobenzonitrile
antinéoplasique

navlimetostat — (2*M*)-2-{4-[4-(aminometil)-1-oxo-1,2-dihidroftalazin-6-il]-1-metil-1*H*-pirazol-5-il}-4-cloro-6-(ciclopropiloxi)-3-fluorobenzonitrilo
antineoplásico

$C_{23}H_{18}ClFN_6O_2$ 2630904-45-7



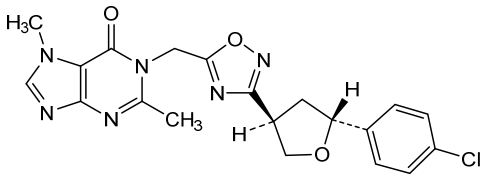
nedizantrepum

nedizantrep — 1-({3-[(3*R*,5*R*)-5-(4-chlorophenyl)oxolan-3-yl]-1,2,4-oxadiazol-5-yl}methyl)-2,7-dimethyl-1,7-dihydro-6*H*-purin-6-one
transient receptor potential (TRP) ion channel antagonist

nédizantrep — 1-({3-[(3*R*,5*R*)-5-(4-chlorophényl)oxolan-3-yl]-1,2,4-oxadiazol-5-yl}méthyl)-2,7-diméthyl-1,7-dihydro-6*H*-purin-6-one
antagoniste des canaux ioniques à potentiel de récepteur transitoire

nedizantrep — 1-({3-[(3*R*,5*R*)-5-(4-clorofenil)oxolan-3-il]-1,2,4-oxadiazol-5-il}metil)-2,7-dimetil-1,7-dihidro-6*H*-purin-6-ona
antagonista del canal iónico del receptor de potencial transitorio

$C_{20}H_{19}ClN_6O_3$ 2376824-99-4

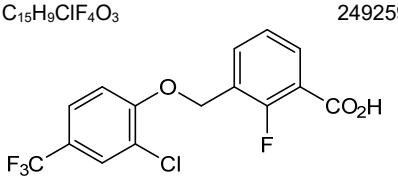


nelremagpranum
nelremagpran — 3-{[2-chloro-4-(trifluoromethyl)phenoxy]methyl}-2-fluorobenzoic acid
Mas-related G protein-coupled receptor inverse agonist, anti-inflammatory

nelrémagpran — acide 3-{[2-chloro-4-(trifluorométhyl)phénoxy]méthyl}-2-fluorobenzoïque
agoniste inverse des récepteurs couplés aux protéines G liés à Mas, anti-inflammatoire

nelremagprán — ácido 3-{[2-cloro-4-(trifluorometil)fenoxi]metil}-2-fluorobenzoico
agonista inverso del receptor Mas acoplado a proteínas G, antiinflamatorio

$C_{15}H_9ClF_4O_3$ 2492595-24-9



nesfrotamigum #
nesfrotamig — immunoglobulin (H-gamma1-scFvlh_L-kappa) dimer, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, epidermal growth factor receptor 2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)] and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (TNF receptor superfamily member 9, 4-1BB, T cell antigen ILA, CD137)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody; bispecific, tetravalent;

H-gamma1 heavy chain anti-ERBB2 fused to a scFvlh anti-TNFRSF9 (1-719) [H-gamma1 heavy chain anti-ERBB2 humanized (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -18-mer enneakis (glycyl-seryl) linker (451-468) -scFvlh anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (469-719), 11-scFv-v2 C120 (VL)-C49 (VH) [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%) VL G120>C (571), CDR-IMGT [8.3.11] (493-501.519-521.558-568)) (469-578) -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (579-598) -VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -IGHD -IGHJ4*01 (100%) VH G49>C (642), CDR-IMGT [8.8.14] (624-631.649-656.695-708)) (599-719)]]; (223-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (229-229":232-232")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

nesfrotamig — immunoglobuline (H-gamma1-scFvlh_L-kappa) dimère, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)] et anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (membre 9 de la superfamille des récepteurs du TNF, 4-1BB, antigène ILA des cellules T, CD137)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens*; bispécifique, tétravalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-ERBB2 fusionnée à un scFvlh anti-TNFRSF9 (1-719) [H-gamma1 chaîne lourde anti-ERBB2 humanisée (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -18-mer énnéakis(glycyl-séryl) linker (451-468) -scFvlh anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (469-719), 11-scFv-v2 C120 (VL)-C49 (VH) [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%) VL G120>C (571), CDR-IMGT [8.3.11] (493-501.519-521.558-568)) (469-578) -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (579-598) -VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -IGHD -IGHJ4*01 (100%) VH G49>C (642), CDR-IMGT [8.8.14] (624-631.649-656.695-708)) (599-719)]]; (223-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (229-229":232-232")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

nesfrotamig — inmunoglobulina (H-gamma1-scFvlh_L-kappa) dímero, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)] y anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (miembro 9 de la superfamilia de los receptores del TNF, 4-1BB, antígeno ILA de las células, CD137)],

anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens*; biespecífico, tetravalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-ERBB2 fusionada con un scFvlh anti-TNFRSF9 (1-719) [H-gamma1 cadena pesada anti-ERBB2 humanizada (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (81.6%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.13] (26-33.51-58.97-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -18-mer eneakis(glicil-seril) enlace (451-468) -scFvlh anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (469-719), 11-scFv-v2 C120 (VL)-C49 (VH) [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (91.8%) -IGLJ2*01 (90.9%) VL G120>C (571), CDR-IMGT [8.3.11] (493-501.519-521.558-568)) (469-578) -20-mer tetrakis(tetraglicil-seril) enlace(579-598) -VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (93.9%) -IGHD -IGHJ4*01 (100%) VH G49>C (642), CDR-IMGT [8.8.14] (624-631.649-656.695-708)) (599-719)]]; (223-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (86.3%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (229-229":232-232")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

2966936-23-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused H-gamma1
anti-ERBB2 -scFvlh anti-TNFRSF9 (H, H")

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFNIK DTYIHWVRQA PGKGLEWVAR  50
IYPTNGYTRY ADSVKGRFTI SADTSKNTAY LQMNSLRAED TAVYYCSRWG 100
GDGFYAMDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPELLGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVDVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLTC LVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLY SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNHYT QKSLSLSPGK 450
GSGSGSGSGS GSGSGSGSQS VLTQPPSASG TPGQRVTISC SGSSSNIGNN 500
YVTWYQQLPG TAPKLLIYAD SHRPSGVPDR FSGSKSGTSA SLAISGLRSE 550
DEADYYCATW DYSLSGYVFG CGTKLTVLGG GGSGGGGSGG GGSGGGGSEV 600
QLLESGGGLV QPGGSLRLSC AASGFTFSSY DMSWVRQAPG KCLEWVSWIS 650
YSGGSIYYAD SVKGRFTISR DNSKNTLYLQ MNSLRAEDTA VYYCARDAQR 700
NSMREFDYWG QGTLVTVSS                                   719
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa (L', L"')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDVN TAVAWYQQKP GKAPKLLIYS  50
ASFLYSGVPS RFSGSRSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ HYTTPPTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 147-203 264-324 370-428
22"-96" 147"-203" 264"-324" 370"-428"
490-557 620-694
490"-557" 620"-694"
Intra-H scFv C120 (VL)-C49 (VH)* 571-642
571"-642"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L ((h 5-CL 126)) 223-214' 223"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 229-229" 232-232"
*engineered additional disulfide bond C120 (VL)-C49 (VH) to stabilize the scFv (variant 11-scFv-v2).

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 300, 300"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

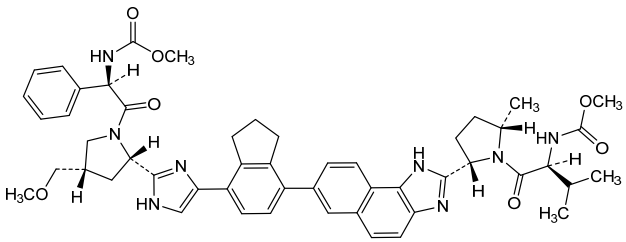
netanasvirum

netanasvir — methyl {(2*S*)-1-[(1^2*S*,1^5*S*,5^2*S*,5^4*S*,7*R*)-7-[(methoxycarbonyl)amino]-5^4-(methoxymethyl)-1^5-methyl-6-oxo-3^2,3^3-dihydro-2^1*H*,3^1*H*,4^1*H*-2(2,7)-naphtho[1,2-*d*]imidazola-4(4,2)-imidazola-1(2),5(2,1)-dipyrrolidina-3(4,7)-indena-8(1)-benzenaoctaphan-1^1-yl]-3-methyl-1-oxobutan-2-yl}carbamate
antiviral

nétanasvir — {(2*S*)-1-[(1^2*S*,1^5*S*,5^2*S*,5^4*S*,7*R*)-7-[(méthoxycarbonyl)amino]-5^4-(méthoxyméthyl)-1^5-méthyl-6-oxo-3^2,3^3-dihydro-2^1*H*,3^1*H*,4^1*H*-2(2,7)-naphto[1,2-*d*]imidazola-4(4,2)-imidazola-1(2),5(2,1)-dipyrrolidina-3(4,7)-indéna-8(1)-benzénaoctaphan-1^1-yl]-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl}carbamate de méthyle
antiviral

netanasvir — {(2*S*)-3-metil-1-[(1^2*S*,1^5*S*,5^2*S*,5^4*S*,7*R*)-1^5-metil-7-[(metoxicarbonil)amino]-5^4-(metoximetil)-6-oxo-3^2,3^3-dihidro-2^1*H*,3^1*H*,4^1*H*-2(2,7)-nafto[1,2-*d*]imidazola-4(4,2)-imidazola-1(2),5(2,1)-dipirrolidina-3(4,7)-indena-8(1)-bencenaoctafan-1^1-il]-1-oxobutan-2-il}carbamato de metilo
antiviral

$C_{51}H_{58}N_8O_7$ 2007900-70-9



nivudirsenum

nivudirsen — *all-P-ambo*-5'-*O*-(1,10-dihydroxy-1-oxo-2,5,8-trioxa-1λ^5-phosphadecan-1-yl)-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-methylene-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,5-dimethyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,5-dimethyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*,5-dimethyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-5-methyl-2'-*O*,4'-*C*-methylenecytidine
promotion of functional dystrophin synthesis

nivudirsen — *tout-P-ambo*-5'-*O*-(1,10-dihydroxy-1-oxo-2,5,8-trioxa-1λ^5-phosphadécan-1-yl)-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-méthylène-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,5-diméthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*,5-diméthyl-*P*-thiocytidylyl

-(3'→5')-2'-*O*,5-diméthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-5-méthyl-2'-*O*,4'-*C*-méthylènecytidine
stimulation de la synthèse de dystrophine fonctionnelle

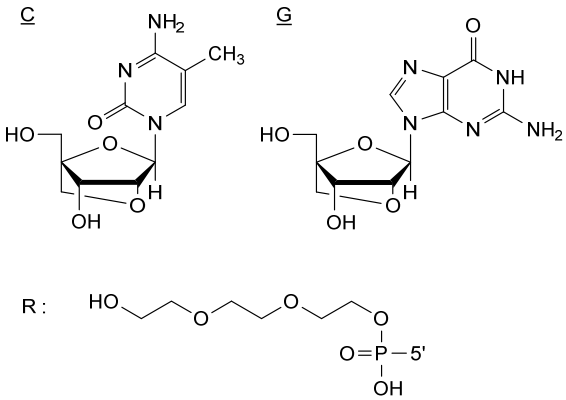
nivudirsén

todo-P-ambo-5'-*O*-(1,10-dihidroxi-1-oxo-2,5,8-trioxa-1λ^5-fosfadecan-1-il)-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*,5-dimetil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*,5-dimetil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*,5-dimetil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metilenocitidina
estimulación de la síntesis de distrofina funcional

$C_{199}H_{261}N_{67}O_{114}P_{18}S_{17}$ 3053113-45-1

R-G=G=U=A=A=G=U=U=m^{5}C=U=G=U=m^{5}C=m^{5}C=A=A=G=C

N: 2'-*O*-methyl-N / 2'-*O*-méthyl-N / 2'-*O*-metil-N
m^{5}N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–



nufaleucelum
nufaleucel

human culture expanded activated autologous tumour-infiltrating lymphocytes (TIL), isolated from non-small cell lung cancer. The cells are mechanically isolated from resected tumour biopsies and culture-expanded using a two-step protocol consisting of a pre rapid expansion phase (Pre-REP) and a rapid expansion phase (REP) in serum-free media containing interleukin 2 (IL-2). During the REP, the cells are activated and expanded by culture on colloidal polymeric nanomatrix conjugated to humanized CD3 and CD28 agonists in media containing IL-2 in the absence of allogeneic irradiated feeder cells. The T lymphocytes (>80%) are a heterogeneous mixture of CD4+ and CD8+ T lymphocytes, predominantly with effector memory, central memory and effector cell subsets, and a low level of CD45+CD3-CD56+ natural killer (NK) cells (<10%). The T-lymphocytes demonstrate IFN-γ release (>1.0 fg/cell) after CD3/CD28 bead stimulation
cell therapy (antineoplastic)

nufaleucel lymphocytes infiltrant la tumeur (LIT) autologues humains, activés et expansés en culture, isolés à partir du cancer du poumon non à petites cellules. Les cellules sont isolées mécaniquement à partir de biopsies tumorales réséquées et expansées en culture à l'aide d'un protocole en deux étapes comprenant une phase de pré-expansion rapide (Pre-REP) et une phase d'expansion rapide (REP) dans un milieu sans sérum contenant de l'interleukine 2 (IL-2). Au cours du REP, les cellules sont activées et expansées par culture sur nanomatrice polymère colloïdale conjuguée à des agonistes CD3 et CD28 humanisés, dans un milieu contenant de l'IL-2, en l'absence de cellules nourricières allogéniques irradiées. Les lymphocytes T (>80%) sont un mélange hétérogène de lymphocytes T CD4+ et CD8+, avec principalement des sous-types de cellules effectrices à mémoire, de mémoire centrale et de cellules effectrices, et d'un faible niveau de cellules tueuses naturelles (NK) CD45+CD3-CD56+ (<10%). Les lymphocytes T démontrent une libération d'IFN-γ (>1.0 fg/cellule) après stimulation par billes CD3/CD28
thérapie cellulaire (antinéoplasique)

nufaleucel linfocitos infiltrantes de tumor (TIL) humanos autólogos activados y expandidos en cultivo, aislados de cáncer de pulmón de células no microcíticas. Las células se aíslan mecánicamente de biopsias de tumor resecado y se expanden en cultivo usando un protocolo de dos etapas que consiste en una pre fase de expansión rápida (Pre-REP) y una fase de expansión rápida (REP) en medio sin suero que contiene interleuquina 2 (IL-2). Durante la REP, las células se activan y expanden mediante cultivo en una nanomatriz polimérica coloidal conjugada con agonistas humanizados de CD3 y CD28 en medio que contiene IL-2 en ausencia de células alimentadoras irradiadas alogénicas. Los linfocitos T (>80%) son una mezcla heterogénea de linfocitos T CD4+ y CD8+, predominantemente con subtipos de células de memoria efectora, memoria central y efectoras, y un bajo nivel (<10%) de células natural killer (NK) CD45+CD3-CD56+. Los linfocitos T muestran liberación de IFN-γ (>1.0 fg/célula) tras la estimulación con bolas CD3/CD28
terapia celular (antineoplásico)

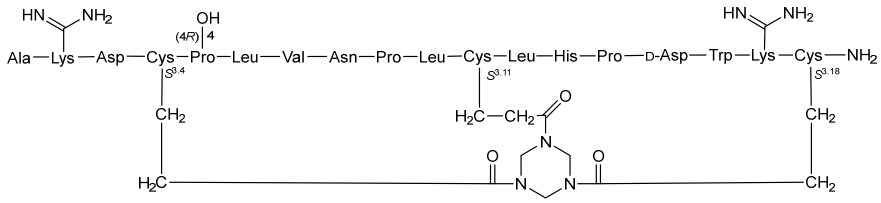
nuzefatidum

nuzefatide *S*$^{3.4}$,*S*$^{3.11}$,*S*$^{3.18}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][L-alanyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-cysteinyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-leucyl-L-valyl-L-asparaginyl-L-prolyl-L-leucyl-L-cysteinyl-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-D-α-aspartyl-L-tryptophyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-cysteinamide]
ephrin receptor binding peptide

nuzéfatide *S*$^{3.4}$,*S*$^{3.11}$,*S*$^{3.18}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][L-alanyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-cystéinyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-leucyl-L-valyl-L-asparaginyl-L-prolyl-L-leucyl-L-cystéinyl-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-D-α-aspartyl-L-tryptophyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-cystéinamide]
peptide de liaison au récepteur de l'éphrine

nuzefatida *S*$^{3.4}$,*S*$^{3.11}$,*S*$^{3.18}$-[(1,3,5-triazinano-1,3,5-triil)tris(3-oxopropano-3,1-diil)][L-alanil-*N*^{6}-carbamimidoil-L-lisil-L-α-aspartil-L-cysteinil-(4*R*)-4-hidroxi-L-prolil-L-leucil-L-valil-L-asparaginil-L-prolil-L-leucil-L-cisteinil-L-leucil-L-histidil-L-prolil-D-α-aspartil-L-triptofil-*N*^{6}-carbamimidoil-L-lisil-L-cisteinamida]
péptido de unión al receptor efrin

$C_{105}H_{162}N_{32}O_{27}S_3$ 2598213-64-8



nuzefatidum pevedotinum

nuzefatide pevedotin

S[3.15],*S*[3.22],*S*[3.29]-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)]{*N*-[5-oxo-5-({L-valyl-*N*[5]-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophenyl)methoxy]carbonyl-*N*-methyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-methoxy-5-methyl-4-(methylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]-3-methoxy-2-methyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-*N*[2.1]-yl)pentanoyl]-β-alanyldecakis(*N*-methylglycyl)-L-alanyl-*N*[6]-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-cysteinyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-leucyl-L-valyl-L-asparaginyl-L-prolyl-L-leucyl-L-cysteinyl-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-D-α-aspartyl-L-tryptophyl-*N*[6]-carbamimidoyl-L-lysyl-L-cysteinamide}

ephrin receptor binding peptide, antineoplastic

nuzéfatide pévédotine

S[3.15],*S*[3.22],*S*[3.29]-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)]{*N*-[5-oxo-5-({L-valyl-*N*[5]-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophényl)méthoxy]carbonyl-*N*-méthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-*N*[2.1]-yl)pentanoyl]-β-alanyldécakis(*N*-méthylglycyl)-L-alanyl-*N*[6]-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-cystéinyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-leucyl-L-valyl-L-asparaginyl-L-prolyl-L-leucyl-L-cystéinyl-L-leucyl-L-histidyl-L-prolyl-D-α-aspartyl-L-tryptophyl-*N*[6]-carbamimidoyl-L-lysyl-L-cystéinamide}

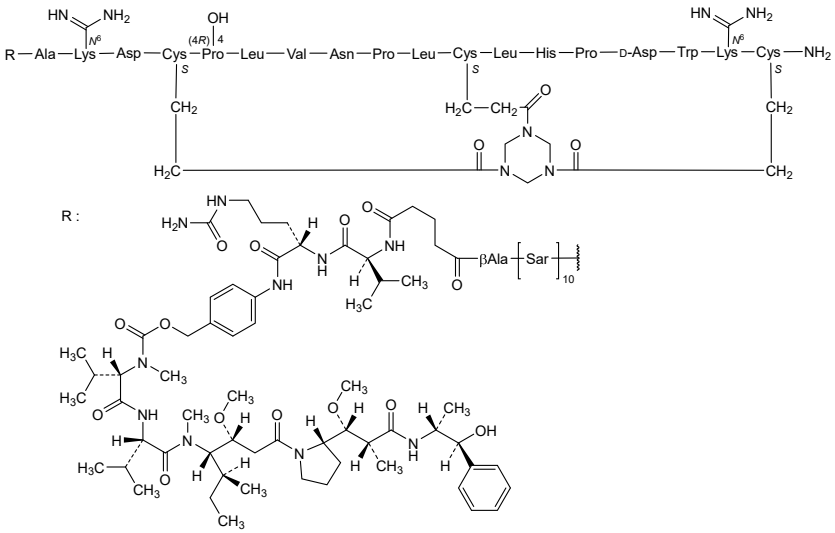
peptide de liaison au récepteur de l'éphrine, antinéoplasique

nuzefatida pevedotina

S[3.15],*S*[3.22],*S*[3.29]-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triil)tris(3-oxopropane-3,1-diil)]{*N*-[5-oxo-5-({L-valil-*N*[5]-carbamoil-L-ornitil[(4-aminofenil)metoxi]carbonil-*N*-metil-L-valil-L-valil-(3*R*,4*S*,5*S*)-5-metil-4-(metilamino)-3-metoxiheptanoil-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]-2-metil-3-metoxi-3-[(2*S*)-pirrolidin-2-il]propanamida}-*N*[2.1]-il)pentanoil]-β-alanildecakis(*N*-metilglicil)-L-alanil-*N*[6]-carbamimidoil-L-lisil-L-α-aspartil-L-cisteinil-(4*R*)-4-hidroxi-L-prolil-L-leucil-L-valil-L-asparaginil-L-prolil-L-leucil-L-cisteinil-L-leucil-L-histidil-L-prolil-D-α-aspartil-L-triptofil-*N*[6]-carbamimidoil-L-lisil-L-cisteinamida}

péptido de unión al receptor efrin, antineoplásico

$C_{201}H_{315}N_{53}O_{52}S_3$ 2648849-70-9



obudanersenum

obudanersen — *all-P-ambo*-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)adenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-5-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-methoxyethyl)-5-methylcytidine
ubiquitin protein ligase E3A-antisense transcript reducer (Angelman Syndrome)

obudanersen — *tout-P-ambo*-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)adénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-5-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-5-méthylcytidine
réducteur de transcription antisens de l'ubiquitine protéine ligase E3A (syndrome d'Angelman)

obudanersén

todo-P-ambo-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)adenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-5-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)uridilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-(2-metoxietil)-*P*-tioguanilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*-(2-metoxietil)citidina
reductor de la transcripción antisense de la ligasa E3A de la proteína ubiquitina (síndrome de Angelman)

$C_{230}H_{321}N_{64}O_{129}P_{19}S_{13}$ 2834724-31-9

(3'-5') A=C–C–A–U–dT=dT=dT=dG=dA=d*C*=d*C*=dT=dT=d*C*=U–U–A=G=C

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
dN : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
N : 5-methyl-N / 5-méthyl-N / 5-metil-N
N : 2'-*O*-(2-methoxyethyl)-N / 2'-*O*-(2-méthoxyéthyl)-N / 2'-*O*-(metoxietil)-N
– : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

olisutrigini bromidum

olisutrigine bromide

(2*R*)-2-{2-[*N*-(2,3-dihydro-1*H*-inden-2-yl)-2-methylanilino]ethyl}-1,1-dimethylpiperidin-1-ium bromide
sodium channel blocker, analgesic

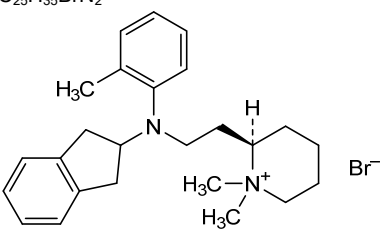
bromure d'olisutrigine

bromure de (2*R*)-2-{2-[*N*-(2,3-dihydro-1*H*-indén-2-yl)-2-méthylanilino]éthyl}-1,1-diméthylpipéridin-1-ium
bloqueur des canaux sodiques, analgésique

bromuro de olisutrigina

bromuro de (2*R*)-2-{2-[*N*-(2,3-dihidro-1*H*-inden-2-il)-2-metilanilino]etil}-1,1-dimetilpiperidin-1-io
bloqueador del canal de sodio, analgésico

$C_{25}H_{35}BrN_2$ 1393836-45-7



olmocabtagenum autoleucelum #

olmocabtagene autoleucel

autologous CD4+/CD8+ enriched T lymphocytes obtained by leukapheresis, transduced with a self-inactivating, non-replicating gamma Moloney murine leukemia virus (MMLV) vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting claudin 6 (CLDN6), composed of a human IgG heavy chain signal peptide, a single chain variable fragment (scFv; IMAB206-C46S), a CD8 hinge and transmembrane domain, and a 4-1BB co-stimulatory and CD3ζ intracellular signalling

domain, under control of the elongation factor 1 alpha short (EFS) promoter. The vector also contains an MMLV psi-region, an enlarged MMLV psi+ packaging region, a Kozak sequence, and a truncated version of the post-transcriptional regulatory element of the Woodchuck hepatitis virus (WPRE); flanked by 5' and 3' MMLV wildtype long terminal repeats (LTRs). The vector is pseudotyped with gibbon ape leukemia virus (GALV) envelope protein. The leukapheresis material is enriched for CD4+/CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection, activated by CD3 and CD28 agonists and transduced with the retroviral vector. The cells are then expanded in media with interleukin 15 (IL-15) and interleukin 7 (IL-7). The T lymphocytes (≥80%; with ≤20% CD3- cells) are positive for the transgene (≥10% CAR positive) and secrete interferon gamma in response to CLDN6 expressing target cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

olmocabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues enrichis en CD4+/CD8+ obtenus par leucaphérèse, transduits avec un vecteur du virus de la leucémie murine gamma de Moloney (MMLV) auto-inactivant et non réplicatif codant pour un récepteur antigénique chimérique (RAC) ciblant claudine 6 (CLDN6) composé d'un peptide signal de chaîne lourde d'IgG humaine, d'un fragment variable à chaîne unique (scFv; IMAB206-C46S), d'un domaine charnière et transmembranaire CD8 et de domaines de co-stimulation 4-1BB et de signalisation intracellulaire CD3ζ, sous le contrôle du promoteur facteur d'élongation 1 alpha court (EFS). Le vecteur contient également une région ψ de MMLV, une région d'emballage ψ+ élargie de MMLV, une séquence Kozak et une version tronquée de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE); flanqué de répétitions terminales longues (LTRs) de MMLV de type sauvage en 5' et en 3'. Le vecteur est pseudotypé avec la protéine d'enveloppe du virus de la leucémie du singe gibbon (GALV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4+/CD8+ par immunosélection positive, activé par des agonistes CD3 et CD28 et transduit avec le vecteur rétroviral. Les cellules sont ensuite éxpansées dans un milieu contenant de l'interleukine 15 (IL-15) et de l'interleukine 7 (IL-7). Les lymphocytes T (≥80%; avec ≤20% de cellules CD3-) sont positifs pour le transgène (≥10% RAC positifs) et sécrètent de l'interféron gamma en réponse aux cellules cibles exprimant CLDN6
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

olmocabtagén autoleucel

linfocitos T CD4+/CD8+ autólogos enriquecidos, obtenidos por leucoaféresis, transducidos con un vector del virus gamma de la leucemia de Moloney murino (MMLV) auto-inactivante, no replicativo, que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-claudina 6 (CLDN6), compuesto por un péptido señal de la cadena pesada de la IgG humana, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv; IMAB206-C46S), un dominio bisagra y transmembrana de CD8, y dominios intracelulares coestimulador de 4-1BB y señalización de CD3ζ, bajo

el control del promotor corto del factor de elongación 1 alfa (EFS). El vector también contiene una región psi de MMLV, una región alargada de empaquetamiento psi+ de MMLV, una secuencia Kozak y una versión truncada del elemento regulador post-transcripcionaldel virus de la hepatitis de la marmota (WPRE); flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) de tipo salvaje del MMLV en 5' y 3'. El vector está seudotipado con la proteína de la envuelta del virus de la leucemia del Gibón (GALV).
El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4+/CD8+ mediante inmunoselección positiva, se activa con agonistas de CD3 y CD28 y se transduce con el vector retroviral. Las células se expanden después en medio con interleuquina 15 (IL-15) e interleuquina 7 (IL-7). Los linfocitos T (≥80%; con ≤20% de células CD3-) son positivos para el transgén (≥10% CAR positivos) y secretan interferón gamma en respuesta a células diana que expresan CLDN6
terapia génica basada en células (antineoplásico)

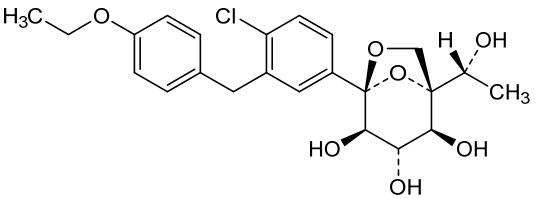
oloriglifloziumum

oloriglifloziumum — 1-*C*-{4-chloro-3-[(4-ethoxyphenyl)methyl]phenyl}-1-*O*,5-*C*-methylene-D-*glycero*-α-D-*gluco*-heptopyranose
sodium glucose co-transporter inhibitor, antihyperglycaemic

oloriglifloziumum — 1-*C*-{4-chloro-3-[(4-éthoxyphényl)méthyl]phényl}-1-*O*,5-*C*-méthylène-D-*glycéro*-α-D-*gluco*-heptopyranose
inhibiteur du co-transporteur de glucose et de sodium, antihyperglycémiant

oloriglifloziumum — 1-*C*-{4-cloro-3-[(4-etoxifenil)metil]fenil}-1-*O*,5-*C*-metileno-D-*glicero*-α-D-*gluco*-heptopiranosa
inhibidor del cotransportador de sodio y glucosa, antihiperglucémico

$C_{23}H_{27}ClO_7$ 2035989-50-3



ompekimigum #

ompekimig — immunoglobulin (L-kappa-H-gamma1(_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukin 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukin 13, IL-13)] and anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukin 33, IL-33)], monoclonal antibody, trispecific, trivalent;
fused L-kappa-H-gamma1 chain anti-IL13 and anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)] -5-mer (tetraglycyl-seryl) linker (219-223) -H-gamma1 heavy chain anti-IL4 (224-674) [VH (*Homo*

sapiens IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 hinge E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), hinge 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfide with L-VH-G1(CH1-h) light chain anti-IL13 (1'-221')[VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), hinge 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfide with L-kappa light chain anti-IL4 (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')];
H-gamma1 heavy chain anti-IL33 (1''-451'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26''-33''.51''-58''.97''-110'')) (1''-121'') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 hinge R6, CH3 R88 (CH1 R120>K (218'') (122''-219''), hinge 1-15 D6>R (225'') (220''-234''), CH2 L1.3>A (238''), L1.2>A (239''), G1>A (241'') (235''- 344''), CH3 E12 (360''), M14 (362''), K88>R (413''), M107>L (432''), N114>S (438'') (345''-449''), CHS (450''-451'')) (122''-451'')], (224''-213'''')-disulfide with L-kappa light chain anti-IL33 (1''''-213'''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (90.9%), CDR-IMGT [6.3.8] (27''''-32''''.50''''-52''''.89''''-96'''')) (1''''-106'''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152''''), V101 (190'''')) (107''''- 213'''')]; dimer (453-230'':456-233'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunosuppressant, anti-inflammatory

ompékimig immunoglobuline (L-kappa-H-gamma1(_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukine 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukine 13, IL-13)] et anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukine 33, IL-33)], anticorps monoclonal, trispécifique, trivalent;
chaîne fusionnée L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 et anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)] -5-mer (tétraglycyl-séryl) linker (219-223) -chaîne lourde H-gamma1 anti-IL4 (224-674) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 charnière E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), charnière 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfure avec la chaîne légère L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 (1'-221') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), charnière 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-IL4 (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')];

chaîne lourde H-gamma1 anti-IL33 (1"-451") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26"-33".51"-58".97"-110")) (1"-121") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 charnière R6, CH3 R88(CH1 R120>K (218") (122"-219"), charnière 1-15 D6>R (225") (220"-234"), CH2 L1.3>A (238"), L1.2>A (239"), G1>A (241") (235"- 344"), CH3 E12 (360"), M14 (362"), K88>R (413"), M107>L (432"), N114>S (438") (345"-449"), CHS (450"-451")) (122"-451")], (224"-213"")-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-IL33 (1""-213"") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (90.9%), CDR-IMGT [6.3.8] (27""-32"".50""-52"".89""-96"")) (1""-106"") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152""), V101 (190"")) (107""- 213"")]; dimère (453-230":456-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunosuppresseur, anti-inflammatoire

ompekimig inmunoglobulina (L-kappa-H-gamma1(_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukina 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukina 13, IL-13)] y anti-[*Homo sapiens* IL33 (interleukina 33, IL-33)], anticuerpo monoclonal, triespecífico, trivalente;
cadena fusionada L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 y anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)] -5-mer (tetraglicil-seril) enlace (219-223) -cadena pesada H-gamma1 anti-IL4 (224-674) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 bisagra E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), bisagra 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfuro con la cadena ligera L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 (1'-221') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), bisagra 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-IL4 (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')];
cadena pesada H-gamma1 anti-IL33 (1"-451") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-7*01 (89.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.14] (26"-33".51"-58".97"-110")) (1"-121") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 bisagra R6, CH3 R88 (CH1 R120>K (218") (122"-219"), bisagra 1-15 D6>R (225") (220"-234"), CH2 L1.3>A (238"), L1.2>A (239"), G1>A (241") (235"-344"), CH3 E12 (360"), M14 (362"), K88>R (413"), M107>L (432"), N114>S (438") (345"-449"), CHS (450"-451")) (122"-451")], (224"-213"")-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-IL33 (1""-213"") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-6*01 (88.8%) -IGKJ4*01 (90.9%), CDR-IMGT [6.3.8] (27""-32"".50""-52"".89""-96"")) (1""-106"") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (152""), V101 (190"")) (107""- 213"")]; dímero (453-230":456-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inmunosupresor, antiinflamatorio

2981477-39-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 and anti-IL4 (H)

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASESVD HFGWSLVHWY QQKPGKAPKL  50
LIYRASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQQSNEDPW 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGECGG GGSEVTLRES GPALVKPTQT LTLTCTFSGF 250
SLSNFGEGLS WIRQPPGKGL EWLAHIYWDD DKRYNPSLKS RLTISKDTSR 300
NQVVLTMTNM DPVDTATYYC ARRETVFYWY FDVWGQGTTV TVSSASTKGP 350
SVFPLAPSSK STSGGTAALG CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV 400
LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCEKT 450
HTCPPCPAPE AAGAPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV 500
KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV 550
SNKALPAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP SREEMTKNQV SLTCEVKGFY 600
PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF 650
SCSVLHEALH SHYTQKSLSL SPGK                             674
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 (L')

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVAS  50
ISSGDTTYYP DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARNEG 100
YYFGLTLWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS C                                221
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-IL4 (L''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSVD EEGDSYMNWY QQKPGKAPKL  50
LIYAASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQQSNKDPP 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC                                    218
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-IL33 (H'')

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYWMYWVRQA PGKGLEWVAA  50
ITPNAGEDYY PESVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARGQ 100
YYYTKYSLGY WGQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCRKTHTC PPCPAPEAAG APSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSRLTVDKSR WQQGNVFSCS VLHEALHSHY TQKSLSLSPG 450
K                                                      451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-IL33 (L'''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQPIH NHLDWYQQKP GKAPKLLIYF  50
GKNLQEGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCFQ YKKGWSFGGG 100
TKVEIKRTVA APSVFIFPPS DEQLKSGTAS VVCLLNNFYP REAKVQWKVD 150
NALQSGNSQE SVTEQDSKDS TYSLSSTLTL SKADYEKHKV YACEVTHQGL 200
SSPVTKSFNR GEC                                         213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 23-92 138-198 245-320 371-427 488-548 594-652
22"-96" 148"-204" 265"-325" 371"-429"

Intra-L (C23-C104) 22'-95' 145'-201'
23'''-92''' 138'''-198'''
23''''-88'''' 133''''-193''''

Inter-H-L' (CL 126-h 5)* 218-221'

Inter-H-L''' (h 5-CL 126) 447-218''' 224''-213''''

Inter-H-H (h 11, h 14) 453-230'' 456-233''

*crosslink / lien croisé / enlace cruzado

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 524, 301''

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 674, 451''

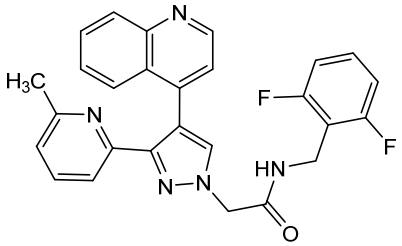
ontunisertibum

ontunisertib — *N*-[(2,6-difluorophenyl)methyl]-2-[3-(6-methylpyridin-2-yl)-4-(quinolin-4-yl)-1*H*-pyrazol-1-yl]acetamide
serine/threonine kinase inhibitor

ontunisertib — *N*-[(2,6-difluorophényl)méthyl]-2-[3-(6-méthylpyridin-2-yl)-4-(quinoléin-4-yl)-1*H*-pyrazol-1-yl]acétamide
inhibiteur de sérine/thréonine kinases

ontunisertib — *N*-[(2,6-difluorofenil)metil]-2-[3-(6-metilpiridin-2-il)-4-(quinolein-4-il)-1*H*-pirazol-1-il]acetamida
inhibidor de la serina/treonina kinasa

$C_{27}H_{21}F_2N_5O$ 2647949-48-0



onvuzosiranum

onvuzosiran — *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxymethyl)oxolan-3-yl] hydrogen *all-P-ambo*-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)methyl]amino}-2-oxoethyl)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)methyl]amino}-2-oxoethyl)-*P*-thiocytidylyl-(5'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thio-3'-adenylate
duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridine
prekallikrein synthesis reducer

onvuzosiran

tout-P-ambo-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadécan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)méthyl]amino}-2-oxoéthyl)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadécan-1-yl}-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl)méthyl]amino}-2-oxoéthyl)-*P*-thiocytidylyl-(5'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-*P*-thio-3'-adénylate de *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hydroxyméthyl)oxolan-3-yle]
duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridine
réducteur de synthèse de prékallicréine

onvuzosirán

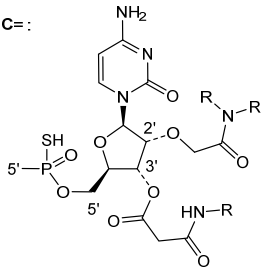
todo-P-ambo-3'-*O*-(2-{[(1-{17-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-il}-1*H*-1,2,3-triazol-4-il)metil]amino}-2-oxoetil)-2'-*O*-(2-{bis[(1-{17-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-3,6,9,12,15-pentaoxaheptadecan-1-il}-1*H*-1,2,3-triazol-4-il)metil]amino}-2-oxoetil)-*P*-tiocitidilil-(5'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-*P*-tio-3'-adenilato de *O*-[(2*R*,3*S*)-2-(hidroximetil)oxolan-3-ilo]
dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridina
reductor de la síntesis de precalicreína

$C_{534}H_{707}F_{15}N_{180}O_{329}P_{44}S_8$ 2982817-49-0

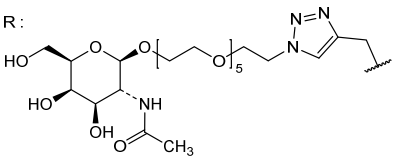
(3'-5')**C**=*U*=*C*-*C*-*A*-*G*-*G*-C̲-*U*-C̲-C̲-U̲-U̲-*U*-*G*-*A*-*A*-*U*-*U*-*A*-*C*=*A*=R1
▪ ▪
(5'-3')*U*=*G*=*A*-G̲-*G*-U̲-*C*-C̲-*G*-A̲-*G*-G̲-*A*-A̲-*A*-C̲-*U*-U̲-*A*-A̲-*U*=G̲=*U*

N : A,C,G,U
N : 2'-*O*-methyl-N / 2'-*O*-méthyl-N / 2'-*O*-metil-N
N̲ : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N
- : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

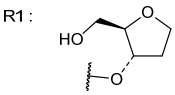
C= :



R :



R1 :



onzemipgenum parvecum #

onzemipgene parvec — recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 2 (rAAV2) vector, encoding a truncated soluble form of human CD59 (sCD59, membrane-independent human CD59) under control of the CAG promoter (cytomegalovirus (CMV) enhancer / chicken beta-actin (CBA) promoter / rabbit beta-globin acceptor containing chimeric intron) and a rabbit beta-globin polyadenylation signal
gene therapy (macular degeneration)

onzémipgène parvec — vecteur recombinant du virus adéno-associé non réplicatif de sérotype 2 (rAAV2) codant une forme tronquée soluble du CD59 humain (sCD59, CD59 humain indépendant de la membrane) sous le contrôle du promoteur CAG (amplificateur du cytomégalovirus (CMV) / promoteur de la bêta-actine de poulet (CBA) / intron chimérique contenant l'accepteur de la bêta-globine de lapin), et un signal de polyadénylation de bêta-globine de lapin
thérapie génique (dégénérescence maculaire)

onzemipgén parvec — vector de virus adenoasociado del serotipo 2, recombinante (rAAV2), no replicativo, que codifica una forma truncada soluble de CD59 humano (sCD59, CD59 humano independiente de membrana) bajo el control de un promotor CAG (potenciador de citomegalovirus (CMV) / promotor de beta actina de pollo (CBA) / intrón quimérico que contiene el aceptor de la beta globina de conejo) y una señal de poliadenilación de la beta globina de conejo
terapia génica (degeneración macular)

2269489-41-8

opakalimum

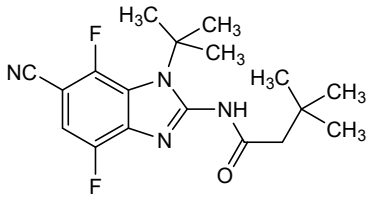
opakalim — *N*-(1-*tert*-butyl-6-cyano-4,7-difluoro-1*H*-1,3-benzimidazol-2-yl)-3,3-dimethylbutanamide
potassium channel activator, antiepileptic

opakalim — *N*-(1-*tert*-butyl-6-cyano-4,7-difluoro-1*H*-1,3-benzimidazol-2-yl)-3,3-diméthylbutanamide
activateur des canaux potassiques, antiépileptique

opakalim

N-(1-*terc*-butil-6-ciano-4,7-difluoro-1*H*-1,3-bencimidazol-2-il)-3,3-dimetilbutanamida
activador del canal de potasio, antiepiléptico

$C_{18}H_{22}F_2N_4O$ 2376397-93-0



opamtistomigum
opamtistomig

immunoglobulin (H-gamma1-scFvhl_L-kappa) dimer, anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)] and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (TNF receptor superfamily member 9, 4-1BB, T cell antigen ILA, CD137)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody, tetravalent, bispecific;
H-gamma1 heavy chain anti-CD274 fused to a scFvhl anti-TNFRSF9 (1-714) [H-gamma1 heavy chain anti-CD274 humanized (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-4 CH2 A1.3, A1.2, A114, 1-G1v66 CH2 A27 (CH1 K120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), D27>A (267), P114>A (331) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)] -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (450-464) -scFvhl anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (465-714), C49 (VH)-C120 (VL) 11-scFv-v1 [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (92.9%) -IGHD -IGHJ6*03 (95.0%) G49>C (508), CDR-IMGT [8.8.17] (490-497.515-522.561-577)) (465-588) -15-mer tris(glycyl-tetraseryl) linker (589-603) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (91.9%) -IGLJ7*01 (90.9%) G120>C (707), CDR-IMGT [9.3.11] (629-637.655-657.694-704)) (604-714)]]; (222-214')-disulfide with L-kappa light chain anti-CD274 humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

opamtistomig

immunoglobuline (H-gamma1-scFvhl_L-kappa) dimère, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de mort cellulaire programmée 1, PDL1, PD-L1, B7 homologue 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)] et anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (membre 9 de la superfamille des récepteurs du TNF, 4-1BB, antigène ILA des cellules T, CD137)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens*, tétravalent, bispécifique;

chaîne lourde H-gamma1 anti-CD274 fusionnée à un scFvhl anti-TNFRSF9 (1-714) [chaîne lourde H-gamma1 anti-CD274 humanisée (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-4 CH2 A1.3, A1.2, A114, 1-G1v66 CH2 A27 (CH1 K120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), D27>A (267), P114>A (331) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)] -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (450-464) -scFvhl anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (465-714), C49 (VH)-C120 (VL) 11-scFv-v1 [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (92.9%) -IGHD -IGHJ6*03 (95.0%) G49>C (508), CDR-IMGT [8.8.17] (490-497.515-522.561-577)) (465-588) -15-mer tris(glycyl-tétraséryl) linker (589-603) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (91.9%) -IGLJ7*01 (90.9%) G120>C (707), CDR-IMGT [9.3.11] (629-637.655-657.694-704)) (604-714)]]; (222-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-CD274 humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

opamtistomig

inmunoglobulina (H-gamma1-scFvhl_L-kappa) dímero, anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de muerte celular programada 1, PDL1, PD-L1, B7 homólogo 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)] y anti-[*Homo sapiens* TNFRSF9 (miembro 9 de la superfamilia de los receptores del TNF, 4-1BB, antígeno ILA de las células T, CD137)], anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens*, tetravalente, biespecífico;
cadena pesada H-gamma1 anti-CD274 fusionada con un scFvhl anti-TNFRSF9 (1-714) [cadena pesada H-gamma1 anti-CD274 humanizada (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%) L123>T (114), CDR-IMGT [8.7.13] (26-33.51-57.96-108)) (1-119)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14-4 CH2 A1.3, A1.2, A114, 1-G1v66 CH2 A27 (CH1 K120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 L1.3>A (236), L1.2>A (237), D27>A (267), P114>A (331) (233-342), CH3 D12 (358), L14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)] -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace (450-464) -scFvhl anti-TNFRSF9 *Homo sapiens* (465-714), C49 (VH)-C120 (VL) 11-scFv-v1 [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*01 (92.9%) -IGHD -IGHJ6*03 (95.0%) G49>C (508), CDR-IMGT [8.8.17] (490-497.515-522.561-577)) (465-588) -15-mer tris(glicil-tetraseril) enlace (589-603) -V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*01 (91.9%) -IGLJ7*01 (90.9%) G120>C (707), CDR-IMGT [9.3.11] (629-637.655-657.694-704)) (604-714)]]; (222-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-CD274 humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (84.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

2923499-76-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused H-gamma1 anti-CD274 -scFvhl anti-TNFRSF9 (H, H")

```
EVQLQESGPG LVKPSQTLSL TCTVSGDSFS SGYWNWIRQH PGKGLEYIGY  50
VSYTGSTYYI PSLKSRVTIS RDTSKNQFSL KLSSVTAADT AVYYCAGYRD 100
WLHGYFDYWG QGTTVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKKVEPK SCDKTHTCPP CPAPEAAGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVAVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL AAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSRDEL TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGKG 450
GGGSGGGGSG GGGSQVQLQE SGGGLVQPGG SLRLSCAVSG FTFSSYAMHW 500
VRQAPGKCLE WVAVISYDGS KKWYADSVKG RFTISRDNSK NTLYLQMNSL 550
RAEDTAVYYC ARNQGSGSYL YYYYMDVWGK GTTVTVSSGS SSSGSSSSGS 600
SSSQSALTQP RSVSGSPGQS VTISCTGTSS DVGGYNYVSW YQQLPGKAPK 650
VIIYEVSNRP SGVSNRFSGS KSGNTASLTI SGVQSEDEAD YYCSSYTSSS 700
TFYVFGCGTQ LTVL                                       714
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-CD274 (L', L"')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASQNVM DNVAWYQQKP GKAPKRLIYS  50
ASYRFSGVPS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNGYPLTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                       214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 146-202 263-323 369-427
22"-95" 146"-202" 263"-323" 369"-427"
486-560 625-693
486"-560" 625"-693"

Intra-H scFv C49 (VH)-C120 (VL)* 508-707
508"-707"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88"' 134'"-194'"

Intra-H-L (h 5-CL 126) 222-214' 222"-214'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

*engineered additional disulfide bond C49 (VH)-C120 (VL) to stabilize the scFv (variant 11-scFv-v1).

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

oturkibartum #

oturkibart — immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (interleukin 4 receptor, IL4RA, IL-4RA, interleukin 13 receptor, CD124)], humanized monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain humanized (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (85.7%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (118-215), hinge 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-217')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (84.4%) -IGKJ2*02 (90.0%) L124>V (107'), CDR-IMGT [8.3.10] (27'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimer (223-223":226-226")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
anti-inflammatory

oturkibart — immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (récepteur de l'interleukine 4, IL4RA, IL-4RA, récepteur de l'interleukine 13, CD124)], anticorps monoclonal humanisé;

chaîne lourde H-gamma4 humanisée (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (85.7%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10(CH1 (118-215), charnière 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-217')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (84.4%) -IGKJ2*02 (90.0%) L124>V (107'), CDR-IMGT [8.3.10] (27'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimère (223-223":226-226")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
anti-inflammatoire

oturkibart — inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* IL4R (receptor de la interleukina, IL4RA, IL-4RA, receptor de la interleukina 13, CD124)], anticuerpo monoclonal humanizado*;*
cadena pesada H-gamma4 humanizada (1-444) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-66*01 (83.5%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (85.7%) R120>Q (109), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10 (CH1 (118-215), bisagra 1-12 S10>P (225) (216-227), CH2 L92 (306) (228-337), CH3 (338-442), CHS (443-444)) (118-444)], (131-217')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada *(*1'-217') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (84.4%) -IGKJ2*02 (90.0%) L124>V (107'), CDR-IMGT [8.3.10] (27'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dímero (223-223":226-226")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa
antiinflamatorio

2956767-43-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGIDLR TNSMSWVRQA PGKGLEWVGI  50
IGSSGYMDYA SWAKGRFTIS RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCARHGD 100
SSSFALWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP CSRSTSESTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTKTYTC 200
NVDHKPSNTK VDKRVESKYG PPCPPCPAPE FLGGPSVFLF PPKPKDTLMI 250
SRTPEVTCVV VDVSQEDPEV QFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQFNSTYRVV 300
SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKGLPSSIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP 350
SQEEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS 400
FFLYSRLTVD KSRWQEGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SLGK       444
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASESVY KNNRLSWYQQ KPGKAPKLLI  50
YEASKVASGV PSRFSGSGSG TDFTLTISSL QPEDFATYYC AGAYRGNIYP 100
FGQGTKVEIK RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC                                     217
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-95	144-200	258-318	364-422
	22"-95"	144"-200"	258"-318"	364"-422"
Intra-L (C23-C104)	23'-90'	137'-197'		
	23'"-90'"	137'"-197'"		
Inter-H-L (CH1 10-CL 126)	131-217'	131"-217'"		
Inter-H-H (h 8, h 11)	223-223"	226-226"		

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 294, 294"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 444, 444"

ozisiranum

ozisiran

(2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-14-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanoyl}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tetraazatricosan-10-yl)-2-hydroxy-3-oxopropyl hydrogen *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-3'-adenylate, duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-(5'*E*)-2'-*O*-methyl-5',$C^{5'}$-didehydro-$O^{5'}$-carba-5'-uridylic acid
hepatitis B virus (HBV) RNA transcript reducer, antiviral

ozisiran

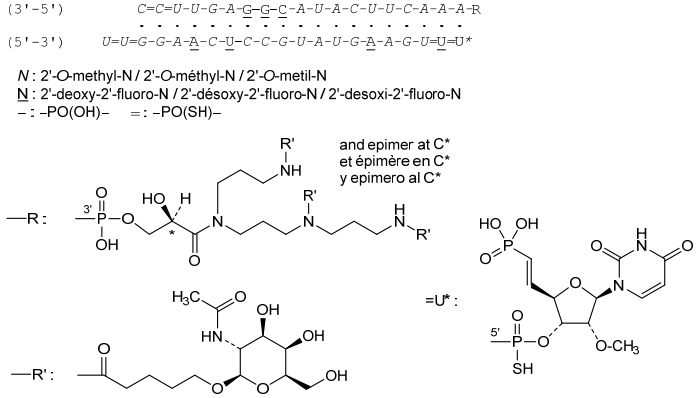
tout-P-ambo-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-3'-adénylate de (2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-14-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanoyl}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tétraazatricosan-10-yl)-2-hydroxy-3-oxopropyle, duplex avec acide *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-(5'*E*)-2'-*O*-méthyl-5',$C^{5'}$-didéhydro-$O^{5'}$-carba-5'-uridylique
réducteur de transcription de l'ARN du virus de l'hépatite B (VHB), antiviral

ozisirán

todo-P-ambo-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-3'-adenilato de (2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-14-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanoil}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tetraazatricosan-10-il)-2-hidroxi-3-oxopropilo, duplex con ácido *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiouridilil-(5'→3')-(5'*E*)-2'-*O*-metil-5',$C^{5'}$-didehidro-$O^{5'}$-carba-5'-uridílico

reductor de la transcripción de ARN del virus de la hepatitis B (HBV), antiviral

$C_{464}H_{619}F_7N_{152}O_{293}P_{40}S_6$ 3061406-96-7



palacaparibum

palacaparib

6-fluoro-5-{4-[(5-fluoro-2-methyl-3-oxo-3,4-dihydroquinoxalin-6-yl)methyl]piperazin-1-yl}-*N*-methylpyridine-2-carboxamide

poly (ADP-ribose) polymerase (PARP) inhibitor, antineoplastic

palacaparib

6-fluoro-5-{4-[(5-fluoro-2-méthyl-3-oxo-3,4-dihydroquinoxalin-6-yl)méthyl]pipérazin-1-yl}-*N*-méthylpyridine-2-carboxamide

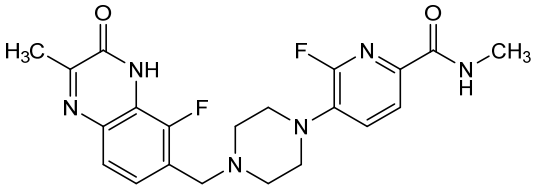
inhibiteur de la poly-ADP-ribose polymérase, antinéoplasique

palacaparib

6-fluoro-5-{4-[(5-fluoro-2-metil-3-oxo-3,4-dihidroquinoxalin-6-il)metil]piperazin-1-il}-*N*-metilpiridina-2-carboxamida

inhibidor de poli-ADP-ribosa polimerasa, antineoplásico

$C_{21}H_{22}F_2N_6O_2$ 2756333-39-6



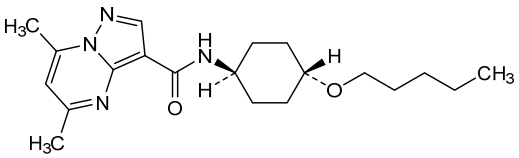
pariceractum

pariceract — 5,7-dimethyl-*N*-[*trans*-4-(pentyloxy)cyclohexyl]pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
beta-glucocerebrosidase activator, antiparkinsonian

paricéract — 5,7-diméthyl-*N*-[*trans*-4-(pentyloxy)cyclohexyl]pyrazolo[1,5-*a*]pyrimidine-3-carboxamide
activateur de bêta-glucocérébrosidase, antiparkinsonien

pariceract — 5,7-dimetil-*N*-[*trans*-4-(pentiloxi)ciclohexil]pirazolo[1,5-*a*]pirimidina-3-carboxamida
activador de la glucocerebrosidasa beta, antiparkinsoniano

$C_{20}H_{30}N_4O_2$ 1919820-28-2



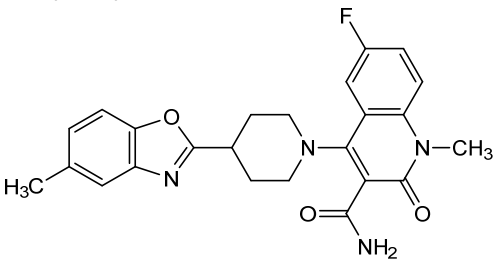
pasodacigibum

pasodacigib — 6-fluoro-1-methyl-4-[4-(5-methyl-1,3-benzoxazol-2-yl)piperidin-1-yl]-2-oxo-1,2-dihydroquinoline-3-carboxamide
diacylglycerol kinase inhibitor, antineoplastic

pasodacigib — 6-fluoro-1-méthyl-4-[4-(5-méthyl-1,3-benzoxazol-2-yl)piperidin-1-yl]-2-oxo-1,2-dihydroquinoléine-3-carboxamide
inhibiteur de diacylglycérol kinase, antinéoplasique

pasodacigib — 6-fluoro-1-metil-4-[4-(5-metil-1,3-benzoxazol-2-il)piperidin-1-il]-2-oxo-1,2-dihidroquinoleina-3-carboxamida
inhibidor de la diacilglicerol kinasa, antineoplásico

$C_{24}H_{23}FN_4O_3$ 2648721-77-9



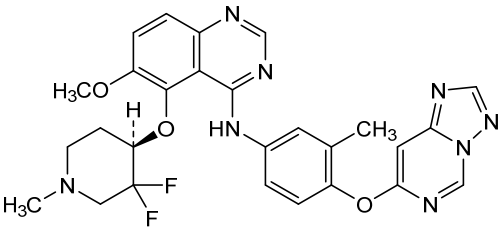
perzebertinibum

perzebertinib — 5-{[(4*R*)-3,3-difluoro-1-methylpiperidin-4-yl]oxy}-6-methoxy-*N*-{3-methyl-4-[([1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pyrimidin-7-yl)oxy]phenyl}quinazolin-4-amine
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

perzébertinib — 5-{[(4*R*)-3,3-difluoro-1-méthylpipéridin-4-yl]oxy}-6-méthoxy-*N*-{3-méthyl-4-[([1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pyrimidin-7-yl)oxy]phényl}quinazolin-4-amine
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

perzebertinib — 5-{[(4*R*)-3,3-difluoro-1-metilpiperidin-4-il]oxi}-*N*-{3-metil-4-[([1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pirimidin-7-il)oxi]fenil}-6-metoxiquinazolin-4-amina
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{27}H_{26}F_2N_8O_3$ 2414056-31-6



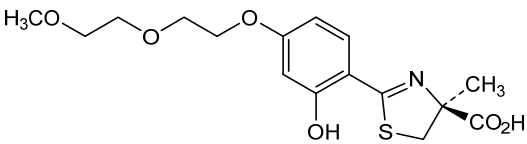
petadeferitrinum

petadeferitrin — (4*S*)-2-{2-hydroxy-4-[2-(2-methoxyethoxy)ethoxy]phenyl}-4-methyl-4,5-dihydro-1,3-thiazole-4-carboxylic acid
iron chelating agent

pétadéféritrine — acide (4*S*)-2-{2-hydroxy-4-[2-(2-méthoxyéthoxy)éthoxy]phényl}-4-méthyl-4,5-dihydro-1,3-thiazole-4-carboxylique
chélateur du fer

petadeferitrina — ácido (4*S*)-2-{2-hidroxi-4-[2-(2-metoxietoxi)etoxi]fenil}-4-metil-4,5-dihidro-1,3-tiazol-4-carboxílico
quelante del hierro

$C_{16}H_{21}NO_6S$ 911714-45-9



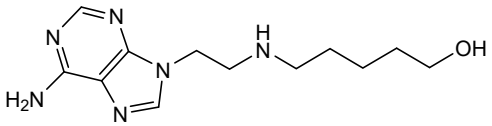
peturadolum

peturadol — 5-{[2-(6-amino-9*H*-purin-9-yl)ethyl]amino}pentan-1-ol
central analgesic

péturadol — 5-{[2-(6-amino-9*H*-purin-9-yl)éthyl]amino}pentan-1-ol
analgésique central

peturadol — 5-{[2-(6-amino-9*H*-purin-9-il)etil]amino}pentan-1-ol
analgésico central

$C_{12}H_{20}N_6O$ 686301-48-4



pezatresgenum leucelum #

pezatresgene leucel — allogeneic T lymphocytes derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) of a haploidentical hematopoietic cell transplantation (HCT) donor that is negative for the HA-1 genotype and/or negative for HLA A*02, engineered by transposon/transposase-mediated gene delivery to express a T cell receptor (TCR) that is specific for a 9-amino acid peptide (VLHDDLLEA) termed HA-1 derived from the Rho GTPase-activating protein 45 (ARHGAP45) and presented on HLA-A*02:01. The TCR comprises α and β subunits separated by a P2A self-cleaving peptide. The transgene also encodes a codon-optimised CD8 co-receptor consisting of α and β chains separated by a P2A self-cleaving peptide, with the CD8 co-receptor separated from the TCR by an additional P2A self-cleaving peptide. Each P2A sequence is preceded by a furin cleavage site. A 16 amino acid epitope encoding a portion of human CD34 is incorporated into the N-terminus of the CD8α chain. The transgene is under the control of a murine stem cell virus (MSCV) promoter, a Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional response element and a simian virus 40 (SV40) polyadenylation (polyA) signal.
The transposase (Armyworm transposase) is introduced in form of an mRNA that comprises an anti-reverse cap analogue, a *Xenopus* globin 5' untranslated region (UTR), a Kozak sequence, the transposase open reading frame, and a *Xenopus* globin 3' UTR. The transgene is introduced via a nanoplasmid DNA vector and contains inverted terminal repeats (ITRs).
The leukapheresis material is electroporated with mRNA transposase as well as the nanoplasmid transposon followed by activation with CD2, CD3 and CD28 agonists. The cells are then grown in serum free media supplemented with interleukin 2 (IL-2), interleukin 7 (IL-7) and interleukin 15 (IL-15). The T lymphocytes (≥95%) are positive for the transgene (≥80% TCR+) and release interferon- gamma (IFN-γ) in response to co-culture with THP-1 cells that express the HA-1 target peptide
cell-based gene therapy (antineoplastic)

pézatresgène leucel — lymphocytes T allogéniques dérivés de cellules mononucléaires du sang périphérique (CMSP) d'un donneur haploidentiques de greffe de cellules hématopoïétiques (GCH) qui sont ngatifs pour le génotype HA-1 et/ou négatifs pour HLA A*02, modifiés par un système de délivrance de gènes par transposon/transposase pour exprimer un récepteur de lymphocytes T (TCR) spécifique d'un peptide de 9 acides aminés (VLHDDLLEA) appelé HA-1, dérivé de la protéine activatrice Rho GTPase 45 (ARHGAP45) et présenté sur HLA-A*02:01. Le TCR comprend des sous-unités α

et β, séparées par un peptide auto-clivant P2A. Le transgène code également avec des codons optimisés un co-récepteur CD8, constitué de chaînes α et β, séparées par un peptide auto-clivant P2A, le co-récepteur CD8 étant séparé du TCR par un autre peptide auto-clivant P2A.
Chaque séquence P2A est précédée d'un site de clivage de la furine. Un épitope de 16 acides aminés codant une partie du CD34 humain est incorporé à l'extrémité N-terminale de la chaîne CD8α. Le transgène est sous le contrôle d'un promoteur du virus des cellules souches murines (MSCV), d'un élément de réponse post-transcriptionnelle du virus de l'hépatite de la marmotte et d'un signal de polyadénylation (polyA) du virus simien 40 (SV40).
La transposase (transposase de la chenille légionnaire) est introduite sous la forme d'un ARNm qui comprend un analogue de la coiffe anti-inverse, une région 5' non traduite (UTR) de la globine de *Xenopus*, une séquence de Kozak, le cadre de lecture ouvert de la transposase et une région 3' UTR de la globine de *Xenopus*. Le transgène est introduit via l'ADN nanoplasmidique et contient des répétitions terminales inversées (RTI).
Le matériel de leucaphérèse est électroporé avec l'ARNm de la transposase ainsi que le transposon nanoplasmidique, suivie d'une activation avec des agonistes CD2, CD3 et CD28. Les cellules sont ensuite cultivées dans un milieu sans sérum, supplémenté en interleukine 2 (IL-2), d'interleukine 7 (IL-7) et d'interleukine 15 (IL-15). Les lymphocytes T (≥95%) sont positifs au transgène (≥80%+) et libèrent de l'interféron gamma (IFN-γ) en réponse à une co-culture avec des cellules THP-1 qui expriment le peptide cible HA-1
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

pezatresgén leucel

linfocitos T alogénicos derivados de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) de un donante de transplante de células hematopoyéticas (HCT) haploidéntico que es negativo para el genotipo HA-1 y/o negativo para HLA A*02, manipulados mediante un sistema de entrega genética mediado por transposón/transposasa para expresar el receptor de células T (TCR) que es específico para un péptido de 9 amino ácidos (VLHDDLLEA) llamado HA-1, derivado de la proteína activadora de GTPasa Rho 45 (ARHGAP45) y presentado en HLA-A*02:01. El TCR consta de subunidades α y β separadas por un péptido de auto-escisión P2A. El transgén también codifica, con codones optimizados, un correceptor CD8 que contiene cadenas α y β separadas por un péptido de auto-escisión P2A, con el correceptor CD8 separado del TCR por otro péptido de auto-escisión P2A. Cada secuencia P2A está precedida por un sitio de escisión de furina. En la zona N-terminal de la cadena CD8α se incorpora un epítopo de 16 amino ácidos que codifica una porción del CD34 humano. El transgén está bajo el control de un promotor del virus de células madre murino (MSCV), un elemento de respuesta post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) y una señal de poliadenilación (poliA) del virus simio 40 (SV40).
La transposasa (transposasa de gusano soldado) se introduce en forma de un ARNm que contiene un análogo de caperuza anti-reverso, una región sin traducir (UTR) en 5' de la globina de *Xenopus*, una secuencia Kozak, el marco de lectura abierto de la transposasa, y una UTR en 3' de la globina de *Xenopus*. El transgén se introduce mediante un nanoplásmido de ADN y contiene repeticiones terminales invertidas (ITRs).

pivodisgenum parvecum #

pivodisgene parvec — recombinant, non-replicating adeno-associated virus serotype 8 (rAAV8) vector, encoding a codon-optimised miniaturised version of human dystrophin (microdystrophin variant ABD1-H1-R1-R2-R3-H3-R24-H4-CR-CT194), under control of a synthetic muscle-specific promoter (SPc5-12) and a small synthetic polyadenylation signal; flanked by AAV2 inverted terminal repeats.
The expressed microdystrophin variant contains the actin-binding domain 1 (ABD1), four rod domains (R1-3, R24), three hinge domains (H1, H3, H4) and a cysteine rich (CR) domain; it also features the proximal portion of the C-terminal domain, amino acids 3361-3554 (CT194)
gene therapy (muscular dystrophy)

pivodisgène parvec — vecteur recombinant de virus adéno-associé de sérotype 8 (rAAV8), non réplicatif, codant une version miniaturisée, optimisée en codons, de la dystrophine humaine (variante de microdystrophine ABD1-H1-R1-R2-R3-H3-R24-H4-CR-CT194), sous le contrôle d'un promoteur synthétique spécifique du muscle (SPc5-12) et d'un petit signal synthétique de polyadénylation; flanqué des répétitions terminales inversées AAV2.
Le variant de microdystrophine exprimé contient le domaine de liaison à l'actine 1 (ABD1), quatre domaines en bâtonnets (R1-3, R24), trois domaines charnières (H1, H3, H4), et un domaine riche en cystéine (CR); il contient également la partie proximale du domaine C-terminal, acides aminés 3361-3554 (CT194)
thérapie génique (dystrophie musculaire)

pivodisgén parvec — vector de virus adenoasociado del serotipo 8, recombinante (rAAV8), no replicativo, que codifica, con codones optimizados, una versión miniaturizada de la distrofina humana (microdistrofina variante ABD1-H1-R1-R2-R3-H3-R24-H4-CR-CT194), bajo el control de un promotor sintético específico de musculo (SPc5-12) y una pequeña señal de poliadenilación sintética; flanqueado por las repeticiones terminales invertidas del AAV2.
La variante de microdistrofina expresada contiene el dominio 1 de unión a actina (ABD1), cuatro dominios rod (R1-3, R24), tres dominios bisagra (H1, H3, H4) y un dominio rico en cisteína (CR); también presenta la porción proximal del domino C-terminal, amino ácidos 3361-3554 (CT194)
terapia génica (distrofia muscular

2648631-52-9

plencifgenum parvecum #

plencifgene parvec — recombinant, non-replicating adeno-associated virus (AAV) vector (with capsid variant A101) encoding codon-optimised human cystic fibrosis transmembrane conductance regulator (CFTR) with the regulatory domain deleted (CFTRΔR), under control of a 173bp cytomegalovirus (CMV173) minimal promoter and a short synthetic polyadenylation signal; flanked by AAV2 inverted terminal repeats.
The variant A101 capsid is a chimera consisting primarily of serotype AAV1 but also including amino acids from serotypes AAV2, AAV4, AAV6 and AAV9
gene therapy (cystic fibrosis)

plencifgène parvec

vecteur de virus adéno-associé (AAV) recombinant, non réplicatif (avec variante de capside A101) codant un régulateur humain de conductance transmembranaire de la mucoviscidose (CFTR), optimisé en codons, avec le domaine régulateur supprimé (CFTRΔR), sous le contrôle d'un promoteur minimal de cytomégalovirus de 173 paires de bases (CMV173), et un court signal de polyadénylation synthétique; flanqué des répétitions terminales inversées AAV2. La capside variante A101 est une chimère, constituée principalement du sérotype AAV1, mais comprenant également des acides aminés des sérotypes AAV2, AAV4, AAV6 et AAV9
thérapie génique (mucoviscidose)

plencifgén parvec

vector de virus adenoasociado (AAV) recombinante, no replicativo (con la variante de cápside A101), que codifica, con codones optimizados, el regulador de la conductancia de transmembrana de la fibrosis quística (CFTR) humano con el domino regulador delecionado (CFTRΔR), bajo el control de un promotor mínimo de 173 bp del citomegalovirus (CMV173) y una señal sintética corta de poliadenilación; flanqueado por las repeticiones terminales invertidas de AAV2. La variante de cápside A101 es una quimera que consta primariamente del serotipo AAV1 pero también incluye amino ácidos de los serotipos AAV2, AAV4, AAV6 y AAV9
terapia génica (fibrosis quística)

2737363-32-3

plodicitinibum

plodicitinib

1-[(3*S*,4*R*)-3-({2-[(1-ethyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}oxy)-4-fluoropiperidin-1-yl]prop-2-en-1-one
Janus tyrosine kinase 3/TEC family kinase inhibitor, anti-inflammatory (veterinary use)

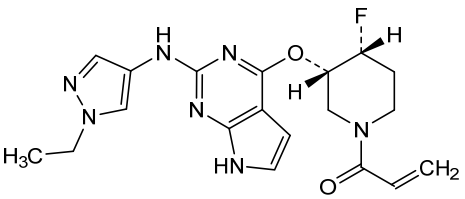
plodicitinib

1-[(3*S*,4*R*)-3-({2-[(1-éthyl-1*H*-pyrazol-4-yl)amino]-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-4-yl}oxy)-4-fluoropipéridin-1-yl]prop-2-én-1-one
inhibiteur des kinases Janus 3 et de la famille TEC, anti-inflammatoire (usage vétérinaire)

plodicitinib

1-[(3*S*,4*R*)-3-({2-[(1-etil-1*H*-pirazol-4-il)amino]-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-4-il}oxi)-4-fluoropiperidin-1-il]prop-2-en-1-ona
inhibidor de la familia de kinasas 3/TEC Janus, antiinflamatorio (uso veterinario)

$C_{19}H_{22}FN_7O_2$ 2360992-48-7



plozalizumabum plevistinagum #

plozalizumab plevistinag	immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (chemokine (C-C motif) receptor 2, C-C chemokine receptor 2, CC-CKR-2, CKR-2, monocyte chemoattractant protein 1 receptor, MCP-1-R, CD192)], humanized monoclonal antibody, conjugated, on an average of 3.8-4.4 cysteinyl residues, to *dazostinag* (a STING agonist) via a cleavable linker; H-gamma1 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (86.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v3-1 A1.2, A1 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of four L-cysteinyl residues on average among 220, 226, 229, 219', 220'', 226'', 229'' and 219''' with (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{cyclo[($P^{3'}R$)-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-($P^{2'}R$)-7-fluoro-7-carba-*P*-thioinosinylyl-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonyl}phenyl)methyl](methyl) carbamoyl}oxy)methyl]anilino}-1-oxopropan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]carbamoyl}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*plevistinag*) groups *antineoplastic*
plozalizumab plévistinag	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (récepteur 2 de chimiokine (C-C motif), récepteur 2 de chimiokine C-C, CC-CKR-2, CKR-2, récepteur de la protéine 1 chimio-attractive du monocyte, MCP-1-R, CD192)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué, sur 4,1 (3,8-4,4) cystéinyl en moyenne, via un linker maléimide-peg-val-ala-PAB clivable, à un agoniste synthétique de STING1 (stimulateur de la réponse à l'interféron cGAMP interacteur 1), conjugué sur une moyenne de 3,8 à 4,4 résidus cystéinyle au *dazostinag* (un agoniste du STING) via un linker clivable;

chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (86.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v3-1 A1.2, A1 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196')) (113'-219')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa, substitué sur les atomes de soufre de 4 résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 220, 226, 229, 219', 220", 226", 229" et 219"' avec des groupes (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{cyclo[($P^{3'}R$)-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-($P^{2'}R$)-7-fluoro-7-carba-*P*-thioinosinylyl-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonyl}phényl)méthyl](méthyl) carbamoyl}oxy)méthyl]anilino}-1-oxopropan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]carbamoyl}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*plévistinag*)
antinéoplasique

plozalizumab plevistinag

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CCR2 (receptor 2 de quimiokina (C-C motif), receptor 2 de quimiokina C-C, CC-CKR-2, CKR-2, receptor de la proteína 1 quimioatrayente de monocitos, MCP-1-R, CD192)], anticuerpo monoclonal humanizado, conjugado, en un promedio de 3,8-4,4 residuos de cisteinilo, al *dazostinag* (un agonista del STING), a través de un enlace escindible; cadena pesada gamma1 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (86.90%) -(IGHD)-IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.10.8] (26-33.51-60.99-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v3-1 A1.2, A1 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 L1.2>A (235), G1>A (237) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-219')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-219') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-30*02 (90.0%) -IGKJ5*01 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (27'-37'.55'-57'.94'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (158'), V101 (196'))(113'-219')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa, substituido en los átomo de azufre de 4 residuos L-cisteinilo por término medio entre 220, 226, 229, 219', 220", 226", 229" y 219"' con grupos (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{ciclo[($P^{3'}R$)-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(3'→5')-($P^{2'}R$)-7-fluoro-7-carba-*P*-tioinosinilil-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonil}fenil)metil](metil)carbamoil} oxi)metil]anilino}-1-oxopropan-2-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il]carbamoil}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*plevistinag*)
antineoplásico

2983832-01-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFTFS AYAMNWVRQA PGKGLEWVGR  50
IRTKNNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKNT LYLQMNSLKT EDTAVYYCTT 100
FYGNGVWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELAGAPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DVVMTQSPLS LPVTLGQPAS ISCKSSQSLL DSDGKTFLNW FQQRPGQSPR  50
RLIYLVSKLD SGVPDRFSGS GSGTDFTLKI SRVEAEDVGV YYCWQGTHFP 100
YTFGQGTRLE IKRTVAAPSV FIFPPSDEQL KSGTASVVCL LNNFYPREAK 150
VQWKVDNALQ SGNSQESVTE QDSKDSTYSL SSTLTLSKAD YEKHKVYACE 200
VTHQGLSSPV TKSFNRGEC                                   219
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 144-200 261-321 367-425
22"-98" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-93' 139'-199'
23'''-93''' 139'''-199'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 220-219' 220"-219'''

Inter-H-H (h 11, h 14)* 226-226" 229-229"

*The four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4.1 (3.8-4.4) cysteinyl being conjugated, each via two thioether bonds, to a drug linker.

*Les quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, de 4.1 (3.8-4.4) cystéinyl en moyenne étant chacune conjuguée, via deux liaisons thioéther, à un linker-principe actif.

*Los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4.1 (3.8-4.4) cisteinil está conjugada, a través de dos enlaces tioéter, con un principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

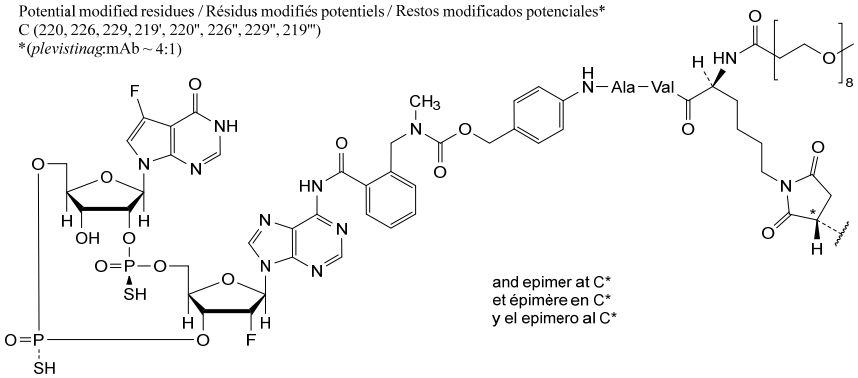
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

Potential modified residues / Résidus modifiés potentiels / Restos modificados potenciales*

C (220, 226, 229, 219', 220", 226", 229", 219''')

*(*plevistinag*:mAb ~ 4:1)



potravitugum #

potravitug

immunoglobulin G1-kappa, anti-[BK polyomavirus (BKV) (betapolyomavirus hominis) major capsid protein VP1], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), hinge 1-15 (220-234), CH2 (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-

	disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (95.8%) -IGKJ3*01 (91.7%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'- 215')]; dimer (230-230":233-233")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa *antiviral*
potravitug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[protéine majeure VP1 de la capside du polyomavirus BK (BKV) (betapolyomavirus hominis)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), charnière 1-15 (220-234), CH2 (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (95.8%) -IGKJ3*01 (91.7%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (230-230":233-233")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa *antiviral*
potravitug	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[proteína importante VP1 de la cápside del poliomavirus BK (BKV) (betapoliomavirus hominis)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-451) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-34*01 (87.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.15] (26-33.51-57.96-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (218) (122-219), bisagra 1-15 (220-234), CH2 (235- 344), CH3 E12 (360), M14 (362) (345-449), CHS (450-451)) (122-451)], (224-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (95.8%) -IGKJ3*01 (91.7%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'- 215')]; dímero (230-230":233-233")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa *antiviral*

2923558-06-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLQQWGAG LLKPSETLSL TCAVYRGSFS AYYWTWFRQP PGKGLEWIGE  50
INHRGYTNYN PSLRGRVSIS VDTSKKQFSL KLRSVNAADT AVYYCATLRS 100
TSGWHDYFDY WGQGTLVTVS SASTKGPSVF PLAPSSKSTS GGTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTQ 200
TYICNVNHKP SNTKVDKKVE PKSCDKTHTC PPCPAPELLG GPSVFLFPPK 250
PKDTLMISRT PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY 300
NSTYRVVSVL TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP 350
QVYTLPPSRE EMTKNQVSLT CLVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP 400
VLDSDGSFFL YSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG 450
K                                                      451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQT PGQAPRLLIY  50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFVVYFCL QYGSSPLTFG 100
PGTKVDIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-95 148-204 265-325 371-429
22"-95" 148"-204" 265"-325" 371"-429"
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23'"-89'" 135'"-195'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 224-215' 224"-215'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 230-230" 233-233"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 301, 301"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 451, 451"

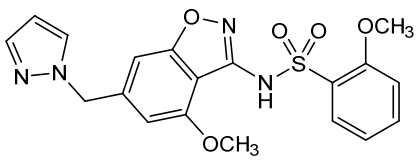
prifetrastatum

prifetrastat — 2-methoxy-*N*-{4-methoxy-6-[(1*H*-pyrazol-1-yl)methyl]-1,2-benzoxazol-3-yl}benzene-1-sulfonamide
antineoplastic

prifétrastat — 2-méthoxy-*N*-{4-méthoxy-6-[(1*H*-pyrazol-1-yl)méthyl]-1,2-benzoxazol-3-yl}benzène-1-sulfonamide
antinéoplasique

prifetrastat — 2-metoxi-*N*-{4-metoxi-6-[(1*H*-pirazol-1-il)metil]-1,2-benzoxazol-3-il}benceno-1-sulfonamida
antineoplásico

$C_{19}H_{18}N_4O_5S$ 2569008-99-5



pruvonertinibum

pruvonertinib — *N*-(2-{[2-(dimethylamino)ethyl](methyl)amino}-4-methoxy-5-{[4-(8-methylimidazo[1,2-*a*]pyridin-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino}phenyl)prop-2-enamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

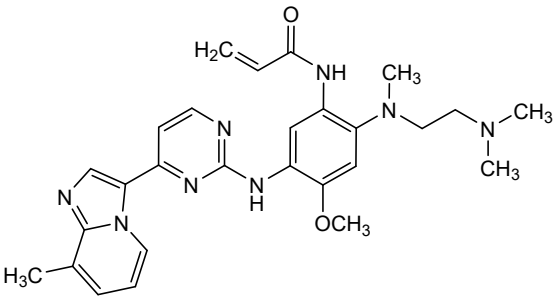
pruvonertinib

N-(2-{[2-(diméthylamino)éthyl](méthyl)amino}-4-méthoxy-5-{[4-(8-méthylimidazo[1,2-*a*]pyridin-3-yl)pyrimidin-2-yl]amino}phényl)prop-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

pruvonertinib

N-(2-{[2-(dimetilamino)etil](metil)amino}-5-{[4-(8-metilimidazo[1,2-*a*]piridin-3-il)pirimidin-2-il]amino}-4-metoxifenil)prop-2-enamida
inhibidor del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{27}H_{32}N_8O_2$ 2064269-82-3



puliretgenum parvecum #

puliretgene parvec

recombinant non-replicating adeno-associated virus serotype 8 (rAAV8) vector encoding human cytochrome P450 family 4, subfamily V member 2 (CYP4V2) under control of a cytomegalovirus (CMV) immediate-early enhancer, chicken β-actin promoter and synthetic intron, and a bovine somatotropin polyadenylation signal; flanked by AAV2 inverted terminal repeats
gene therapy (Bietti's crystalline dystrophy)

puliretgène parvec

vecteur recombinant de virus adéno-associé non réplicatif de sérotype 8 (rAAV8) codant le membre 2 de la sous-famille V, famille 4 du cytochrome P450 humain (CYP4V2), sous le contrôle d'un amplificateur précoce immédiat du cytomégalovirus (CMV), d'un promoteur de la β-actine de poulet et d'un intron synthétique, ainsi que d'un signal de polyadénylation de la somatotropine bovine; flanqué des répétitions terminales inversées AAV2
thérapie génique (dystrophie cristalline de Bietti)

puliretgén parvec

vector de virus adenoasociado del serotipo 8, recombinante (rAAV8), no replicativo, que codifica el miembro 2 de la subfamilia V, familia 4 del citocromo P450 (CYP4V2) bajo el control de un potenciador inmediato-temprano de citomegalovirus (CMV), promotor de la β-actina de pollo y un intrón sintético, y una señal de poliadenilación de la somatotropina bovina; flanqueado por las repeticiones terminales invertidas del AAV2
terapia génica (distrofia cristalina de Bietti)

2923507-02-0

pumitamigum #

pumitamig immunoglobulin (H-gamma1-VH_L-kappa) dimer, anti-[*Homo sapiens* VEGFA (vascular endothelial growth factor A, VEGF-A, VEGF)] and anti-[*Homo sapiens* CD274 (programmed cell death 1 ligand 1, PDL1, PD-L1, B7 homolog 1, B7H1, B7-H1, PDCD1LG1)], humanized monoclonal antibody, bispecific, tetravalent;
H-gamma1 heavy chain anti-VEGFA fused to a VH anti-CD274 (1-578) [H-gamma1 heavy chain anti-VEGFA humanized (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.9.16] (26-33.51-59.97-112)) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2(CH1 K120 (220) (124-221), hinge 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K2>del (452) (124-452)] -11-mer bis(tetraglycyl-seryl)-glycyl linker (453-463) -VH anti-CD274 humanized (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.0%) W113>K (568), M118>Q (573), CDR-IMGT [8.8.8] (489-496.514-521.560-567)) (464-578)]; (226-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (232-232":235-235")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-S, glycoform alfa
immunossupressant, antineoplastic

pumitamig immunoglobuline (H-gamma1-VH_L-kappa) dimère, anti-[*Homo sapiens* VEGFA facteur de croissance A de l'endothélium vasculaire, VEGF-A, VEGF)] et anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligand 1 de la protéine 1 de mort cellulaire programmée, PDL1, PD-L1, homologue B7.1, PDCD1LG1)], anticorps monoclonal humanisé, bispécifique, tétravalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-VEGFA fusionnée à un VH anti-CD274 (1-578) [chaine lourde H-gamma1 anti-VEGFA humanisée (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.9.16] (26-33.51-59.97-112)) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2(CH1 K120 (220) (124-221), charnière 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K2>del (452) (124-452)] -11-mer bis(tétraglycyl-séryl)-glycyl linker (453-463) -VH anti-CD274 humanisée (*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.0%) W113>K (568), M118>Q (573), CDR-IMGT [8.8.8] (489-496.514-521.560-567)) (464-578)]; (226-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (232-232":235-235")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-S, glycoforme alfa
immunosuppresseur, antinéoplasique

pumitamig inmunoglobulina (H-gamma1-VH_L-kappa) dímero, anti-[*Homo sapiens* VEGFA factor de crecimiento A del endotelio vascular, VEGF-A, VEGF)] y anti-[*Homo sapiens* CD274 (ligando 1 de la proteína 1 de muerte celular programada, PDL1, PD-L1, homólogo B7.1, PDCD1LG1)], anticuerpo monoclonal humanizado, biespecífico, tetravalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-VEGFA fusionada con un VH anti-CD274 (1-578) [cadena pesada H-gamma1 anti-VEGFA humanizada (1-452) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-30*02 (76.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (93.3%), CDR-IMGT [8.9.16] (26-33.51-59.97-112)) (1-123)-*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 6-G1v14 CH2 A1.3, A1.2(CH1 K120 (220) (124-221), bisagra 1-15 (222-236), CH2 L1.3>A (240), L1.2>A (241) (237-346), CH3 D12 (362), L14 (364) (347-451), CHS K2>del (452) (124-452)] -11-mer bis(tetraglicil-seril)-glicil enlace (453-463) -VH anti-CD274 humanizada

(*Homo sapiens* IGHV3-74*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.0%) W113>K (568), M118>Q (573), CDR-IMGT [8.8.8] (489-496.514-521.560-567)) (464-578)]; (226-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-16*01 (88.4%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (232-232":235-235")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-S, forma glicosilada alfa

2999726-97-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada:
H-gamma1 anti-VEGFA fused to VH anti-CD274 (H, H")

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGYTFT NYGMNWVRQA PGKGLEWVGW  50
INTYTGEPTY AADFKRRFTF SLDTSKSTAY LQMNSLRAED TAVYYCAKYP 100
HYYGSSHWYF DVWGQGTLVT VSSASTKGPS VFPLAPSSKS TSGGTAALGC 150
LVKDYFPEPV TVSWNSGALT SGVHTFPAVL QSSGLYSLSS VVTVPSSSLG 200
TQTYICNVNH KPSNTKVDKK VEPKSCDKTH TCPPCPAPEA AGGPSVFLFP 250
PKPKDTLMIS RTPEVTCVVV DVSHEDPEVK FNWYVDGVEV HNAKTKPREE 300
QYNSTYRVVS VLTVLHQDWL NGKEYKCKVS NKALPAPIEK TISKAKGQPR 350
EPQVYTLPPS RDELTKNQVS LTCLVKGFYP SDIAVEWESN GQPENNYKTT 400
PPVLDSDGSF FLYSKLTVDK SRWQQGNVFS CSVMHEALHN HYTQKSLSLS 450
PGGGGGSGGG GSGEVQLQES GGGLVQPGGS LRLSCAASGF TFSSYWMYWL 500
RQAPGKGLEW VSSINSDSSS TYYRDSVKGR FTISRDNAKN TLYLQMNSLK 550
SEDTAVYYCA KDPGGYAKGQ GTQVTVSS                         578
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa : anti-VEGFA (L', L''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCSASQDIS NYLNWYQQKP GKAPKVLIYF  50
TSSLHSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YSTVPWTFGQ 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 150-206 267-327 373-431 485-559
22"-96" 150"-206" 267"-327" 373"-431" 485"-559"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Intra-H-L (h 5-CL 126) 226-214' 226"-214'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 232-232" 235-235"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 303, 303"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

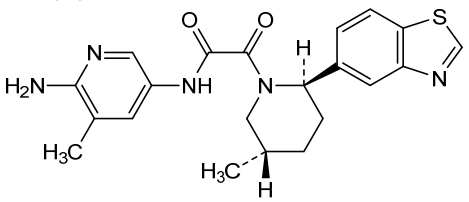
ralometostatum

ralometostat *N*-(6-amino-5-methylpyridin-3-yl)-2-[(2*R*,5*S*)-2-(1,3-benzothiazol -5-yl)-5-methylpiperidin-1-yl]-2-oxoacetamide
antineoplastic

ralométostat *N*-(6-amino-5-méthylpyridin-3-yl)-2-[(2*R*,5*S*)-2-(1,3-benzothiazol-5-yl)-5-methylpiperidin-1-yl]-2-oxoacetamide
antinéoplasique

ralometostat *N*-(6-amino-5-metilpiridin-3-il)-2-[(2*R*,5*S*)-2-(1,3-benzotiazol-5-il)-5-metilpiperidin-1-il]-2-oxoacetamida
antineoplásico

$C_{21}H_{23}N_5O_2S$ 2760481-53-4



ramantamigum #

ramantamig immunoglobulin (H-gamma1-scFvkh_L-lambda2)_scFvkh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (G protein-coupled receptor class C group 5 member D)] and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (tumor necrosis factor (TNF) receptor superfamily member 17, B cell maturation antigen, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; trispecific, trivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-CD3E fused to a scFvkh anti-GPRC5D (1-721) [H-gamma1 heavy chain anti-CD3E *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.10] (26-35.53-61.100-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (217) (121-218), hinge 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), D27>S (268) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438), Y116>F (439) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -20-mer tetrakis(tetraglycyl-seryl) linker (451-470) -scFvkh anti-GPRC5D *Homo sapiens* (471-721) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (99.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (497-507.525-527.564-572)) (471-582) -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (583-602) -VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*04 (93.9%) -IGHD -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (628-637.655-661.700-710)) (603-721)]]; (223-215')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-CD3E *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (84.8%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];
fused heavy chain scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1"-484") [scFvkh anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1"-252") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.10] (27"-33".51"-53".90"-99")) (1"-109") -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (110"-129") -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.8.16] (155"-162".180"-187".226"-241")) (130"-252")] -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 15-G1v37 hinge S5 [(hinge 1-15 C5>S(257") (253"-267"), CH2 L1.3>A (271"), L1.2>A (272"), D27>S (302") (268"-377"), CH3 E12 (393"), M14 (395"), T22>W (403") (378"-482"), CHS (483"-484")) (253"-484")]]; dimer (229-263": 232-266")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antineoplastic

ramantamig immunoglobuline (H-gamma1-scFvkh_L-lambda2)_ scFvkh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)], anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (membre D du groupe 5 de la classe C des récepteurs couplés aux protéines G)] and anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (membre 17 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNF), antigène de maturation de cellule B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; trispécifique, trivalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-CD3E fusionnée à un scFvkh anti-GPRC5D (1-721) [H-gamma1 heavy chain anti-CD3E *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.10] (26-35.53-61.100-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (217) (121-218), charnière 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), D27>S (268) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438), Y116>F (439) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -20-mer tétrakis(tétraglycyl-séryl) linker (451-470) -scFvkh anti-GPRC5D *Homo sapiens* (471-721) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (99.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (497-507.525-527.564-572)) (471-582) -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (583-602) -VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*04 (93.9%) -IGHD -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (628-637.655-661.700-710)) (603-721)]]; (223-215')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-CD3E *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (84.8%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];

chaîne lourde fusionnée scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1''-484'') [scFvkh anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1''-252'') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.10] (27''-33''.51''-53''.90''-99'')) (1''-109'') -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) linker (110''-129'') -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.8.16] (155''-162''.180''-187''.226''-241'')) (130''-252'')] -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 15-G1v37 charnière S5 [(charnière 1-15 C5>S(257'') (253''-267''), CH2 L1.3>A (271''), L1.2>A (272''), D27>S (302'') (268''-377''), CH3 E12 (393''), M14 (395''), T22>W (403'') (378''-482''), CHS (483''-484'')) (253''-484'')]]; dimère (229-263'': 232-266'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antinéoplasique

ramantamig

inmunoglobulina (H-gamma1-scFvkh_L-lambda2)_ scFvkh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)], anti-[*Homo sapiens* GPRC5D (miembro D del grupo 5 de la clase C de los receptores acoplados a proteínas G)] y anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (miembro 17 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNF), antígeno de maduración de célula B, BCMA, TNFRSF13A, CD269)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; triespecífico, trivalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-CD3E fusionada con un scFvkh anti-GPRC5D (1-721) [H-gamma1 cadena pesada anti-CD3E *Homo sapiens* (1-450) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (88.1%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.10] (26-35.53-61.100-109)) (1-120)-*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 10-G1v83 CH3 R115, F116 (CH1 R120>K (217) (121-218), bisagra 1-15 (219-233), CH2 L1.3>A (237), L1.2>A (238), D27>S (268) (234-343), CH3 E12 (359), M14 (361), T22>S (369), L24>A (371), Y86>V (410), H115>R (438), Y116>F (439) (344-448), CHS (449-450)) (121-450)] -20-mer tetrakis(tetraglicil-seril) enlace (451-470) -scFvkh anti-GPRC5D *Homo sapiens* (471-721) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV2-24*01 (99.0%) -IGKJ2*02 (100%), CDR-IMGT [11.3.9] (497-507.525-527.564-572)) (471-582) -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) enlace (583-602) -VH (*Homo sapiens* IGHV2-26*04 (93.9%) -IGHD -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [10.7.11] (628-637.655-661.700-710)) (603-721)]]; (223-215')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-CD3E *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-23*02 (84.8%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')];
cadena pesada fusionada scFvkh-G1(h-CH2-CH3) anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1''-484'') [scFvkh anti-TNFRSF17 *Homo sapiens* (1''-252'') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (94.8%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.10] (27''-33''.51''-53''.90''-99'')) (1''-109'') -20-mer (GGSEGKSSGSGSESKSTGGS) enlace (110''-129'') -[VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (94.4%), CDR-IMGT [8.8.16] (155''-162''.180''-187''.226''-241'')) (130''-252'')] -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, nG1m1 CH3 E12, M14, 6-G1v14-67 CH2 A1.3, A1.2, S27, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 15-G1v37 bisagra S5 [(bisagra 1-15 C5>S(257'') (253''-267''), CH2 L1.3>A (271''), L1.2>A (272''), D27>S (302'') (268''-377''), CH3 E12 (393''), M14 (395''), T22>W (403'') (378''-482''), CHS (483''-484'')) (253''-484'')]]; dímero (229-263'': 232-266'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antineoplásico

2988886-91-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused H-gamma1 anti-CD3E -scFvkh anti-GPRC5D (H) (hole)

```
QVQLQQSGPR LVRPSQTLSL TCAISGDSVF NNNAAWSWIR QSPSRGLEWL  50
GRTYYRSKWL YDYAVSVKSR ITVNPDTSRN QFTLQLNSVT PEDTALYYCA 100
RGYSSSFDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSG GTAALGCLVK 150
DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT VPSSSLGTQT 200
YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSCDKTHTCP PCPAPEAAGG PSVFLFPPKP 250
KDTLMISRTP EVTCVVVSVS HEDPEVKFNW YVDGVEVHNA KTKPREEQYN 300
STYRVVSVLT VLHQDWLNGK EYKCKVSNKA LPAPIEKTIS KAKGQPREPQ 350
VYTLPPSREE MTKNQVSLSC AVKGFYPSDI AVEWESNGQP ENNYKTTPPV 400
LDSDGSFFLV SKLTVDKSRW QQGNVFSCSV MHEALHNRFT QKSLSLSPGK 450
GGGGSGGGGS GGGGSGGGGS DIVMTQTPLS SPVTLGQPAS ISCRSSQSLV 500
HSDGNTYLSW LQQRPGQPPR LLIYKISNRF FGVPDRFSGS GAGTDFTLKI 550
SRVEAEDVGV YYCMQATQFP HTFGQGTKLE IKGGSEGKSS GSGSESKSTG 600
GSQVTLKESG PVLVKPTETL TLTCTVSGFS LTNIRMSVSW IRQPPGKALE 650
WLAHIFSNDE KSYSTSLKSR LTISRDTSKS QVVLTLTNVD PVDTATYYCA 700
RMRLPYGMDV WGQGTTVTVS S                                721
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-CD3E (L')

```
QSALTQPASV SGSPGQSITI SCTGTSSNIG TYKFVSWYQQ HPDKAPKVLL  50
YEVSKRPSGV SSRFSGSKSG NTASLTISGL QAEDQADYHC VSYAGSGTLL 100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTPSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS                                     216
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused scFvkh anti-TNFRSF17 -G1(h-CH2-CH3) (H") (knob)

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSIS SSFLTWYQQK PGQAPRLLIY  50
GASSRATGIP DRFSGGGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ HYGSSPMYTF 100
GQGTKLEIKG GSEGKSSGSG SESKSTGGSE VQLLESGGGL VQPGGSLRLS 150
CAASGFTFSS YAMSWVRQAP GKGLEWVSAI SGSGGSTYYA DSVKGRFTIS 200
RDNSKNTLYL QMNSLRAEDT AVYYCAKDEG YSSGHYYGMD VWGQGTTVTV 250
SSEPKSSDKT HTCPPCPAPE AAGGPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV 300
VSVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW 350
LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP SREEMTKNQV 400
SLWCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD 450
KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL SPGK                  484
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-99 147-203 264-324 370-428 493-563 624-699
23"-89" 151"-225" 298"-358" 404"-462"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'

Intra-H-L (h 5-CL 126) 223-215'

Inter-H-H (h 11, h 14) 229-263" 232-266"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1

L VL V-LAMBDA Q1: 1'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 300, 334"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 484"

ranicabtagenum autoleucelum #

ranicabtagene autoleucel autologous T lymphocytes obtained from peripheral blood mononuclear cells by leukapheresis, transduced with a non-replicating gamma-retroviral vector, encoding a chimeric antigen receptor targeting CD19, comprising a CD8α signal peptide, an anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) (derived from clone FMC63), a CD8α hinge, a CD28 transmembrane region, an intracellular CD28 co-stimulatory and a CD3ζ signalling domain. The construct is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs), derived from the myeloproliferative sarcoma virus (MPSV) and the murine embryonic stem cell virus (MESV), which contain a 5' LTR promoter and 3' LTR termination sequence. The vector also contains a psi packaging signal and is pseudotyped with gibbon ape leukemia virus (GALV) Env glycoprotein.

The leukapheresis material is enriched for CD3+ T lymphocytes by positive immunoselection, prior to activation with CD3 and CD28 agonists. The cells are then transduced with the retroviral vector and expanded in media containing interleukin 2 (IL-2). The T lymphocytes (≥ 90%) are positive for the transgene (≥20% CAR positive), express CD107a (≥20%) and demonstrate cytotoxicity towards CD19 expressing cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

ranicabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus à partir de cellules mononucléaires du sang périphérique par leucaphérèse, transduits avec un vecteur gamma-rétroviral non réplicatif, codant un récepteur antigénique chimérique ciblant CD19, comprenant un peptide signal CD8α, un fragment variable à chaîne unique anti-CD19 (scFv) (dérivé du clone FMC63), une charnière CD8α, une région transmembranaire CD28, un domaine intracellulaire de co-stimulation CD28 et un domaine de signalisation CD3ζ. La construction est flanquée de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et en 3', dérivées du virus du sarcome myéloprolifératif (MPSV) et du virus des cellules souches embryonnaires murines (MESV), qui contiennent un promoteur LTR en 5', et une séquence de terminaison LTR en 3'. Le vecteur contient également un signal d'emballage ψ et est pseudotypé avec la glycoprotéine Env du virus de la leucémie du singe gibbon (GALV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD3+ par immunosélection positive, avant activation avec des agonistes CD3 et CD28. Les cellules sont ensuite transduites avec le vecteur rétroviral et expansées dans un milieu contenant de l'interleukine 2 (IL-2). Les lymphocytes T (≥90%) sont positifs pour le transgène (≥20% RAC positifs), expriment CD107a (≥20%) et présentent une cytotoxicité envers les cellules exprimant CD19
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

ranicabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos obtenidos de células mononucleares de sangre periférica por leucoaféresis, transducidos con un vector gamma retroviral, no replicativo, que codifica un receptor de antígenos quimérico dirigido a CD19, que consta de un péptido señal de CD8α, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD19 (derivado del clon FMC63), una bisagra de CD8α, una región transmembrana de CD28, un dominio intracelular coestimulador de CD28 y un dominio de señalización de CD3ζ. El constructo está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3', derivadas del virus del sarcoma mieloproliferativo (MPSV) y del virus de células madre embrionarias murino (MESV), que contienen un promotor 5' LTR y una secuencia de terminación 3' LTR. El vector también contiene una señal de empaquetamiento psi y está seudotipado con la glicoproteína Env del virus de la leucemia del Gibón (GALV).
El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD3+ mediante inmunoselección antes de la activación con agonistas de CD3 y CD28. Las células se transducen a continuación con el vector retroviral y se expanden en medio que contiene interleuquina 2 (IL-2). Los linfocitos T (≥90%) son positivos para el transgén (≥20% CAR positivos), expresan CD107a (≥20%) y muestran citotoxicidad frente células que expresan CD19
terapia génica basada en células (antineoplásico)

rapaprutugum #

rapaprutug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KARS1 (lysyl-tRNA synthetase 1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-217')-disulfide with V-lambda-C-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (88.5%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimer (225-225":228-228")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa *anti-inflammatory*
rapaprutug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KARS1 (lysyl-ARNt synthétase 1)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-217')-disulfure avec la chaîne légère V-lambda-C-kappa *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (88.5%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dimère (225-225":228-228")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa *anti-inflammatoire*
rapaprutug	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KARS1 (lisil-ARNt sintetasa 1)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*01 (92.9%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 (230-339), CH3 D12 (355), L14 (357) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-217')-disulfuro con la cadena ligera V-lambda-C-kappa *Homo sapiens* (1'-217') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-47*02 (88.5%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.3.11] (26'-33'.51'-53'.90'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (156'), V101 (194')) (111'-217')]; dímero (225-225":228-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa *antiinflamatorio*

2994192-38-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H") H-gamma1

```
EVQLLESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYDMSWVRQA PGKGLEWVSA  50
ISPYSGRIYY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARMA 100
LDFDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKKVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAP IEKTISKAKG QPREPQVYTL 350
PPSRDELTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY KTTPPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK     446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L'") V-lambda-C-kappa

```
QSVLTQPPSA SGTPGQRVTI SCTGSSSNIG SNYVTWYQQL PGTAPKLLIY  50
DNSNRPSGVP DRFSGSKSGT SASLAISGLQ SEDEADYYCS SFSDELGAYV 100
FGGGTKLTVL RTVAAPSVFI FPPSDEQLKS GTASVVCLLN NFYPREAKVQ 150
WKVDNALQSG NSQESVTEQD SKDSTYSLSS TLTLSKADYE KHKVYACEVT 200
HQGLSSPVTK SFNRGEC                                     217
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 22'-89' 137'-197'
22'"-89'" 137'"-197'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-217' 219"-217'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1'"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 446, 446"

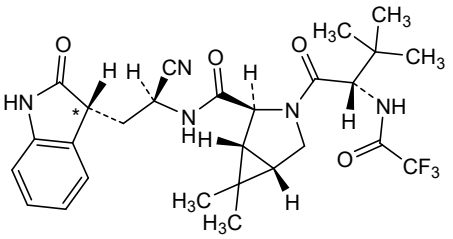
ratutrelvirum

ratutrelvir — (1*R*,2*S*,5*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[(3*RS*)-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-indol-3-yl]ethyl}-3-[(2*S*)-3,3-dimethyl-2-(2,2,2-trifluoroacetamido)butanoyl]-6,6-dimethyl-3-azabicyclo[3.1.0]hexane-2-carboxamide
protease inhibitor, antiviral

ratutrelvir — (1*R*,2*S*,5*S*)-*N*-{(1*S*)-1-cyano-2-[(3*RS*)-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-indol-3-yl])éthyl}-3-[(2*S*)-3,3-diméthyl-2-(2,2,2-trifluoroacétamido)butanoyl]-6,6-diméthyl-3-azabicyclo[3.1.0]hexane-2-carboxamide
inhibiteur de protéase, antiviral

ratutrelvir — (1*R*,2*S*,5*S*)-*N*-{(1*S*)-1-ciano-2-[(3*RS*)-2-oxo-2,3-dihidro-1*H*-indol-3-il])etil}-3-[(2*S*)-3,3-dimetil-2-(2,2,2-trifluoroacetamido)butanoil]-6,6-dimetil-3-azabiciclo[3.1.0]hexano-2-carboxamida
inhibidor de la proteasa, antiviral

$C_{27}H_{32}F_3N_5O_4$ 2929236-94-0



and epimer at C*
et l'épimère en C*
el epímero al C*

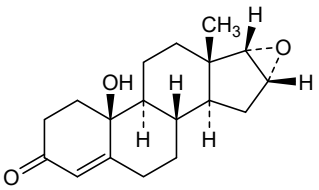
refisolonum

refisolone 10-hydroxy-16α,17α-epoxyestr-4-en-3-one
$GABA_A$ receptor antagonist, migraine

réfisolone 10-hydroxy-16α,17α-époxyestr-4-én-3-one
antagoniste des récepteurs $GABA_A$, migraine

refisolona 10-hidroxi-16α,17α-epoxiestr-4-en-3-ona
antagonista de los receptores $GABA_A$, migraña

$C_{18}H_{24}O_3$ 202718-04-5



retavibartum #

retavibart immunoglobulin G1-kappa, anti-[human respiratory syncytial virus (RSV) fusion glycoprotein F], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (224) (128-225), hinge 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (92.6%) -IGKJ5*01 (91.7%) I126>N (107'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98'))(1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (236-236":239-239")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antiviral

rétavibart immunoglobuline G1-kappa, anti-[glycoprotéine de fusion F du virus respiratoire syncytial (VRS) humain], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.20]

(26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (224) (128-225), charnière 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (92.6%) -IGKJ5*01 (91.7%) I126>N (107'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (236-236":239-239")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antiviral

retavibart — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[glicoproteína de fusión F del virus respiratorio sincitial (VRS) humano], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-457) [VH (*Homo sapiens* IGHV5-51*01 (86.7%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.20] (26-33.51-58.97-116)) (1-127) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v24 CH3 L107, S114 (CH1 R120 (224) (128-225), bisagra 1-15 (226-240), CH2 (241-350), CH3 E12 (366), M14 (368), M107>L (438), N114>S (444) (351-455), CHS (456-457)) (128-457)], (230-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (92.6%) -IGKJ5*01 (91.7%) I126>N (107'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (236-236":239-239")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiviral

3023741-03-6

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVQSGAE VKKPGESLKI SCQGSGYSFN NYYIGWVRQM PGKGLEWMVI  50
IYPGDSDTKY SPSFQGQVTV SADRSINTAY LQWSSLRASD TAVYYCVRMD 100
TVTTGAGVGF NWFFDLWGRG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA 150
ALGCLVKDYF PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS 200
SSLGTQTYIC NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV 250
FLFPPKPKDT LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK 300
PREEQYNSTY RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK 350
GQPREPQVYT LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN 400
YKTTPPVLDS DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVLHE ALHSHYTQKS 450
LSLSPGK                                               457
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASQSVT SYLAWYQQKP GQAPRLLIYG  50
ASSRATGVPA RFSGSGSETE FTLTISSLQS EDFAVYYCQQ YNDWPAITFG 100
QGTRLENKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                      215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-96	154-210	271-331	377-435
	22"-96"	154"-210"	271"-331"	377"-435"
Intra-L (C23-C104)	23'-88'	135'-195'		
	23'"-88'"	135'"-195'"		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	230-215'	230"-215'"		
Inter-H-H (h 11, h 14)	236-236"	239-239"		

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1:1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4:307, 307"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2:457, 457"

retogateinum #

retogatein — $N^{2.1}$-acetyl-[des-N-terminal methionyl]-glutamate decarboxylase 2 (*Homo sapiens*) (GAD2, 65 kDa glutamic acid decarboxylase, glutamate decarboxylase 65 kDa isoform, GAD65, EC:4.1.1.15), produced in *Spodoptera frugiperda* insect cells (cell line Sf9)
glutamate decarboxylase 2 (GAD2), immunomodulator

rétogatéine — $N^{2.1}$-acétyl-[des-méthionyle N-terminal]-glutamate décarboxylase 2 (*Homo sapiens*) (GAD2, 65 kDa acide glutamique décarboxylase, glutamate décarboxylase isoforme 65 kDa, GAD65, EC:4.1.1.15), produite par cellules d'insectes *Spodoptera frugiperda* (ligne cellulaire Sf9)
glutamate décarboxylase-2 (GAD2), immunomodulateur

retogateína — $N^{2.1}$-acetil-[des-metionilo N-terminal]-glutamato decarboxilasa 2 (*Homo sapiens*) (GAD2, 65 kDa ácido glutamico decarboxilasa, glutamato decarboxylasa isoforma 65 kDa, GAD65, EC:4.1.1.15), producido en células de insecto *Spodoptera frugiperda* (línea celular Sf9)
decarboxilasa 2 del glutamato (GAD2), inmunomodulador

2938906-46-6

Sequence / Séquence / Secuencia

```
ASPGSGFWSF GSEDGSGDSE NPGTARAWCQ VAQKFTGGIG NKLCALLYGD    50
AEKPAESGGS QPPRAAARKA ACACDQKPCS CSKVDVNYAF LHATDLLPAC   100
DGERPTLAFL QDVMNILLQY VVKSFDRSTK VIDFHYPNEL LQEYNWELAD   150
QPQNLEEILM HCQTTLKYAI KTGHPRYFNQ LSTGLDMVGL AADWLTSTAN   200
TNMFTYEIAP VFVLLEYVTL KKMREIIGWP GGSGDGIFSP GGAISNMYAM   250
MIARFKMFPE VKEKGMAALP RLIAFTSEHS HFSLKKGAAA LGIGTDSVIL   300
IKCDERGKMI PSDLERRILE AKQKGFVPFL VSATAGTTVY GAFDPLLAVA   350
DICKKYKIWM HVDAAWGGGL LMSRKHKWKL SGVERANSVT WNPHKMMGVP   400
LQCSALLVRE EGLMQNCNQM HASYLFQQDK HYDLSYDTGD KALQCGRHVD   450
VFKLWLMWRA KGTTGFEAHV DKCLELAEYL YNIIKNREGY EMVFDGKPQH   500
TNVCFWYIPP SLRTLEDNEE RMSRLSKVAP VIKARMMEYG TTMVSYQPLG   550
DKVNFFRMVI SNPAATHQDI DFLIEEIERL GQDL                    582
```

Post-translational modifications

Removal of N-terminal methionyl
M^0>del

Disulfide bridge location / Position du pont disulfure / Posición del puente disulfuro
162-303 (rarely 162-403 or 303-403)

N-Acetylation site / Site de N-acétylation / Posición de N-acetilación
A1 = *N*-acetyl-L-alanyl

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
none / aucun / ninguna

K^{395} = N^6-(pyridoxal phosphate)-Lys

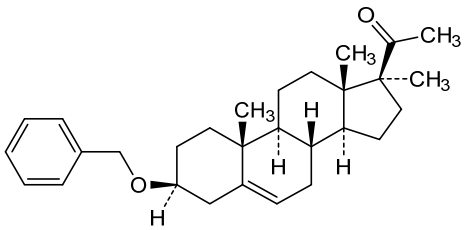
rezosiconum

rezosicone — 3β-(benzyloxy)-17-methylpregn-5-en-20-one
cannabinoid CB1 receptor signalling inhibitor

rézosicone — 3β-(benzyloxy)-17-méthylprégn-5-én-20-one
inhibiteur de signalisation du récepteur cannabinoïde CB1

rezosicona — 3β-(benciloxi)-17-metilpregn-5-en-20-ona
inhibidor de la señalización del receptor cannabinoide CB1

$C_{29}H_{40}O_2$ 1414777-24-4



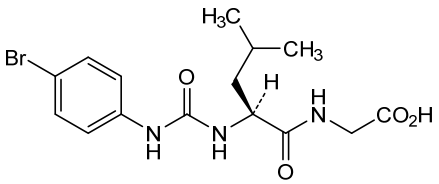
rezuforimodum

rezuforimod — *N*-[(4-bromophenyl)carbamoyl]-L-leucylglycine
N-formyl peptide receptor 1 and 2 agonist, anti-inflammatory

rézuforimod — *N*-[(4-bromophényl)carbamoyl]-L-leucylglycine
agoniste des récepteurs 1 et 2 du N-formyl peptide, anti-inflammatoire

rezuforimod — *N*-[(4-bromofenil)carbamoil]-L-leucilglicina
agonista de los receptores N-formil péptido 1 y 2, antiinflamatorio

$C_{15}H_{20}BrN_3O_4$ 1431754-15-2



ricefidasum #

ricefidase — L-methionyl (1)-IgG endopeptidase (immunoglobulin G-degrading endopeptidase) of *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* strain H70 (ideE, ideZ), fragment 19-315 (2-298 in the actual sequence); produced by *Escherichia coli*; non-glycosylated
immunosuppressant

ricéfidase — L-méthionyl (1)-IgG endopeptidase (endopeptidase qui dégrade l'immunoglobuline G, Ide) de *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* souche H70 (ideE, ideZ), fragment 19-315 (2-298 dans la séquence actuelle); produite par *Escherichia coli*; non-glycosylée
immunosuppresseur

ricefidasa — L-metionil (1)-IgG endopeptidasa (endopeptidasa que degrada la inmunoglobulina G) de *Streptococcus equi* subsp. *zooepidemicus* cepa H70 (ideE, ideZ), fragmento 19-315 (2-298 en la secuencia actual); producida por *Escherichia coli*; no glicosilada
inmunosupresor

3004804-10-5

Sequence / Séquence / Secuencia

```
MITSVWTKGV TPLTPEQFRY NNEDVIHAPY LAHQGWYDIT KAFDGKDNLL    50
CGAATAGNML HWWFDQNKTE IEAYLSKHPD KQKIIFNNQE LFDLKAAIDT   100
KDSQTNSQLF NYFRDKAFPN LSARQLGVMP DLVLDMFING YYLNVFKTQS   150
TDVNRPYQDK DKRGGIFDAV FTRGDQTTLL TARHDLKNKG LNDISTIIKQ   200
ELTEGRALAL SHTYANVSIS HVINLWGADF NAEGNLEAIY VTDSDANASI   250
GMKKYFVGIN AHGHVAISAK KIEGENIGAQ VLGLFTLSSG KDIWQKLS     298
```

Mutation / Mutation / Mutación

Q^{18}>$\underline{M}^{1}$

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
none / aucune / ninguna

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
none / aucun / ninguna

rinvaterceptum #

rinvatercept

glycyl (1)-chimeric N-terminal (1-108)-peptide (2-109) combined from the sequences of the extracellular domains of the human activin type 2A and 2B receptors (ACTR-2A/B, ACVR2A/B, activin receptor type IIA/B, ACTR-IIA/B, EC:2.7.11.30), fused via a G_3 peptide linker (110-112) to an immunoglobulin G1 (IgG1) Fc fragment (h-CH2-CH3-CHS domains)(113-339) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (hinge (113-122), CH2 (123-232), CH3 (233-337), CHS (338-339))], dimer (118-118':121-121')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells; glycoform alfa
activin receptor type 2_A and 2_B ligand trap, neuromuscular diseases

rinvatercept

glycyl (1)-(1-108)-peptide N-terminal chimérique (2-109) combiné à partir des séquences des domaines extracellulaires des récepteurs d'activine de types 2A et 2B humains (ACTR-2A/B, ACVR2A/B, récepteur d'activine de type IIA/B, ACTR-IIA/B, EC:2.7.11.30), fusionné, via un coupleur peptidique G_3 (110-112), à un fragment Fc de l'immunoglobuline G1 (IgG1) (domaines h-CH2-CH3-CHS) (113-339) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (charnière (113-122), CH2 (123-232), CH3 (233-337), CHS (338-339))], dimère (118-118',121-121')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO); glycoforme alfa
piège à ligands des récepteurs d'activine de type 2_A et 2_B, maladies neuromusculaires

rinvatercept

glicil (1)-(1-108)-péptido N-terminal quimérico (2-109) combinado a partir de las secuencias de los dominios extracelulares de los receptores de activina de tipos 2A y 2B humanos (ACTR-2A/B, ACVR2A /B, receptor de activina tipo IIA/B, ACTR-IIA/B, EC:2.7.11.30), fusionado mediante un enlazador peptídico G_3 (110-112) a un fragmento Fc de la inmunoglobulina G1 (IgG1) (dominios h-CH2-CH3-CHS) (113-339) [*Homo sapiens* IGHG1*01 (bisagra (113-122), CH2 (123-232), CH3 (233-337), CHS (338-339))]; dímero (118-118',121-121')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO); glicoforma alfa
trampa de ligando del receptor de activina de tipo 2_A y 2_B, enfermedades neuromusculares

2996105-98-5

Sequence / Séquence / Secuencia

```
GAILGRSETQ ECIYYNANWE LERTNQSGLE RCEGEQDKRL HCYASWRNSS    50
GTIEIVKQGC WLDDFNCYDR TDCVEKKDSP QVYFCCCEGN MCNEKFSYFP   100
EMEVTQPTSG GGDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK DTLMISRTPE   150
VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS TYRVVSVLTV   200
LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV YTLPPSRDEL   250
TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL DSDGSFFLYS   300
KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK               339
```

Chimeric peptide / Peptide chimérique / Péptido quimérico
ACTR-2A: ***1-10***, ***53-64***, ***66-80***, ***82-109***
ACTR-2B: 11-52, 65, 81

Peptide linker / Peptide liant / Péptido de unión
^{110}*GGG*^{112}

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
ActRIIA/B: 12-42 32-60 67-86 73-85 87-92 IgG1 Fc: 153-213 259-317
12'-42' 32'-60' 67'-86' 73'-85' 87'-92' 153'-213' 259'-317'
inter-IgG1 Fc: 118-118' 121-121'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
ActRIIA/B: N25, N48, N25', N48'; IgG1 Fc: N189, N189'

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
IgG1 Fc: T115, S131, T115', S131'

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
K339, K339'

ristoglogenum autogetemcelum #

ristoglogene autogetemcel

autologous CD34+ hematopoietic stem and progenitor cells (HSPCs) obtained from peripheral blood by leukapheresis, genetically modified *ex vivo* by electroporation of a guide RNA (gRNA) that targets the two γ-globin gene (*HBG1* and *HBG2*) promotors and a messenger RNA (mRNA) that encodes the adenine base editor 8.8 (ABE8.8). When introduced into CD34+ cells by electroporation the gRNA binds to the translated ABE8.8 protein, which targets the promoter regions of *HBG1* and *HBG2*, resulting in adenine to inosine modifications which subsequently leads to an A to G change.
The ABE8.8 mRNA is composed of three parts: (i) an impaired form of the *Streptococcus pyogenes* CRISPR-associated nuclease Cas9, referred to as Cas9 D10A nickase (nCas9-D10A), (ii) an *Escherichia coli* derived TadA deaminase that catalyses the adenosine to inosine conversion within a small activity window along the exposed, single-stranded DNA (ssDNA) formed within the R-loop, (iii) a C-terminal nuclear localization signal (NLS).
The cell suspension is enriched for CD34+ cells using magnetic bead separation. Following electroporation, the cells are cultured in media containing thrombopoietin, Fms-related tyrosine kinase 3 ligand (Flt3L), and stem cell factor (SCF). The substance consists of cells with ≥85% CD45+ and ≥75% CD34+ purity and ≥75% on-target editing.
cell-based gene therapy (hemoglobinopathy)

ristoglogène autogétemcel

cellules souches et progénitrices hématopoïétiques (CSPH) autologues CD34+, obtenues à partir de sang périphérique par leucaphérèse, génétiquement modifiées *ex vivo* par électroporation d'un ARN guide (ARNg) ciblant les deux

promoteurs du gène de la γ-globine (*HBG1* et *HBG2*) et un ARN messager (ARNm) qui code l'éditeur de bases d'adénine 8.8 (ABE8.8). Lorsqu'il est introduit dans les cellules CD34+ par électroporation, l'ARNg se lie à la protéine ABE8.8 traduite, qui cible les régions promotrices de *HBG1* et *HBG2*, entraînant des modifications de l'adénine en inosine, qui conduisent ensuite à un changement A>G.
L'ARNm ABE8.8 est composé de trois parties: (i) une forme altérée de la nucléase Cas9 associée à CRISPR de *Streptococcus pyogenes*, appelée Cas9 D10A nickase (nCas9-D10A); (ii) une désaminase TadA dérivée d'*Escherichia coli* qui catalyse la conversion de l'adénosine en inosine, dans une petite fenêtre d'activité le long de l'ADN simple brin (ADNsb) exposé formé dans la boucle R; (iii) un signal de localisation nucléaire C-terminal (SLN).
La suspension cellulaire est enrichie en cellules CD34+ par séparation des billes magnétiques. Après l'électroporation, les cellules sont cultivées dans un milieu contenant de la thrombopoïétine, du ligand de la tyrosine kinase 3 lié au Fms (Flt3L) et du facteur de cellules souches (FCS). La substance est constituée de cellules avec une pureté ≥85% CD45+ et ≥75% CD34+ et une édition sur cible ≥75%.
thérapie génique à base de cellules (hémoglobinopathie)

ristoglogén autogetemcel

células madre y progenitoras hematopoyéticas (HSPC) CD34+ autólogas, obtenidas de sangre periférica mediante leucoaféresis, modificadas genéticamente *ex vivo* mediante electroporación de un ARN guía (ARNg) dirigido a los promotores de los dos genes de la γ-globina (*HBG1* y *HBG2*) y un ARN mensajero (ARNm) que codifica el editor de bases de adenina 8.8 (ABE8.8). Cuando se introduce en las células CD34+ mediante electroporación, el ARNg se une a la proteína ABE8.8 traducida, la cual se dirige a las regiones promotoras de *HBG1* y *HBG2*, resultando en modificaciones de adenina a inosina que posteriormente conduce a un cambio de A a G.
El ARNm de ABE8.8 está compuesto por tres partes: (i) una forma dañada de la nucleasa Cas9 asociada a CRISPR de *Streptococcus pyogenes*, referida como nicasa Cas9 D10A (nCas9-D10A), (ii) una deaminasa TadA derivada de *Escherichia coli* que cataliza la conversión de adenosina a inosina en una pequeña ventana de actividad a lo largo del ADN de cadena sencilla (ssADN) que se forma dentro del bucle R, (iii) una señal de localización nuclear (NLS) C-terminal.
La suspensión celular se enriquece en células CD34+ mediante separación con bolas magnéticas. Tras la electroporación, las células se cultivan en medio que contiene trombopoyetina, ligando de tirosina quinasa 3 similar a Fms (Flt3L) y factor de células madre (SCF). La substancia consta de células con una pureza de ≥85% CD45+ y ≥75% CD34+ y ≥75% de edición en el sitio diana
terapia génica basada en células (hemoglobinopatía)

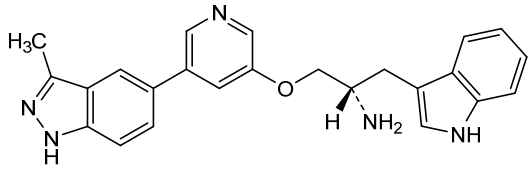
rizavasertibum
rizavasertib

(2*S*)-1-(1*H*-indol-3-yl)-3-{[5-(3-methyl-1*H*-indazol-5-yl)pyridin-3-yl]oxy}propan-2-amine
serine/threonine kinase inhibitor

rizavasertib (2*S*)-1-(1*H*-indol-3-yl)-3-{[5-(3-méthyl-1*H*-indazol-5-yl)pyridin-3-yl]oxy}propan-2-amine
inhibiteur de sérine/thréonine kinases

rizavasertib (2*S*)-1-(1*H*-indol-3-il)-3-{[5-(3-metil-1*H*-indazol-5-il)piridin-3-il]oxi}propan-2-amina
inhibidor de la serina/treonina kinasa

$C_{24}H_{23}N_5O$ 552325-16-3



riztunitidum

riztunitide D-tyrosyl-D-valyl-D-α-aspartyl-D-lysyl-D-arginine
anti-inflammatory

riztunitide D-tyrosyl-D-valyl-D-α-aspartyl-D-lysyl-D-arginine
anti-inflammatoire

riztunitida D-tirosil-D-valil-D-α-aspartil-D-lisil-D-arginina
antiinflamatorio

$C_{30}H_{49}N_9O_9$ 2963586-07-2

D-Tyr — D-Val — D-Asp — D-Lys — D-Arg

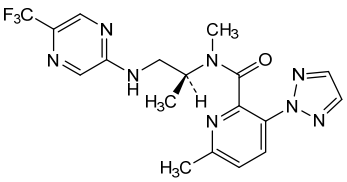
rocavorexantum

rocavorexant *N*,6-dimethyl-3-(2*H*-1,2,3-triazol-2-yl)-*N*-[(2*S*)-1-{[5-(trifluoromethyl)pyrazin-2-yl]amino}propan-2-yl]pyridine-2-carboxamide
orexin-1 receptor antagonist

rocavorexant *N*,6-diméthyl-3-(2*H*-1,2,3-triazol-2-yl)-*N*-[(2*S*)-1-{[5-(trifluorométhyl)pyrazin-2-yl]amino}propan-2-yl]pyridine-2-carboxamide
antagoniste du récepteur de l'orexine 1

rocavorexant *N*,6-dimetil-3-(2*H*-1,2,3-triazol-2-il)-*N*-[(2*S*)-1-{[5-(trifluorometil)pirazin-2-il]amino}propan-2-il]piridina-2-carboxamida
antagonista del receptor de la orexina 1

$C_{18}H_{19}F_3N_8O$ 2115665-09-1



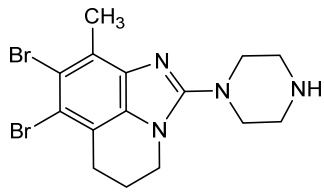
romaciclibum

romaciclib — 7,8-dibromo-9-methyl-2-(piperazin-1-yl)-5,6-dihydro-4*H*-imidazo[4,5,1-*ij*]quinoline
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

romaciclib — 7,8-dibromo-9-méthyl-2-(pipérazin-1-yl)-5,6-dihydro-4*H*-imidazo[4,5,1-*ij*]quinoléine
inhibiteur de la kinase cycline-dépendante, antinéoplasique

romaciclib — 7,8-dibromo-9-metil-2-(piperazin-1-il)-5,6-dihidro-4*H*-imidazo[4,5,1-*ij*]quinoleína
inhibidor de la kinasa dependiente de ciclinas, antineoplásico

$C_{15}H_{18}Br_2N_4$ 1609522-33-9



rondecabtagenum autoleucelum #

rondecabtagene autoleucel — autologous T lymphocytes obtained by leukapheresis enriched for the cell surface marker CD62L (also known as L-selectin) transduced with a self-inactivating non-replicating lentiviral vector encoding a tandem chimeric antigen receptor (CAR) targeting both CD20and CD19 [comprising a single chain variable fragment (scFvs) derived from the antibody clone Leu16 fused via flexible linkers to a scFvs derived from clone FMC63]. The transgene has a murine immunoglobulin kappa (mIgK) leader sequence and also comprises an IgG4 hinge, a CD28 transmembrane, and the intracellular 4-1BB co-stimulatory and CD3ζ signaling domains and is under control of the elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter and the Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional regulatory element (WPRE) modified to eliminate the X-protein open reading frame. The vector genome also contains a human immunodeficiency virus (HIV) packaging signal, a Rev response element (RRE), central polypurine tract and central termination sequence (cPPT/CTS) and is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs). The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus (VSV) G glycoprotein.
The leukapheresis material is enriched for CD62L expressing T lymphocytes by positive immunoselection and cultured in media containing interleukin 2 (IL-2) and interleukin 15 (IL-15). The lymphocytes are activated by CD3 and CD28 agonists and transduced with the lentiviral vector followed by culture in media containing IL-2 and IL-15. The T lymphocytes (≥80%) are predominantly composed of naïve and central memory rich T lymphocyte subsets as measured by expression of CD62L and CD45RA surface markers, and positive for the transgene (≥10% CAR positive) with few (<5%) CD19 expressing B lymphocytes. The cells exhibit cytotoxicity and secrete interferon gamma in response to CD19 and CD20 expressing tumour cell lines
cell-based gene therapy (antineoplastic)

rondécabtagène autoleucel

lymphocytes T autologues obtenus par leucaphérèse, enrichis pour le marqueur de surface cellulaire CD62L (également connu sous le nom de L-sélectine) transduits avec un vecteur lentiviral non réplicatif auto-inactivant, codant un récepteur antigénique chimérique (RAC) en tandem ciblant à la fois CD20 et CD19 [comprenant un fragment variable à chaîne unique (scFvs) dérivé du clone d'anticorps Leu16 fusionné, via des coupleurs flexibles, à un scFvs dérivé du clone FMC63]. Le transgène possède une séquence de tête de l'immunoglobuline kappa murine (mIgK), et comprend également une charnière IgG4, un domain transmembranaire CD28 et les domaines intracellulaires de costimulation 4-1BB et de signalisation CD3ζ, et est sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF-1α), et de l'élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE), modifié pour éliminer le cadre de lecture ouvert de la protéine X. Le génome du vecteur contient également un signal d'empaquetage du virus de l'immunodéficience humaine (VIH), un élément de réponse Rev (RRE), une séquence de tractus polypurine central et de terminaison centrale (cPPT/CTS), et est flanqué de longues répétitions terminales (LTRs) en 5' et en 3'. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T exprimant CD62L, par immunosélection positive, et cultivé dans un milieu contenant de l'interleukine 2 (IL-2) et de l'interleukine 15 (IL-15). Les lymphocytes sont activés par les agonistes CD3 et CD28 et transduits avec le vecteur lentiviral suivi d'une culture dans un milieu contenant de l'IL-2 et de l'IL-15. Les lymphocytes T (≥80%) sont principalement composés de lymphocytes T riches en sous-types naïfs et mémoire centrale, mesurés par l'expression des marqueurs de surface CD62L et CD45RA, et positifs pour le transgène (≥10% RAC positifs) avec peu (<5%) de lymphocytes B exprimant CD19. Les cellules présentent une cytotoxicité et sécrètent de l'interféron gamma en réponse aux lignées de cellules tumorales exprimant CD19 et CD20
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

rondecabtagén autoleucel

linfocitos T autólogos obtenidos por leucoaféresis, enriquecidos para el marcador de superficie CD62L (también conocido como L-selectina), transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, no replicativo, que codifica un tándem de receptores de antígenos quiméricos (CAR) dirigidos a CD20 y CD19 [consta de un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) derivado del clon del anticuerpo Leu16 fusionado mediante enlaces flexibles a un scFv derivado del clon FMC63]. El transgén tiene una secuencia líder de la inmunoglobulina kappa murina (mIgK) y también consta de un dominio bisagra de IgG4, un dominio transmembrana de CD28, y los dominios intracelulares coestimulador de 4-1BB y de señalización de CD3ζ, y está bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1α) y el elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) modificado para eliminar el marco de lectura abierto de la proteína X. El genoma del vector también contiene una señal de empaquetamiento del virus de la inmunodeficiencia humana (VIH), un elemento de respuesta Rev (RRE), una secuencia de tracto de poli-purina/terminación central (cPPT/CTS) y está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3'. El vector está seudotipado con la

glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV). El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T que expresan CD62L mediante inmunoselección positiva y se cultiva en medio que contiene interleuquina 2 (IL-2) e interleuquina 15 (IL-15). Los linfocitos se activan con agonistas de CD3 y CD28 y se transducen con el vector lentiviral seguido de cultivo en medio que contiene IL-2 e IL-15. Los linfocitos T (≥80%) están compuestos predominantemente por linfocitos T ricos en los subtipos naïve y memoria central, medido por la expresión de los marcadores de superficie CD62L y CD45RA, y positivos para el transgén (≥10% CAR positivos) con pocos (<5%) linfocitos B que expresan CD19. Las células muestran citotoxicidad y secretan interferón gamma en respuesta a líneas celulares tumorales que expresan CD19 y CD20
terapia génica basada en células (antineoplásico)

rugecitidum

rugecitide — neuregulin 4 (NRG4) (*Homo sapiens*), fragment 1-50, [^{1}MPTD4>^{1}GGGGSG^{6}, V^{25}>Q^{27}, E^{47}>K^{49}]-variant (1-52), not glycosylated
neuregulin analogue

rugécitide — neuréguline 4 (NRG4) (*Homo sapiens*), fragment 1-50, variant ^{1}MPTD^{4}>^{1}GGGGSG^{6}, V^{25}>Q^{27}, E^{47}>K^{49}] (1-52), non glycosylé
analogue de la neuréguline

rugecitida — neuregulina 4 (NRG4) (*Homo sapiens*), fragmento 1-50, variante [^{1}MPTD^{4}>^{1}GGGGSG^{6}, V^{25}>Q^{27}, E^{47}>K^{49}] (1-52), no glicosilado
análogo de la neurregulina

$C_{238}H_{355}N_{67}O_{72}S_{6}$ 2938226-27-6

Sequence / Séquence / Secuencia
GGGGSGHEEP CGPSHKSFCL NGGLCYQIPT IPSPFCRCVE NYTGARCEKV FL 50 52

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
11-25, 19-36, 38-47

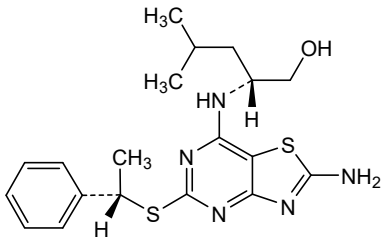
rugocrixanum

rugocrixan — (2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-phenylethyl]sulfanyl}[1,3]thiazolo[4,5-*d*]pyrimidin-7-yl)amino]-4-methylpentan-1-ol
CX3C chemokine receptor 1 (CX3CR1) antagonist, anti-inflammatory

rugocrixan — (2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-phényléthyl]sulfanyl}[1,3]thiazolo[4,5-*d*]pyrimidin-7-yl)amino]-4-méthylpentan-1-ol
antagoniste du récepteur 1 de la chimioquine CX3C (CX3CR1), anti-inflammatoire

rugocrixán — (2*R*)-2-[(2-amino-5-{[(1*S*)-1-feniletil]sulfanil}[1,3]tiazolo[4,5-*d*]pirimidin-7-il)amino]-4-metilpentan-1-ol
antagonista del receptor 1 de la quimioquina CX3C (CX3CR1), antiinflamatorio

$C_{19}H_{25}N_5OS_2$ 911715-90-7



runitresgenum leucelum #

runitresgene leucel allogeneic T lymphocytes derived from peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) of a haploidentical hematopoietic cell transplantation (HCT) donor that is negative for the HA-2 genotype and/or negative for HLA A*02, engineered by transposon/transposase-mediated gene delivery to express a T cell receptor (TCR) that is specific for a 9-amino acid peptide (YIGEVLVSV) termed HA-2, derived from myosin 1G (MYO1G) and presented on HLA-A*02:01. The TCR comprises α and β subunits separated by a P2A self-cleaving peptide. The transgene also encodes a codon-optimised CD8 co-receptor consisting of α and β chains separated by a P2A self-cleaving peptide, with the CD8 co-receptor separated from the TCR by an additional P2A self-cleaving peptide. Each P2A sequence is preceded by a furin cleavage site. A 16 amino acid epitope encoding a portion of human CD34 is incorporated into the N-terminus of the CD8α chain. The transgene is under the control of a murine stem cell virus (MSCV) promoter, a Woodchuck hepatitis virus post-transcriptional response element and a simian virus 40 (SV40) polyadenylation (polyA) signal.
The transposase (Armyworm transposase) is introduced in form of an mRNA that comprises an anti-reverse cap analogue, a *Xenopus* globin 5' untranslated region (UTR), a Kozak sequence, the transposase open reading frame, and a *Xenopus* globin 3' UTR. The transgene is introduced via a nanoplasmid DNA and contains inverted terminal repeats (ITRs). The leukapheresis material is electroporated with mRNA transposase as well as the nanoplasmid transposon followed by activation with CD2, CD3 and CD28 agonists. The cells are grown in serum free media supplemented with interleukin 2 (IL-2), interleukin 7 (IL-7) and interleukin 15 (IL-15). The T lymphocytes (≥95%) are positive for the transgene (≥80% TCR+), and release interferon -gamma (IFN-γ) in response to co-culture with THP-1 cells that express the HA-2 target peptide
cell-based gene therapy (antineoplastic)

runitresgène leucel lymphocytes T allogéniques dérivés de cellules mononucléaires du sang périphérique (CMSP) d'un donneur haploidentiques de greffe de cellules hématopoïétiques (GCH) qui sont négatifs pour le génotype HA-2 et/ou négatifs pour HLA A*02, modifiés par un système de délivrance de gènes par transposon/transposase, pour exprimer un récepteur de lymphocytes T (TCR) spécifique d'un peptide de 9 acides aminés (YIGEVLVSV) appelé HA-2, dérivé de la myosine 1G (MYO1G) et présenté sur HLA-A*02:01. Le TCR comprend des sous-unités α et β, séparées par un peptide auto-clivant P2A. Le transgène code également avec des codons optimisés un co-récepteur CD8 constitué de chaînes α et β séparées par un peptide auto-clivant P2A, le co-récepteur CD8 étant séparé du TCR par un autre peptide auto-clivant P2A. Chaque séquence P2A est précédée d'un site de clivage de la furine. Un épitope de 16 acides aminés codant pour une partie du CD34 humain est incorporé à l'extrémité N-terminale de la chaîne CD8α. Le transgène est sous le contrôle d'un promoteur du virus des cellules souches murines (MSCV),

d'un élément de réponse post-transcriptionnelle du virus de l'hépatite de la marmotte et d'un signal de polyadénylation (polyA) du virus simien 40 (SV40).
La transposase (transposase de la chenille légionnaire) est introduite sous la forme d'un ARNm qui comprend un analogue de la coiffe anti-inverse, une région 5' non traduite (UTR) de la globine de *Xenopus*, une séquence Kozak, le cadre de lecture ouvert de la transposase et une région 3' UTR de la globine de *Xenopus*. Le transgène est introduit via un vecteur d'ADN nanoplasmidique et contient des répétitions terminales inversées (RTI).
Le matériel de leucaphérèse est électroporé avec l'ARNm de la transposase ainsi que le transposon nanoplasmidique, suivi d'une activation avec des agonistes CD2, CD3 et CD28. Les cellules sont cultivées dans un milieu sans sérum supplémenté en interleukine 2 (IL-2), interleukine 7 (IL-7) et interleukine 15 (IL-15). Les lymphocytes T (≥95%) sont positifs pour le transgène (≥80% TCR+) et libèrent de l'interféron gamma (IFN-γ) en réponse à une co-culture avec des cellules THP-1 qui expriment le peptide cible HA-2
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

runitresgén leucel

linfocitos T alogénicos derivados de células mononucleares de sangre periférica (PBMCs) de un donante de transplante de células hematopoyéticas (HCT) haploidéntico que es negativo para el genotipo HA-2 y/o negativo para HLA A*02, manipulados mediante un sistema de entrega genética mediado por transposón/transposasa para expresar el receptor de células T (TCR) que es específico para un péptido de 9 amino ácidos (YIGEVLVSV) llamado HA-2, derivado de la miosina 1G (MYO1G) y presentado en HLA-A*02:01. El TCR consta de subunidades α y β separadas por un péptido de auto-escisión P2A. El transgén también codifica, con codones optimizados, un correceptor CD8 que contiene cadenas α y β separadas por un péptido de auto-escisión P2A, con el correceptor CD8 separado del TCR por un otro péptido de auto-escisión P2A. Cada secuencia P2A está precedida por un sitio de escisión de furina. En la zona N-terminal de la cadena CD8α se incorpora un epítopo de 16 amino ácidos que codifica una porción del CD34 humano. El transgén está bajo el control de un promotor del virus de células madre murino (MSCV), un elemento de respuesta post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE) y una señal de poliadenilación (poliA) del virus simio 40 (SV40).
La transposasa (transposasa de gusano soldado) se introduce en forma de un ARNm que contiene un análogo de caperuza anti-reverso, una región sin traducir (UTR) en 5' de la globina de *Xenopus*, una secuencia Kozak, el marco de lectura abierto de la transposasa, y una UTR en 3' de la globina de *Xenopus*. El transgén se introduce mediante un nanoplásmido de ADN y contiene repeticiones terminales invertidas (ITRs).
El material de leucoaféresis se electropora con el ARNm de la transposasa así como el nanoplásmido del transposón seguido de activación con agonistas de CD2, CD3 y CD28. Las células se crecen después en medio sin suero suplementado con interleuquina 2 (IL-2), interleuquina-7 (IL-7) e interleuquina 15 (IL-15). Los linfocitos T (≥95%) son positivos para el transgén (≥80%+) y liberan interferón gamma (IFN-γ) en respuesta al co-cultivo con células THP-1 que expresan el péptido diana HA-2
terapia génica basada en células (antineoplásico)

ruzaltatugum #

ruzaltatug	immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (226-226'':229-229'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa *antineoplastic*
ruzaltatug	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-3, HER3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antinéoplasique*
ruzaltatug	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-3, HER3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

2981438-63-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLVQSGGG LVQPGRSLRL SCAASGFTFD DYAMHWVRQA PGKGLEWVSG  50
ISWNSGSIGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKEG 100
LPGLDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASIGDRAT ITCRASQHVG TYLNWYQQKP GKTPKLLISG  50
AANLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYNTPPFSFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
23'''-88''' 135'''-195'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-215' 220"-215'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

ruzaltatugum rezetecanum #

ruzaltatug rezetecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tyrosin-protein kinase erbB-3, HER3)], *Homo sapiens* monoclonal antibody,conjugated on an average of four cysteinyl residues to *rezetecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of four L-cysteinyl residues on an average among 215', 215''', 220, 220", 226, 226", 229 and 229" with (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*rezetecan*) groups
antineoplastic

ruzaltatug rézétécan	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-3, HER3)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, conjuguée par quatre résidus cystéinyles en moyenne au *rézétécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécan*); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué, sur les atomes de soufre de quatre résidus L-cystéinyle en moyenne parmi 215', 215''', 220, 220'', 226, 226'', 229 et 229'', avec des groupes (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-benzyl-2-cyclopropyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6 ,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*rézétécan*) *antinéoplasique*
ruzaltatug rezetecán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB3 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-3, HER3)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugado, por cuatro residuos de cisteinilo, por término medio a *rezetecán*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-9*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%) G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.4%) -IGKJ2*04 (90.9%) L124>V (105'), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido, en los átomos de azufre de cuatro residuos de L-cisteinilo en promedio de 215', 215''', 220, 220'', 226, 226'', 229 y 229'', con grupos (3*RS*)-1-[(2*R*,10*S*)-10-bencil-2-ciclopropil-1-{[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino}-1,6,9,12,15,18-hexaoxo-3-oxa-5,8,11,14,17-pentaazatricosan-23-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*rezetecán*) *antineoplásico*

2981438-67-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
QVQLVQSGGG LVQPGRSLRL SCAASGFTFD DYAMHWVRQA PGKGLEWVSG  50
ISWNSGSIGY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TALYYCAKEG 100
LPGLDYWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L''')

```
DIQMTQSPSS LSASIGDRAT ITCRASQHVG TYLNWYQQKP GKTPKLLISG  50
AANLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ SYNTPPFSFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
23'''-88''' 135'''-195'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 220-215' 220"-215"

Inter-H-H (h 11, h 14)* 226-226" 229-229"

*Two or three of the four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 4 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Deux ou trois des quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 4 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Dos o tres de los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 4 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

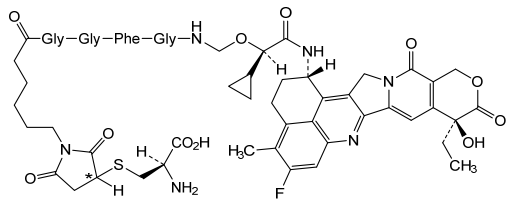
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 447, 447"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (215', 215''', 220, 220", 226, 226", 229, 229")

*(*rezetecan*:mAb ~ 4:1)



sasineprocelum
sasineprocel

autologous dopaminergic neuron precursor cells (DANPCs) derived from human induced pluripotent stem cells (iPSCs). The iPSCs are derived from patient skin fibroblasts that are expanded and reprogrammed by a non-integrating method with plasmid vectors expressing octamer-binding transcription factor 3/4 (OCT-3/4), SOX2, Krueppel-like factor 4 (KLF4), and L-Myc.
The cells are expanded on recombinant laminin and frozen as intermediates to be then thawed, expanded, dissociated with a proteolytic and collagenolytic enzyme mixture and initially seeded in medium supplemented with Rho-associated protein kinase (ROCK). Differentiation into dopaminergic precursor cells is then performed in neurobasal medium supplemented with serum

replacement containing a transforming growth factor-β (TGFβ)/activin-Nodal signaling inhibitor, a bone morphogenetic protein (BMP) inhibitor, a glycogen synthase kinase (GSK) 3 inhibitor, a Sonic hedgehog (Shh) signaling activator and a γ-secretase inhibitor, as well as recombinant brain-derived neurotrophic factor (BDNF), glial cell-line-derived neurotrophic factor (GDNF), transforming growth factor β3 (TGFβ3) and Sonic hedgehog (Shh). The differentiated and mature DANPCs are then harvested, washed, and cryopreserved.
The final cell population expresses forkhead box protein A2 (FoxA2; >80%) as characteristic factor of dopaminergic neurons, with a minor (<5%) cell population expressing paired box protein (PAX6). Uncommitted iPSCs are absent or present at low level (<0.1%; octamer-binding transcription factor 3/4 (OCT-3/4) and vertnin (VRTN))
cell therapy (Parkinson's disease)

sasinéprocel

cellules précurseures de neurones dopaminergiques autologues (DANPCs) dérivées de cellules souches pluripotentes induites humaines (CSPi). Les CSPi sont dérivées de fibroblastes cutanés de patients, qui sont expansés et reprogrammés par une méthode non intégrative avec des vecteurs plasmidiques exprimant le facteur de transcription 3/4 de liaison à l'octamère (OCT-3/4), SOX2, le facteur 4 de type Krueppel (KLF4), et L-Myc.
Les cellules sont expansées sur de la laminine recombinante et congelées comme intermédiaires pour être ensuite décongelées, expansées, dissociées avec un mélange d'enzymes protéolytiques et collagénolytiques, et initialement ensemencées dans un milieu supplémenté en protéine kinase associée à Rho (ROCK). La différenciation en cellules précurseures dopaminergiques est ensuite réalisée dans un milieu neurobasal complété par un substitut de sérum contenant un inhibiteur de la signalisation du facteur de croissance transformant β (TGFβ)/activine-Nodal, un inhibiteur de la protéine morphogénétique osseuse (PMO), un inhibiteur de la glycogène synthase kinase (GSK) 3, un activateur de signalisation Sonic hedgehog (Shh) et un inhibiteur de la γ-sécrétase, ainsi que le facteur neurotrophique dérivé du cerveau (BDNF) recombinant, le facteur neurotrophe dérivé de la glie (GDNF), le facteur de croissance transformant β3 (TGFβ3) et Sonic hedgehog (Shh). Les DANPCs différenciées et matures sont ensuite récoltées, lavées et cryoconservées.
La population cellulaire finale exprime la protéine A2 de la boîte forkhead (FoxA2; >80%) comme facteur caractéristique des neurones dopaminergiques, avec une population cellulaire mineure (<5%) exprimant la protéine paired box 6 (PAX6). Les CSPi non engagées sont absentes ou présentes à un faible niveau (<0,1%; facteur 3/4 de transcription de liaison à l'octamère (OCT-3/4) et la vertnine (VRTN))
thérapie cellulaire (maladie de Parkinson)

sasineprocel — células precursoras de neuronas dopaminérgicas (DANPCs) autólogas derivadas de células madre pluripotentes inducidas (iPSCs) humanas. Las iPSCs se derivan a partir de fibroblastos de la piel del paciente que son expandidos y reprogramados mediante un método no integrativo con vectores plasmídicos que expresan el factor 3/4 de trascripción de unión a octámero (OCT-3/4), SOX2, factor similar a Krueppel 4 (KLF4) y L-Myc.
Las células se expanden en laminina recombinante y se congelan como intermediarios para ser después descongeladas, expandidas, disociadas con una mezcla de enzimas proteolíticas y colagenolíticas y sembradas inicialmente en medio suplementado con proteína quinasa asociada a Rho (ROCK). La diferenciación a células precursoras dopaminérgicas se realiza en medio neurobasal suplementado con substituto de suero que contiene un inhibidor de la señalización del factor de crecimiento transformante β (TGFβ)/activina-Nodal, un inhibidor de la proteína morfogenética del hueso (BMP), un inhibidor de la glicogén sintasa quinasa (GSK) 3, un activador de señalización Sonic hedghog (Shh) y un inhibidor de la γ-secretasa, así como factor neurotrófico derivado de cerebro (BDNF) recombinante, factor neurotrófico derivado de línea celular de la glia (GDNF), factor de crecimiento transformante β3 (TGFβ3) y Sonic hedgehog (Shh). Las DANPCs diferenciadas y maduras se cosechan a continuación, se lavan y se criopreservan.
La población celular final expresa la proteína A2 de caja forkhead (FoxA2; >80%) como factor característico de neuronas dopaminérgicas, con una población celular menor (<5%) que expresa la proteína paired box 6 (PAX6). Las iPSCs sin diferenciar están ausentes o a bajo nivel (<0.1%; factor 3/4 de transcripción de unión a octámero (OCT-3/4) y vertnina (VRTN))
terapia celular (enfermedad de Parkinson)

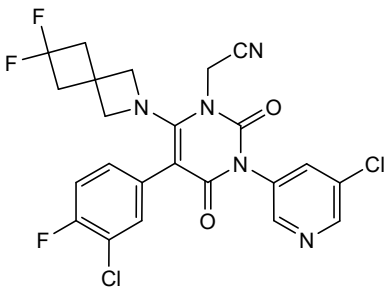
secutrelvirum

secutrelvir — [5-(3-chloro-4-fluorophenyl)-3-(5-chloropyridin-3-yl)-6-(6,6-difluoro-2-azaspiro[3.3]heptan-2-yl)-2,4-dioxo-3,4-dihydropyrimidin-1(2*H*)-yl]acetonitrile
protease inhibitor, antiviral

sécutrelvir — [5-(3-chloro-4-fluorophényl)-3-(5-chloropyridin-3-yl)-6-(6,6-difluoro-2-azaspiro[3.3]heptan-2-yl)-2,4-dioxo-3,4-dihydropyrimidin-1(2*H*)-yl]acétonitrile
inhibiteur de protéase, antiviral

secutrelvir — [5-(3-cloro-4-fluorofenil)-3-(5-cloropiridin-3-il)-6-(6,6-difluoro-2-azaespiro[3.3]heptan-2-il)-2,4-dioxo-3,4-dihidropirimidin-1(2*H*)-il]acetonitrilo
inhibidor de la proteasa, antiviral

$C_{23}H_{16}Cl_2F_3N_5O_2$ 2996148-73-1



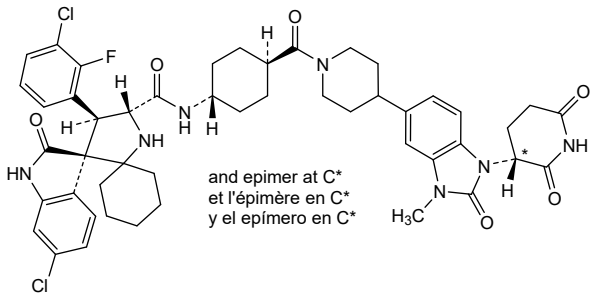
seldegamadlinum

seldegamadlin (3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6''-chloro-4'-(3-chloro-2-fluorophenyl)-*N*-[*trans*-4-(4-{1-[(3*RS*)-2,6-dioxopiperidin-3-yl]-3-methyl-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-1,3-benzimidazol-5-yl}piperidine-1-carbonyl)cyclohexyl]-2''-oxo-1'',2''-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3''-indole]-5'-carboxamide
E3 ubiquitin-protein ligase Mdm2 (Hdm2) degrader, antineoplastic

seldégamadline (3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6''-chloro-4'-(3-chloro-2-fluorophényl)-*N*-[*trans*-4-(4-{1-[(3*RS*)-2,6-dioxopipéridin-3-yl]-3-méthyl-2-oxo-2,3-dihydro-1*H*-1,3-benzimidazol-5-yl}pipéridine-1-carbonyl)cyclohexyl]-2''-oxo-1'',2''-dihydrodispiro[cyclohexane-1,2'-pyrrolidine-3',3''-indole]-5'-carboxamide
dégradeur de l'ubiquitine-protéine ligase E3 Mdm2, antinéoplasique

seldegamadlina (3'*R*,4'*S*,5'*R*)-6''-cloro-4'-(3-cloro-2-fluorofenil)-*N*-[*trans*-4-(4-{1-[(3*RS*)-2,6-dioxopiperidin-3-il]-3-metil-2-oxo-2,3-dihidro-1*H*-1,3-benzimidazol-5-il}piperidina-1-carbonil)ciclohexil]-2''-oxo-1'',2''-dihidrodiespiro[ciclohexano-1,2'-pirrolidina-3',3''-indol]-5'-carboxamida
degrador de la ubiquitina-proteína ligasa E3 Mdm2, antineoplasico

$C_{48}H_{52}Cl_2FN_7O_6$ 2713618-08-5



sersacabtagenum autoleucelum #

sersacabtagene autoleucel autologous CD4+/CD8+ enriched T lymphocytes obtained from peripheral blood lymphocytes by leukapheresis, transduced with a self-inactivating lentiviral vector encoding a humanized chimeric antigen receptor (CAR) targeting CD20 that includes a CD8α signalling peptide, an anti-CD20 single chain variable fragment (scFv) derived from human monoclonal IgG1 kappa antibody *ofatumumab*, an IgG4 hinge region, CD8 transmembrane region, and an intracellular 4-1BB co-stimulatory and CD3ζ signalling domain under control of the elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter and a Woodchuck hepatitis virus posttranscriptional regulatory element (WPRE). The vector also contains an HIV-1 packaging signal (Ψ), *gag*, Rev response element (RRE), central polypurine tract and central termination sequence (cPPT/CTS), is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and is pseudotyped by the vesicular stomatitis virus (VSV) G glycoprotein.
The leukapheresis material is enriched for CD4+/CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection, activated by CD3 and CD28 agonists and transduced with the lentiviral vector. The cells are then expanded in media with serum replacement and interleukin 2 (IL-2). The T lymphocytes (≥90% CD3+; ≤1%

CD19+ or CD20+) are positive for the transgene (≥10% CAR positive) and secrete interferon gamma in response to co-culture with CD20-expressing tumour cell lines.
cell-based gene therapy (antineoplastic)

sersacabtagéne autoleucel

lymphocytes T autologues enrichis en CD4+/CD8+ obtenus à partir de lymphocytes du sang périphérique par leucaphérèse, transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant codant un récepteur antigénique chimérique humanisé (RAC) ciblant CD20, qui comprend un peptide de signalisation CD8α, un fragment variable à chaîne unique anti-CD20 (scFv) dérivé de l'anticorps monoclonal IgG1 kappa humain *ofatumumab*, d'une région charnière IgG4, d'une région transmembranaire CD8 et d'un domaine intracellulaire de co-stimulation 4-1BB et de signalisation CD3ζ, sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF-1α) et d'un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite de la marmotte (WPRE). Le vecteur contient également un signal d'empaquetage du VIH-1 (Ψ), *gag*, un élément de réponse Rev (RRE), un tractus polypurine central et une séquence de terminaison centrale (cPPT/CTS), est flanqué de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et en 3' et est pseudotypé par la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4+/CD8+ par immunosélection positive, activés par les agonistes CD3 et CD28 et transduits avec le vecteur lentiviral. Les cellules sont ensuite expansées dans un milieu avec remplacement de sérum et interleukine 2 (IL-2). Les lymphocytes T (≥90% CD3+; ≤1% CD19+ ou CD20+) sont positifs au transgène (≥10% RAC positif) et sécrètent de l'interféron gamma en réponse à une co-culture avec des lignées de cellules tumorales exprimant CD20
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

sersacabtagén autoleucel

linfocitos T CD4+/CD8+ autólogos enriquecidos obtenidos de linfocitos de sangre periférica por leucoaféresis, transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) humanizado dirigido a CD20 que incluye un péptido señal de CD8α, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD20 derivado del anticuerpo monoclonal humano IgG1 kappa *ofatumumab*, una región bisagra de IgG4, una región transmembrana de CD8, un dominio coestimulador de 4-1BB y un dominio de señalización de CD3ζ, bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1α) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El vector también contiene una señal de empaquetamiento de HIV-1 (ψ), *gag*, un elemento de respuesta Rev (RRE), una secuencia de tracto de poli-purina/terminación central (cPPT/CTS), está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV).
El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4+/CD8+ mediante inmunoselección positiva, se activa mediante agonistas de CD3 y CD28 y se transduce con el vector lentiviral. Las células se expanden después en medio con substituto de suero e interleuquina 2 (IL-2). Los linfocitos T (≥90% CD3+; ≤1% CD19+ o CD20+) son positivos para el transgén (≥10% positivos para el CAR) y secretan interferón gamma en respuesta al co-cultivo con líneas celulares tumorales que expresan CD20
terapia génica basada en células (antineoplásico)

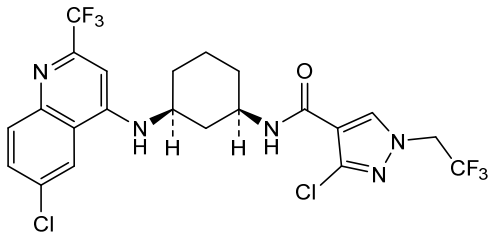
setomagpranum

setomagpran — 3-chloro-*N*-[(1*R*,3*S*)-3-{[6-chloro-2-(trifluoromethyl)quinolin-4-yl]amino}cyclohexyl]-1-(2,2,2-trifluoroethyl)-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
Mas-related G protein-coupled receptor antagonist, anti-inflammatory

sétomagpran — 3-chloro-*N*-[(1*R*,3*S*)-3-{[6-chloro-2-(trifluorométhyl)quinoléin-4-yl]amino}cyclohexyl]-1-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1*H*-pyrazole-4-carboxamide
antagoniste des récepteurs couplés aux protéines G liés à Mas, anti-inflammatoire

setomagprán — 3-cloro-*N*-[(1*R*,3*S*)-3-{[6-cloro-2-(trifluorometil)quinolein-4-il]amino}ciclohexil]-1-(2,2,2-trifluoroetil)-1*H*-pirazol-4-carboxamida
antagonista del receptor Mas acoplado a proteínas G, intiinflamatorio

$C_{22}H_{19}Cl_2F_6N_5O$ 2991434-57-0



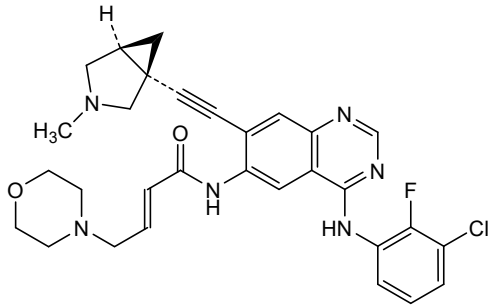
silevertinibum

silevertinib — (2*E*)-*N*-[4-(3-chloro-2-fluoroanilino)-7-{[(1*R*,5*S*)-3-methyl-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-1-yl]ethynyl}quinazolin-6-yl]-4-(morpholin-4-yl)but-2-enamide
epidermal growth factor receptor tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

silévertinib — (2*E*)-*N*-[4-(3-chloro-2-fluoroanilino)-7-{[(1*R*,5*S*)-3-méthyl-3-azabicyclo[3.1.0]hexan-1-yl]éthynyl}quinazolin-6-yl]-4-(morpholin-4-yl)but-2-énamide
inhibiteur de la tyrosine kinase du récepteur du facteur de croissance épidermique, antinéoplasique

silevertinib — (2*E*)-*N*-[4-(3-cloro-2-fluoroanilino)-7-{[(1*R*,5*S*)-3-metil-3-azabiciclo[3.1.0]hexan-1-il]etinil}quinazolin-6-il]-4-(morfolin-4-il)but-2-enamida
inhibidor de la tirosina kinasa del receptor del factor de crecimiento epidérmico, antineoplásico

$C_{30}H_{30}ClFN_6O_2$ 2607829-38-7



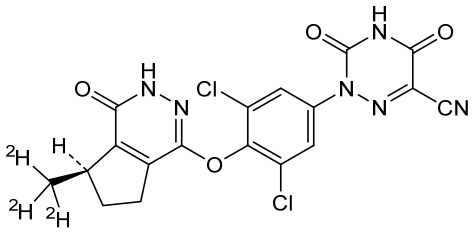
simedeutiromum

simedeutirom 2-(3,5-dichloro-4-{[(7*R*)-7-($^2H_3$)methyl-1-oxo-2,5,6,7-tetrahydro-1*H*-cyclopenta[*d*]pyridazin-4-yl]oxy}phenyl)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tetrahydro-1,2,4-triazine-6-carbonitrile
thyroid hormone beta receptor agonist

simédeutirom 2-(3,5-dichloro-4-{[(7*R*)-7-($^2H_3$)méthyl-1-oxo-2,5,6,7-tétrahydro-1*H*-cyclopenta[*d*]pyridazin-4-yl]oxy}phényl)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tétrahydro-1,2,4-triazine-6-carbonitrile
agoniste des récepteurs bêta de l'hormone thyroïdienne

simedeutirom 2-(3,5-dicloro-4-{[(7*R*)-7-($^2H_3$)metil-1-oxo-2,5,6,7-tetrahidro-1*H*-ciclopenta[*d*]piridazin-4-il]oxi}fenil)-3,5-dioxo-2,3,4,5-tetrahidro-1,2,4-triazina-6-carbonitrilo
agonista del receptor beta de la hormona tiroidea

$C_{18}H_9{}^2H_3Cl_2N_6O_4$ 2403721-24-2



sitmutolimodum

sitmutolimod *all-P-ambo*-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-deoxy-*P*-thioguanylyl
Toll-like receptor agonist, antineoplastic

sitmutolimod *tout-P-ambo*-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-*P*-thiothymidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2′-désoxy-*P*-thioguanylyl
agoniste des récepteurs de type Toll, antinéoplasique

sitmutolimod

todo-P-ambo-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2′-desoxi-*P*-tioguanilil
agonista del receptor de tipo Toll, antineoplásico

$C_{280}H_{354}N_{110}O_{145}P_{28}S_{28}$ 3002979-61-2

(3'-5') d(T=C=G=C=G=A=A=C=G=T=T=C=G=C=C=G=C=G=T=A=C=G=T=A=C=G=C=G=G)

N : nucleoside / nucléoside / nucleósido
dN : 2'-deoxy-N / 2'-désoxy-N / 2'-desoxi-N
= : –PO(SH)–

soclenicantum

soclenicant

6-[(2,3-dihydro-1*H*-inden-2-yl)amino]-1-ethyl-3-(morpholine-4-carbonyl)-1,8-naphthyridin-4(1*H*)-one
nicotinic acetylcholine receptor negative allosteric modulator, anxiolytic

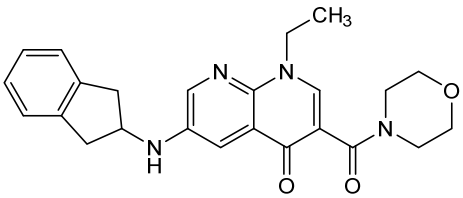
soclénicant

6-[(2,3-dihydro-1*H*-indén-2-yl)amino]-1-éthyl-3-(morpholine-4-carbonyl)-1,8-naphtyridin-4(1*H*)-one
modulateur allostérique négatif des récepteurs nicotiniques de l'acétylcholine, anxiolytique

soclenicant

6-[(2,3-dihidro-1*H*-inden-2-il)amino]-1-etil-3-(morfolina-4-carbonil)-1,8-naftiridin-4(1*H*)-ona
modulador alostérico negativo del receptor nicotínico de la acetilcolina, ansiolítico

$C_{24}H_{26}N_4O_3$ 1020634-41-6



soficabtagenum geleucelum #

soficabtagene geleucel

allogeneic CD4+ and CD8+ T lymphocytes derived from leukapheresis material of healthy donors, genetically modified using CRISPR/Cas9 gene editing to knockout the expression of endogenous CD7 and TRAC using

guide RNAs (gRNAs), followed by transduction with a self-inactivating, non-replicating lentivirus vector encoding an anti-CD7 chimeric antigen receptor (CAR) comprising a CD8 leader sequence, anti-CD7 single-chain variable fragment (scFv)(clone TH69), CD8 hinge, CD28 transmembrane domain, 4-1BB co-stimulatory domain and CD3ζ intracellular signalling domain, under control of the elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter. The transgene also encodes a truncated human CD34 extracellular domain separated from the CAR by a 2A peptide derived from porcine teschovirus-1. The CRISPR/Cas9 and gRNAs are introduced as a ribonucleoprotein (RNP) complex by electroporation. The lentivirus vector is flanked by 5' and 3' LTRs and also contains a viral packaging sequence ψ, partial gag, a Rev response element (RRE), a central polypurine tract/central termination sequence (cPPT/CTS) and a synthetic identification (ID) sequence. The vector is pseudotyped with VSV G envelope glycoprotein.
The leukapheresis material is enriched for CD4+ and CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection prior to activation with CD3 and CD28 agonists in growth media containing interleukin 7 (IL-7) and interleukin 15 (IL-15). The cells are gene-edited and then transduced with the lentiviral vector and expanded in growth media containing human AB serum, IL-7, and IL-15. The cell suspension consists of T lymphocytes (≥98.0% CD45+, ≤1.0% CD7+, ≤8.0% CD3+) with greater than 30% of the T lymphocytes expressing the CAR transgene and >70% (CD7) and >85% (TRAC) on-target gene editing. The transduced T lymphocytes demonstrate cytotoxicity against CD7+ T-lymphoblastic target cells
cell-based gene therapy (antineoplastic)

soficabtagène géleucel

lymphocytes T allogéniques CD4+ et CD8+ dérivés de matériel de leucaphérèse de donneurs sains, génétiquement modifiés à l'aide de l'édition génique CRISPR/Cas9 pour éliminer l'expression endogènes de CD7 et TRAC à l'aide d'ARN guides (ARNg), suivis d'une transduction avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non réplicatif codant pour un récepteur antigénique chimérique (RAC) anti-CD7 comprenant une séquence de tête CD8, un fragment variable à chaîne unique (scFv) anti-CD7 (clone TH69), une charnière CD8, un domaine transmembranaire CD28, un domaine co-stimulateur 4-1BB et un domaine de signalisation intracellulaire CD3ζ, sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF-1α). Le transgène code également pour un domaine extracellulaire tronqué du CD34 humain séparé du RAC par un peptide 2A dérivé du teschovirus-1 porcin. Le CRISPR/Cas9 et les ARNg sont introduits sous forme de complexe ribonucléoprotéique (RNP) par électroporation. Le vecteur lentiviral est flanqué de longues répétitions terminales en 5' et en 3' et contient également une séquence d'empaquetage virale ψ, une partie de gène *gag*, un élément de réponse Rev (RRE), une séquence centrale de tractus polypurine/terminaison centrale (cPPT/CTS) et une identification synthétique (ID). Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G d'enveloppe du virus de la stomatite vésiculaire (VSV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD4+ et CD8+ par immunosélection positive, avant activation avec des agonistes CD3 et CD28, dans un milieu de croissance contenant de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'interleukine 15 (IL-15).

Les cellules sont modifiées génétiquement, puis transduites avec le vecteur lentiviral et expansées dans un milieu de croissance contenant du sérum AB humain, de l'IL-7 et de l'IL-15. La suspension cellulaire est constituée de lymphocytes T (≥98.0% CD45+, ≤1.0% CD7+, ≤8.0% CD3+) avec plus de 30% de lymphocytes T exprimant le transgène RAC, et >70% (CD7) et >85% (TRAC) d'édition de gènes sur cible. Les lymphocytes T transduits démontrent une cytotoxicité contre les cellules cibles lymphoblastiques T CD7+

soficabtagén geleucel

linfocitos T CD4+ y CD8+ alogénicos derivados de material de leucoaféresis de donantes sanos, modificados genéticamente usando edición génica con CRISPR/Cas9 para eliminar la expresión de CD7 y TRAC endógenos usando ARNs guía (ARNg), seguido de transducción con un vector lentiviral auto-inactivante, no replicativo que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) anti-CD7 que consta de una secuencia líder de CD8, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD7 (clon TH69), bisagra de CD8, un dominio transmembrana de CD28, un dominio coestimulador de 4-1BB y un dominio de señalización intracelular de CD3ζ, bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1α). El transgén también codifica un dominio extracelular truncado de CD34 humano separado del CAR por un péptido 2A derivado del teschovirus porcino 1. El CRISP/Cas9 y los ARNg se introducen como un complejo de ribonucleoproteína (RNP) mediante electroporación. El vector lentiviral está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y también contiene una secuencia de empaquetamiento viral ψ, un *gag* parcial, un elemento de respuesta Rev (RRE), una secuencia de tracto de poli-purina/terminación central (cPPT/CTS) y una secuencia de identificación (ID) sintética. El vector está seudotipado con la glicoproteína G de la envuelta de VSV.
El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD4+ y CD8+ mediante inmunoselección positiva antes de la activación con agonistas de CD3 y CD28 en medio de crecimiento que contiene interleuquina 7 (IL-7) e interleuquina 15 (IL-15). Las células se editan genéticamente y después se transducen con el vector lentiviral y se expanden en medio de crecimiento que contiene suero AB humano, IL-7 e IL-15. La suspensión celular consiste en linfocitos T (≥98.0% CD45+, ≤1.0% CD7+, ≤8.0% CD3+) con más del 30% de los linfocitos T que expresan el transgén del CAR y con ≥70% (CD7) y >85% (TRAC) de edición génica dirigida. Los linfocitos transducidos muestran citotoxicidad frente a células T linfoblásticas diana CD7+
terapia génica basada en células (antineoplásico)

solangeprasum

solangepras

1-(2-[4-(2,4-difluorophenoxy)piperidin-1-yl]-3-{[(3*R*)-oxolan-3-yl]amino}-7,8-dihydropyrido[3,4-*b*]pyrazin-6(5*H*)-yl)ethan-1-one
G protein-coupled receptor 6 (GCPR6) inverse agonist, antiparkinsonian

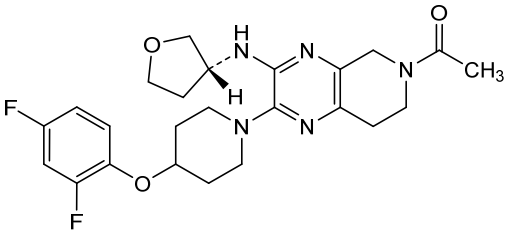
solangépras

1-(2-[4-(2,4-difluorophénoxy)pipéridin-1-yl]-3-{[(3*R*)-oxolan-3-yl]amino}-7,8-dihydropyrido[3,4-*b*]pyrazin-6(5*H*)-yl)éthan-1-one
agoniste inverse du récepteur 6 couplé aux protéines G (GCPR6), antiparkinsonien

solangepras

1-(2-[4-(2,4-difluorofenoxi)piperidin-1-il]-3-{[(3*R*)-oxolan-3-il]amino}-7,8-dihidropiridо[3,4-*b*]pirazin-6(5*H*)-il)etan-1-ona
agonista inverso del receptor 6 (GCPR6) acoplado a proteínas G, antiparkinsoniano

$C_{24}H_{29}F_2N_5O_3$ 2254706-21-1



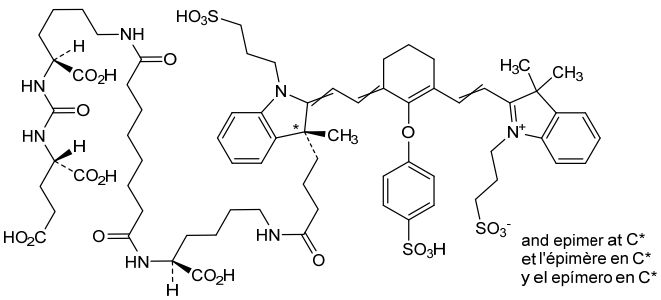
sonzivotidum filricianinum

sonzivotide filricianine 3-(3,3-dimethyl-2-{(Ξ)-2-[(3Ξ)-3-[(2Ξ)-2-{(3*RS*)-3-methyl-1-(3-sulfopropyl)-3-[(3*S*,7*S*,22*S*)-1,3,7,22-tetracarboxy-5,13,20,28-tetraoxo-4,6,12,21,27-pentaazahentriacontan-31-yl]-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidene}ethylidene]-2-(4-sulfophenoxy)cyclohex-1-en-1-yl]ethen-1-yl}-3*H*-indol-1-ium-1-yl)propane-1-sulfonate
diagnostic imaging agent

sonzivotide filricianine 3-(3,3-diméthyl-2-{(Ξ)-2-[(3Ξ)-3-[(2Ξ)-2-{(3*RS*)-3-méthyl-1-(3-sulfopropyl)-3-[(3*S*,7*S*,22*S*)-1,3,7,22-tétracarboxy-5,13,20,28-tétraoxo-4,6,12,21,27-pentaazahéntriacontan-31-yl]-1,3-dihydro-2*H*-indol-2-ylidène}éthylidène]-2-(4-sulfophénoxy)cyclohex-1-én-1-yl]éthén-1-yl}-3*H*-indol-1-ium-1-yl)propane-1-sulfonate
agent d'imagerie diagnostique

sonzivotida filricianina 3-(3,3-dimetil-2-{(Ξ)-2-[(3Ξ)-3-[(2Ξ)-2-{(3*RS*)-3-metil-1-(3-sulfopropil)-3-[(3*S*,7*S*,22*S*)-1,3,7,22-tetracarboxi-5,13,20,28-tetraoxo-4,6,12,21,27-pentaazahentriacontan-31-il]-1,3-dihidro-2*H*-indol-2-ilideno}etilideno]-2-(4-sulfofenoxi)ciclohex-1-en-1-il]eten-1-il}-3*H*-indol-1-io-1-il)propano-1-sulfonato
agente de diagnóstico por imagen

$C_{71}H_{95}N_7O_{22}S_3$ 2135637-99-7



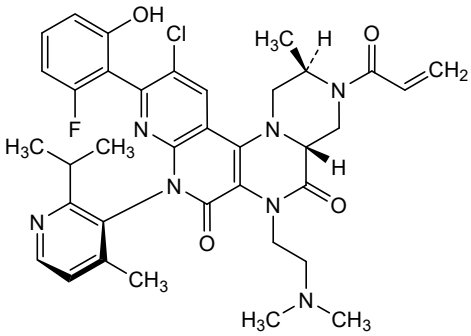
sosimerasibum

sosimerasib (2*R*,4a*R*,8*M*)-11-chloro-6-[2-(dimethylamino)ethyl]-10-(2-fluoro-6-hydroxyphenyl)-2-methyl-8-[4-methyl-2-(propan-2-yl)pyridin-3-yl]-3-(prop-2-enoyl)-2,3,4,4a,6,8-hexahydro-1*H*-pyrazino[1',2':4,5]pyrazino[2,3-*c*][1,8]naphthyridine-5,7-dione
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

sosimérasib (2*R*,4a*R*,8*M*)-11-chloro-6-[2-(diméthylamino)éthyl]-10-(2-fluoro-6-hydroxyphényl)-2-méthyl-8-[4-méthyl-2-(propan-2-yl)pyridin-3-yl]-3-(prop-2-énoyl)-2,3,4,4a,6,8-hexahydro-1*H*-pyrazino[1',2':4,5]pyrazino[2,3-*c*][1,8]naphtyridine-5,7-dione
inhibiteur d'homologue d'oncogène viral du sarcome de rat de Kirsten, antinéoplasique

sosimerasib (2*R*,4a*R*,8*M*)-11-cloro-6-[2-(dimetilamino)etil]-10-(2-fluoro-6-hidroxifenil)-2-metil-8-[4-metil-2-(propan-2-il)piridin-3-il]-3-(prop-2-enoil)-2,3,4,4a,6,8-hexahidro-1*H*-pirazino[1',2':4,5]pirazino[2,3-*c*][1,8]naftiridina-5,7-diona
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

$C_{36}H_{39}ClFN_7O_4$ 2839563-01-6



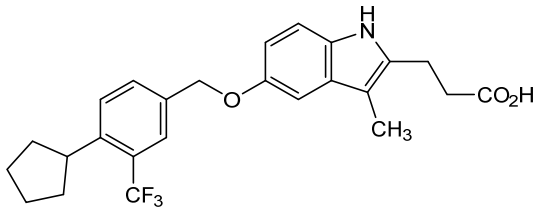
sumonerimodum

sumonerimod 3-(5-{[4-cyclopentyl-3-(trifluoromethyl)phenyl]methoxy}-3-methyl-1*H*-indol-2-yl)propanoic acid
sphingosine-1-phosphate receptor 1 agonist, immunomodulator

sumonérimod acide 3-(5-{[4-cyclopentyl-3-(trifluorométhyl)phényl]méthoxy}-3-méthyl-1*H*-indol-2-yl)propanoïque
agoniste du récepteur 1 du sphingosine-1-phosphate, immunomodulateur

sumonerimod ácido 3-(5-{[4-ciclopentil-3-(trifluorometil)fenil]metoxi}-3-metil-1*H*-indol-2-il)propanoico
agonista del receptor 1 de la esfingosina-1 fosfato, inmunomodulador

$C_{25}H_{26}F_3NO_3$ 2433782-42-2



suraxavirum marboxilum

suraxavir marboxil ({(12'a*R*)-12'-[(11*S*)-7,8-difluoro-6,11-dihydrodibenzo[*b*,*e*]thiepin-11-yl]-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tetrahydro-1'*H*,4'*H*-spiro[cyclopropane-1,3'-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin]-7'-yl}oxy)methyl methyl carbonate
antiviral

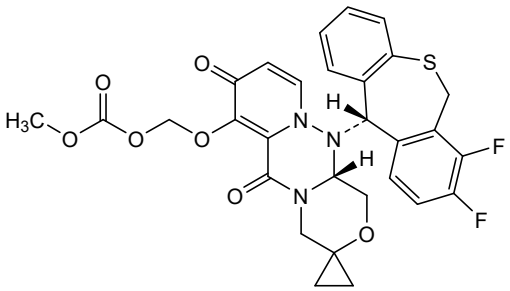
suraxavir marboxil

carbonate de ({(12'a*R*)-12'-[(11*S*)-7,8-difluoro-6,11-dihydrodibenzo[*b*,*e*]thiépin-11-yl]-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tétrahydro-1'*H*,4'*H*-spiro[cyclopropane-1,3'-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin]-7'-yl}oxy)méthyle et de méthyle
antiviral

suraxavir marboxilo

carbonato de ({(12'a*R*)-12'-[(11*S*)-7,8-difluoro-6,11-dihidrodibenzo[*b*,*e*]tiepin-11-il]-6',8'-dioxo-6',8',12',12'a-tetrahidro-1'*H*,4'*H*-espiro[ciclopropano-1,3'-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pirido[2,1-*f*][1,2,4]triazin]-7'-il}oxi)metilo y metilo
antiviral

$C_{29}H_{25}F_2N_3O_7S$ 2364589-86-4



suvonstobartum #

suvonstobart

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD24 (signal transducer CD24)], monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (87.5%) G121>R (110)/*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%) G121>R (110), L123>S (112), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03,G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 2-G1v6 CH2 A85.4, A118, A119 (CH1 R120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 S85.4>A (298), E118>A (333), K119>A (334) (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-220')-disulfide with L-kappa light chain (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (82.3%) -IGKJ4*01 (91.7%) I126>L (112'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

suvonstobart

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD24 (transducteur de signal CD24)], anticorps monoclonal;

chaîne lourde H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (87.5%) G121>R (110)/*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%) G121>R (110), L123>S (112), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03,G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 2-G1v6 CH2 A85.4, A118, A119 (CH1 R120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 S85.4>A (298), E118>A (333), K119>A (334) (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-220')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (82.3%) -IGKJ4*01 (91.7%) I126>L (112'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

suvonstobart — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD24 (transductor de señal CD24)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma1 (1-447) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV3-1*02 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (87.5%) G121>R (110)/*Homo sapiens* IGHV4-30-4*09 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (78.6%) G121>R (110), L123>S (112), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03,G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 2-G1v6 CH2 A85.4, A118, A119 (CH1 R120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 S85.4>A (298), E118>A (333), K119>A (334) (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-220')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-220') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-27*01 (82.3%) -IGKJ4*01 (91.7%) I126>L (112'), CDR-IMGT [12.3.9] (27'-38'.56'-58'.95'-103')) (1'-113') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (159'), V101 (197')) (114'-220')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

2983834-87-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
DVQLQESGPD LVKPSQSLSL TCTVTGYSIT SGYSWHWIRQ FPGNKLEWMG  50
YIHYSGSTKY NPSLKSRISI TRDTSKNQFF LQLNSVTTED TATYFCARGA 100
DYALDYWGQR TSVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKRVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNATY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIAATISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKSSQSLL YSSNQKNYLA WYQQKPGKAP  50
KLLIYWASTR ESGVPSRFSG SGSGTDFTLT ISSLQPEDFA TYYCQQNFIY 100
PLTFGGGTKV ELKRTVAAPS VFIFPPSDEQ LKSGTASVVC LLNNFYPREA 150
KVQWKVDNAL QSGNSQESVT EQDSKDSTYS LSSTLTLSKA DYEKHKVYAC 200
EVTHQGLSSP VTKSFNRGEC                                  220
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22''-96'' 144''-200'' 261''-321'' 367''-425''
Intra-L (C23-C104) 23'-94' 140'-200'
23'''-94''' 140'''-200'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-220' 220''-220'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226'' 229-229''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447''

talicabtagene autoleucelum #

talicabtagene autoleucel — autologous peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) obtained by leukapheresis enriched for CD3+ T lymphocytes, transduced with a self-inactivating non-replicating lentiviral vector encoding a chimeric antigen receptor (CAR) targeting CD19, comprising a CD8α leader sequence, a humanised anti-CD19 single chain variable fragment (scFv; derived from the FMC63 antibody), human CD8α hinge and transmembrane domain, human 4-1BB co-stimulatory domain and human CD3ζ signalling domain, under control of the elongation factor-1 alpha (EF-1α) promoter. The vector genome also contains an HIV-1 packaging signal (ψ), a Rev response element (RRE), a central polypurine tract (cPPT)/central termination sequence (CTS) and is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs). The vector is pseudotyped with vesicular stomatitis virus (VSV) G glycoprotein. The leukapheresis material is enriched for CD3+ T lymphocytes by positive immunoselection, activated by CD3 and CD28 agonists and transduced with the lentiviral vector. The cells are then expanded in media supplemented with human AB serum and interleukin 2 (IL-2). The T lymphocytes (≥95%) are positive for the transgene (≥15% CAR positive) and are cytotoxic (≥50%) when co-cultured with CD19 expressing tumour cell lines
cell-based gene therapy (antineoplastic)

talicabtagène autoleucel — cellules mononucléaires du sang périphérique (PBMC) autologues, obtenues par leucaphérèse et enrichies en lymphocytes T CD3+, transduites avec un vecteur lentiviral non réplicatif auto-inactivant codant un récepteur antigénique chimérique (RAC) ciblant CD19, comprenant une séquence de tête CD8α, un fragment variable à chaîne unique anti-CD19 humanisé (scFv; dérivé de l'anticorps FMC63), un domaine charnière et un domain transmembranaire CD8α humain, un domaine co-stimulateur 4-1BB humain et un domaine de signalisation CD3ζ humain, sous le contrôle du promoteur du facteur d'élongation 1 alpha (EF-1α). Le génome du vecteur contient également un signal d'emballage du VIH-1 (ψ), un élément de réponse Rev (RRE), un tractus polypurine central (cPPT)/séquence de terminaison centrale (CTS), et est flanqué de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et en 3'. Le vecteur est pseudotypé avec la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV).
Le matériel de leucaphérèse est enrichi en lymphocytes T CD3+ par immunosélection positive, activé par des agonistes CD3 et CD28 et transduit avec le vecteur lentiviral. Les cellules sont ensuite épansées dans un milieu supplémenté de sérum AB humain et d'interleukine 2 (IL-2). Les lymphocytes T (≥95%) sont positifs pour le transgène (≥15% RAC positifs), et sont cytotoxiques (≥50%) lorsqu'ils sont co-cultivés avec des lignées cellulaires tumorales exprimant CD19
thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)

talicabtagén autoleucel — células monucleares de sangre periférica (PBMCs) autólogas obtenidas por leucoaféresis, enriquecidas en linfocitos T CD3+, transducidas con un vector lentiviral auto-inactivante, no replicativo, que codifica un receptor de antígenos quimérico (CAR) dirigido a CD19, que consta de una secuencia líder de CD8α, un fragmento variable de cadena sencilla anti-CD19 humanizado (scFv; derivado del anticuerpo FMC63), un dominio bisagra y transmembrana de CD8α, un dominio coestimulador de 4-1BB humano y un dominio de señalización de CD3ζ humano, bajo el control del promotor del factor de elongación 1 alfa (EF-1α). El genoma del vector también contiene una señal de empaquetamiento del HIV-1 (ψ), un elemento de

respuesta Rev (RRE) y una secuencia de tracto de poli-purina central (cPPT)/terminación central (CTS), y está flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3'. El vector está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV).
El material de leucoaféresis se enriquece en linfocitos T CD3+ mediante inmunoselección positiva, se activa con agonistas de CD3 y CD28 y se transduce con el vector lentiviral. Las células se expanden después en medio suplementado con suero AB humano e interleuquina 2 (IL-2). Los linfocitos T (≥95%) son positivos para el transgén (≥15% CAR positivos) y son citotóxicos (≥50%) cuando se co-cultivan con líneas de células tumorales que expresan CD19
terapia génica basada en células (antineoplásico)

tanruprubartum

tanruprubart — immunoglobulin G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1q (complement C1q)], monoclonal antibody;
H-gamma4 heavy chain (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-64*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) S123>T (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), hinge 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L1.2>E (236), L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-214')-disulfide with L-kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV16-104*01 (89.5%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (80.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (227-227":230-230")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1SV, lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunosuppressant

tanruprubart — immunoglobuline G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1q (complément C1q)], anticorps monoclonal;
chaîne lourde H-gamma4 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-64*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) S123>T (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), charnière 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L1.2>E (236), L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV16-104*01 (89.5%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (80.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (227-227":230-230")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1SV, ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa
immunosuppresseur

tanruprubart

inmunoglobulina G4-kappa, anti-[*Homo sapiens* C1q (complemento C1q)], anticuerpo monoclonal;
cadena pesada H-gamma4 (1-448) [VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-64*01 (82.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%) S123>T (116)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (79.4%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.14] (26-33.51-58.97-110)) (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, *nG4m(a)* CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v3 CH2 E1.2 (CH1 (122-219), bisagra 1-12 S10>P (229) (220-231), CH2 L1.2>E (236), L92 (310) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV16-104*01 (89.5%) -IGKJ2*03 (90.9%) S120>Q (100')/*Homo sapiens* IGKV1-9*03 (80.9%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (227-227'':230-230'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1SV, en ausencia del gen glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa
inmunosupresor

2065212-40-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVQSGAE LKKPGASVKV SCKSSGYHFT SYWMHWVKQA PGQGLEWIGV  50
IHPNSGSINY NEKFESRVTI TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAGER 100
DSTEVLPMDY WGQGTTVTVS SASTKGPSVF PLAPCSRSTS ESTAALGCLV 150
KDYFPEPVTV SWNSGALTSG VHTFPAVLQS SGLYSLSSVV TVPSSSLGTK 200
TYTCNVDHKP SNTKVDKRVE SKYGPPCPPC PAPEFEGGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSQE DPEVQFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQFNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSQEEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSVMH EALHNHYTQK SLSLSLGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DVQITQSPSS LSASLGERAT INCRASKSIN KYLAWYQQKP GKAPKLLIYS  50
GSTLQSGIPA RFSGSGSGTD FTLTISSLEP EDFAMYYCQQ HNEYPLTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 148-204 262-322 368-426
22''-96'' 148''-204'' 262''-322'' 368''-426''
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 135-214' 135''-214'''
Inter-H-H (h 8, h 11) 227-227'' 230-230''

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 298, 298''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 448, 448''

tarvicopanum

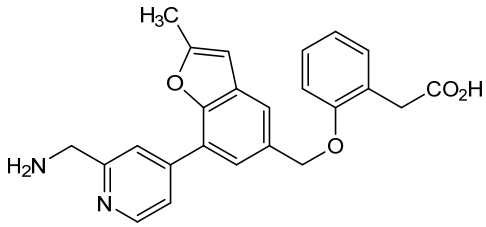
tarvicopan

[2-({7-[2-(aminomethyl)pyridin-4-yl]-2-methyl-1-benzofuran-5-yl}methoxy)phenyl]acetic acid
complement factor D inhibitor

tarvicopan — acide [2-({7-[2-(aminométhyl)pyridin-4-yl]-2-méthyl-1-benzofuran-5-yl}méthoxy)phényl]acétique
inhibiteur du facteur D du complément

tarvicopán — ácido [2-({7-[2-(aminometil)piridin-4-il]-2-metil-1-benzofuran-5-il}metoxi)fenil]acético
inhibidor del factor D del complemento

$C_{24}H_{22}N_2O_4$ 2378381-06-5



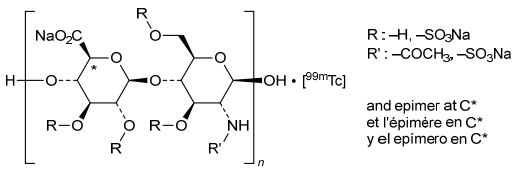
technetium (^{99m}Tc) gleceparinum sodium

technetium (^{99m}Tc) gleceparin sodium — sodium salt of heparin with degree of sulfatation about 2.7 per disaccharide unit, fractionated to a product containing ≥ 50 % of molecules with mass > 20 kDa, radiolabeled with (^{99m}Tc)technetium
imaging agent

technétium (^{99m}Tc) glécéparine sodique — sel de sodium d'héparine avec une degré de sulfatation d'environ 2,7 par unité disaccharidique, fractionné en un produit contenant ≥ 50 % de molécules de masse > 20 kDa, radiomarqué avec du (^{99m}Tc)technétium
agent d'imagerie diagnostique

tecnecio (^{99m}Tc) gleceparina sódica — sal sódica de heparina con un grado de sulfatación de aproximadamente 2,7 por unidad disacarídica, fraccionada hasta obtener un producto que contenga ≥ 50 % de moléculas con masa > 20 kDa, radiomarcado con (^{99m}Tc)tecnecio
agente de diagnóstico por imagen

3004691-95-3



tersolisibum

tersolisib — *N*-(2-aminopyrimidin-5-yl)-*N*'-[(1*R*)-1-(5,7-difluoro-3-methyl-1-benzofuran-2-yl)-2,2,2-trifluoroethyl]urea
phosphatidylinositol 3-kinase inhibitor, antineoplastic

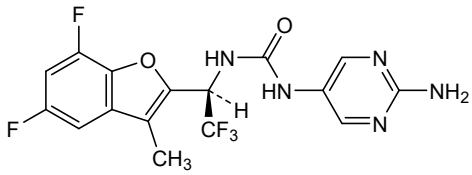
tersolisib

N-(2-aminopyrimidin-5-yl)-*N*'-[(1*R*)-1-(5,7-difluoro-3-méthyl-1-benzofuran-2-yl)-2,2,2-trifluoroéthyl]urée
inhibiteur de la phosphatidylinositol 3-kinase (PI3K), antinéoplasique

tersolisib

N-(2-aminopirimidin-5-il)-*N*'-[(1*R*)-1-(5,7-difluoro-3-metil-1-benzofuran-2-il)-2,2,2-trifluoroetil]urea
inhibidor de la kinasa-3 del fosfatidilinositol (PI3K), antineoplásico

$C_{16}H_{12}F_5N_5O_2$ 2883540-92-7



tetrandrinum

tetrandrine

(1^1S,3^1S)-1^6,3^6,3^7,5^4-tetramethoxy-1^2,3^2-dimethyl-1^1,1^2,1^3,1^4,3^1,3^2,3^3,3^4-octahydro-2,6-dioxa-1(7,1),3(8,1)-diisoquinolina-5(1,3),7(1,4)-dibenzenacyclooctaphane; 6,6',7,12-tetramethoxy-2,2'-dimethyl-1-*epi*-berbaman
multi-drug resistance (MDR) modulator, antineoplastic

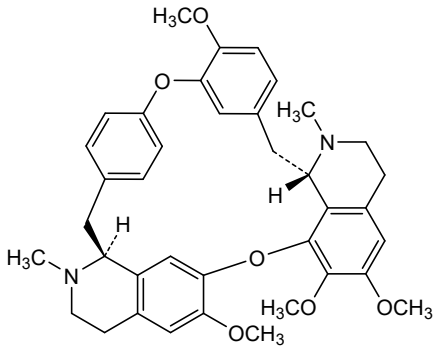
tétrandrine

(1^1S,3^1S)-1^6,3^6,3^7,5^4-tétraméthoxy-1^2,3^2-diméthyl-1^1,1^2,1^3,1^4,3^1,3^2,3^3,3^4-octahydro-2,6-dioxa-1(7,1),3(8,1)-diisoquinoléina-5(1,3),7(1,4)-dibenzénacyclooctaphane; 6,6',7,12-tétraméthoxy-2,2'-diméthyl-1-*épi*-berbamane
modulateur de la multirésistance aux médicaments (MDR), antinéoplasique

tetrandrina

(1^1S,3^1S)-1^2,3^2-dimetil-1^6,3^6,3^7,5^4-tetrametoxi-1^1,1^2,1^3,1^4,3^1,3^2,3^3,3^4-octahidro-2,6-dioxa-1(7,1),3(8,1)-diisoquinoleina-5(1,3),7(1,4)-dibencenaciclooctafano; 2,2'-dimetil-6,6',7,12-tetrametoxi-1-*epi*-berbamano
modulador de resistencia a múltiples fármacos (MDR), antineoplásico

$C_{38}H_{42}N_2O_6$ 518-34-3



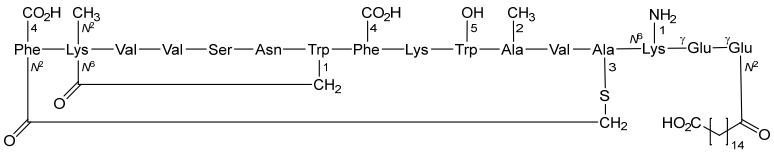
tezusomantum

tezusomant *N*-(15-carboxypentadecanoyl)-L-γ-glutamyl-L-γ-glutamyl-N^{6}-{$N^{6.2}$,$C^{1.7}$-anhydro-$S^{N.1}$,$C^{3.13}$-cyclo[4-carboxy-*N*-(sulfanylacetyl)-L-phenylalanyl-N^{2}-methyl-L-lysyl-L-valyl-L-valyl-L-seryl-L-asparaginyl-1-(carboxymethyl)-L-tryptophyl-4-carboxy-L-phenylalanyl-L-lysyl-5-hydroxy-L-tryptophyl-2-methylalanyl-L-valyl-L-alanyl]}-L-lysinamide
growth hormone receptor antagonist, acromegaly

tézusomant *N*-(15-carboxypentadécanoyl)-L-γ-glutamyl-L-γ-glutamyl-N^{6}-{$N^{6.2}$,$C^{1.7}$-anhydro-$S^{N.1}$,$C^{3.13}$-cyclo[4-carboxy-*N*-(sulfanylacétyl)-L-phénylalanyl-N^{2}-méthyl-L-lysyl-L-valyl-L-valyl-L-séryl-L-asparaginyl-1-(carboxyméthyl)-L-tryptophyl-4-carboxy-L-phénylalanyl-L-lysyl-5-hydroxy-L-tryptophyl-2-méthylalanyl-L-valyl-L-alanyl]}-L-lysinamide
antagoniste du récepteur de l'homone de croissance, acromégalie

tezusomant *N*-(15-carboxipentadecanoil)-L-γ-glutamil-L-γ-glutamil-N^{6}-{$N^{6.2}$,$C^{1.7}$-anhidro-$S^{N.1}$,$C^{3.13}$-ciclo[4-carboxi-*N*-(sulfanilacetil)-L-fenilalanil-N^{2}-metil-L-lisil-L-valil-L-valil-L-seril-L-asparaginil-1-(carboximetil)-L-triptofil-4-carboxi-L-fenilalanil-L-lisil-5-hidroxi-L-triptofil-2-metilalanil-L-valil-L-alanil]}-L-lisinamida
antagonista del receptor de la hormona del crecimiento, acromegalia

$C_{120}H_{171}N_{23}O_{32}S$ 2802416-72-2



tilrekimigum #

tilrekimig immunoglobulin (L-kappa-H-gamma1 (_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukin 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukin 13, IL-13)] and anti-[*Homo sapiens* TSLP (thymic stromal lymphopoietin)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody, trispecific, trivalent;
fused L-kappa-H-gamma1 heavy chain anti-IL13 and anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 humanized (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)]-5-mer (tetraglycyl-seryl) linker (219-223) -H-gamma1 heavy chain anti-IL4 *Homo sapiens* (224-674) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 hinge E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), hinge 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfide with L-VH-G1(CH1-h) light chain anti-IL13 humanized (1'-221') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo*

sapiens IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), hinge 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* anti-IL4 *Homo sapiens* (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')]; H-gamma1 heavy chain anti-TSLP *Homo sapiens* (1''-452'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26''-33''.51''-58''.97''-111'')) (1''-122'')-*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 hinge R6, CH3 R88 (CH1 R120>K (219'') (123''-220''), hinge 1-15 D6>R (226'') (221''-235''), CH2 L1.3>A (239''), L1.2>A (240''), G1>A (242'') (236''- 345''), CH3 E12 (361''), M14 (363''), K88>R (414''), M107>L (433''), N114>S (439'') (346''-450''), CHS (451''-452'')) (123''-452'')], (225''-213'''')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-TSLP *Homo sapiens* (1''''-214'''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (94.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26''''-31''''.49''''-51''''.88''''-98'''')) (1''''-108'''')] -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109''''-214'''')]; dimer (453-231'':456-234'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV lacking the glutamine synthetase (GS-KO) gene, glycoform alfa
immunosuppressant, anti-inflammatory

tilrékimig

immunoglobuline (L-kappa-H-gamma1 (_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukine 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukine 13, IL-13)] et anti-[*Homo sapiens* TSLP (lymphopoïétine stromale thymique)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens* trispécifique, trivalent;
chaîne fusionnée L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 et anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 humanisée (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)] -5-mer (tétraglycyl-séryl) linker (219-223) -chaîne lourde H-gamma1 anti-IL4 *Homo sapiens* (224-674) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 hinge E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), charnière 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfure avec la chaîne légère L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 humanisée (1'-221')[VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), charnière 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-IL4 *Homo sapiens* (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')]; chaîne lourde H-gamma1 anti-TSLP *Homo sapiens* (1''-452'') [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26''-33''.51''-58''.97''-111'')) (1''-122'') -*Homo*

sapiens IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 hinge R6, CH3 R88 (CH1 R120>K (219") (123"-220"), charnière 1-15 D6>R (226") (221"-235"), CH2 L1.3>A (239"), L1.2>A (240"), G1>A (242") (236"- 345"), CH3 E12 (361"), M14 (363"), K88>R (414"), M107>L (433"), N114>S (439") (346"-450"), CHS (451"-452")) (123"-452")], (225"-213"")-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-TSLP *Homo sapiens* (1""-214"") [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (94.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26""-31"".49""-51"".88""-98"")) (1""-108"") -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109""-214"")]; dimère (453-231":456-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV ne présentant pas le gène de la glutamine synthétase (GS-KO), glycoforme alfa *immunosuppresseur, anti-inflammatoire*

tilrekimig

inmunoglobulina (L-kappa-H-gamma1 (_L-VH-G1(CH1-h))_L-kappa)_(H-gamma1_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* IL4 (interleukina 4, IL-4)], anti-[*Homo sapiens* IL13 (interleukina 13, IL-13)] y anti-[*Homo sapiens* TSLP (linfopoyetina estromal tímica)], anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens* triespecífico, trivalente;
cadena fusionada L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 anti-IL4 (1-674) [L-kappa anti-IL13 humanizada (1-218) [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (82.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-111) -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157), V101 (195)) (112-218)] -5-mer (tetraglicil-seril) enlace (219-223) -cadena pesada H-gamma1 anti-IL4 *Homo sapiens* (224-674) [VH (*Homo sapiens* IGHV2-5*08 (87.0%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.9%) M123>T (339), CDR-IMGT [10.7.13] (249-258.276-282.321-333)) (224-344) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-1 bisagra E6, CH3 E24 (CH1 R120>K (441) (345-442), bisagra 1-15 D6>E (448) (443-457), CH2 L1.3>A (461), L1.2>A (462), G1>A (464) (458-567), CH3 E12 (583), M14 (585), L24>E (595), M107>L (655), N114>S (661) (568-672), CHS (673-674)) (345-674)]]; (218-221')-disulfuro con la cadena ligera L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 humanizada (1'-221')[VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (91.8%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.12] (26'-33'.51'-57'.96'-107')) (1'-118') -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1, CH1 K120 (CH1 R120>K (215') (119'-216'), bisagra 1-5 (217'-221')) (119'-221')]; (447-218''')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-IL4 *Homo sapiens* (1'''-218''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-39*01 (87.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'''-36'''.54'''-56'''.93'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'''), V101 (195''')) (112'''-218''')];
cadena pesada H-gamma1 anti-TSLP *Homo sapiens* (1"-452") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-33*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.8%), CDR-IMGT [8.8.15] (26"-33".51"-58".97"-111")) (1"-122") -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 9-G1v24 CH3 L107, S114, 14-G1v99-2 bisagra R6, CH3 R88 (CH1 R120>K (219") (123"-220"), bisagra 1-15 D6>R (226") (221"-235"), CH2 L1.3>A (239"), L1.2>A (240"), G1>A (242") (236"- 345"), CH3 E12 (361"), M14 (363"), K88>R (414"), M107>L (433"), N114>S (439") (346"-450"), CHS (451"-452")) (123"-452")], (225"-213"")-disulfuro con la cadena

ligera L-lambda2 anti-TSLP *Homo sapiens* (1""-214"") [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (94.8%) -IGLJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.11] (26""-31"".49""-51"".88""-98"")) (1""-108"") -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (109""-214"")]; dímero (453-231":456-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV en ausencia del gen de la glutamina sintetasa (GS-KO), forma glicosilada alfa *inmunosupresor, antiinflamatorio*

2981469-90-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused L-kappa-H-gamma1 anti-IL13 and anti-IL4 (H)

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCKASESVD HFGWSLVHWY QQKPGKAPKL  50
LIYRASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQQSNEDPW 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGECGG GGSEVTLRES GPALVKPTQT LTLTCTFSGF 250
SLSNFGEGLS WIRQPPGKGL EWLAHIYWDD DKRYNPSLKS RLTISKDTSR 300
NQVVLTMTNM DPVDTATYYC ARRETVFYWY FDVWGQGTTV TVSSASTKGP 350
SVFPLAPSSK STSGGTAALG CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV 400
LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL GTQTYICNVN HKPSNTKVDK KVEPKSCEKT 450
HTCPPCPAPE AAGAPSVFLF PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV 500
KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV 550
SNKALPAPIE KTISKAKGQP REPQVYTLPP SREEMTKNQV SLTCEVKGFY 600
PSDIAVEWES NGQPENNYKT TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF 650
SCSVLHEALH SHYTQKSLSL SPGK                             674
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-VH-G1(CH1-h) anti-IL13 (L')

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYAMSWVRQA PGKGLEWVAS  50
ISSGDTTYYP DSVKGRFTIS RDNAKNSLYL QMNSLRAEDT AVYYCARNEG 100
YYFGLTLWGQ GTLVTVSSAS TKGPSVFPLA PSSKSTSGGT AALGCLVKDY 150
FPEPVTVSWN SGALTSGVHT FPAVLQSSGL YSLSSVVTVP SSSLGTQTYI 200
CNVNHKPSNT KVDKKVEPKS C                                221
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-IL4 (L''')

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQSVD EEGDSYMNWY QQKPGKAPKL  50
LIYAASNLES GVPSRFSGSG SGTDFTLTIS SLQPEDFATY YCQQSNKDPP 100
TFGGGTKVEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC                                    218
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma1 anti-TSLP (H")

```
QMQLVESGGG VVQPGRSLRL SCAASGFTFR TYGMHWVRQA PGKGLEWVAV  50
IWYDGSNKHY ADSVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARAP 100
QWYLVHEAFD IWGQGTMVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKKV EPKSCRKTHT CPPCPAPEAA GAPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP 400
PVLDSDGSFF LYSRLTVDKS RWQQGNVFSC SVLHEALHSH YTQKSLSLSP 450
GK                                                     452
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-lambda2 anti-TSLP (L"")

```
SYVLTQPPSV SVAPGQTARI TCGGNNLGSK SVHWYQQKPG QAPVLVVYDD  50
KDRPSWIPER FSGSNSGNTA TLTISRGEAG DEADYYCQVW DSKSDHVVFG 100
GGTKLTVLGQ PKAAPSVTLF PPSSEELQAN KATLVCLISD FYPGAVTVAW 150
KADSSPVKAG VETTTPSKQS NNKYAASSYL SLTPEQWKSH RSYSCQVTHE 200
GSTVEKTVAP TECS                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 23-92 138-198 245-320 371-427 488-548 594-652
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"

Intra-L (C23-C104) 22'-95' 145'-201'
23'''-92''' 138'''-198'''
22""-87"" 136""-195""

Inter-H-L' (CL 126-h 5)* 218-221'

Inter-H-L" (h 5-CL 126) 447-218''' 225"-213""

Inter-H-H (h 11, h 14) 453-231" 456-234"

*crosslink / lien croisé / enlace cruzado

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 524, 302"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / Glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 674, 452"

tivinectidum

tivinectide

N$^{6.5}$,*N*$^{6.5'}$-({12-[2-(2-{2-[3-oxo-3-({*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.5}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][L-cysteinyl-L-prolyl-3-(naphthalen-1-yl)-L-alanyl-L-α-aspartyl-L-cysteinyl-L-methionyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-tryptophyl-L-seryl-L-threonyl-L-prolyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-tryptophyl-L-cysteinamide]}-*N*$^{2.1}$-yl)propoxy]ethoxy}ethoxy)ethyl]-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12-azatricosane-1,23-diyl}bis[1*H*-1,2,3-triazole-1,4-diyl(1-oxopropane-3,1-diyl)])bis{*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.8}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][*N*-acetyl-L-cysteinyl-4-methyl-L-leucyl-L-prolyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-prolyl-L-tyrosyl-L-cysteinyl-L-phenylalanyl-L-alanyl-L-α-aspartyl-L-prolyl-L-tyrosyl-(2*S*)-2-aminohexanoyl-L-cysteinyl-L-alaninamide]}

immunostimulant, antineoplastic

tivinectide

N$^{6.5}$,*N*$^{6.5'}$-({12-[2-(2-{2-[3-oxo-3-({*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.5}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][-L-cystéinyl-L-prolyl-3-(naphtalén-1-yl)-L-alanyl-L-α-aspartyl-L-cystéinyl-L-méthionyl-*N*^{6}-carbamimidoyl-L-lysyl-L-α-aspartyl-L-tryptophyl-L-séryl-L-thréonyl-L-prolyl-(4*R*)-4-hydroxy-L-prolyl-L-tryptophyl-L-cystéinamide]}-*N*$^{2.1}$-yl)propoxy]éthoxy}éthoxy)éthyl]-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12-azatricosane-1,23-diyl}bis[1*H*-1,2,3-triazole-1,4-diyl(1-oxopropane-3,1-diyl)])bis{*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.8}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinane-1,3,5-triyl)tris(3-oxopropane-3,1-diyl)][*N*-acétyl-L-cystéinyl-4-méthyl-L-leucyl-L-prolyl-L-α-glutamyl-L-lysyl-L-prolyl-L-tyrosyl-L-cystéinyl-L-phénylalanyl-L-alanyl-L-α-aspartyl-L-prolyl-L-tyrosyl-(2*S*)-2-aminohexanoyl-L-cystéinyl-L-alaninamide]}

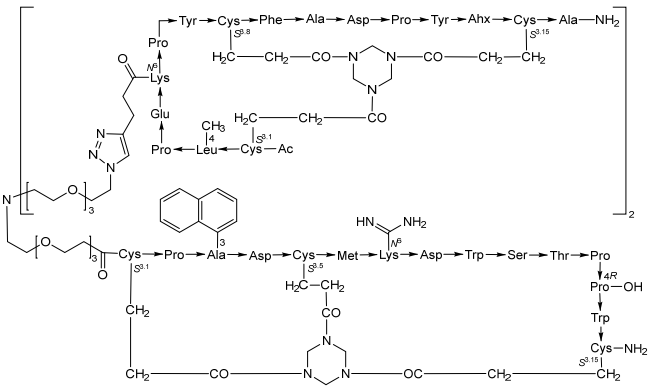
immunostimulant, antinéoplasique

tivinectida

N$^{6.5}$,*N*$^{6.5'}$-({12-[2-(2-{2-[3-oxo-3-({*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.5}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinano-1,3,5-triil)tris(3-oxopropano-3,1-diil)][-L-cisteinil-L-prolil-3-(naftalen-1-il)-L-alanil-L-α-aspartil-L-cisteinil-L-metionil-*N*^{6}-carbamimidoil-L-lisil-L-α-aspartil-L-triptofil-L-seril-L-treonil-L-prolil-(4*R*)-4-hidroxi-L-prolil-L-triptofil-L-cisteinamida]}-*N*$^{2.1}$-il)propoxi]etoxi}etoxi)etil]-3,6,9,15,18,21-hexaoxa-12-azatricosano-1,23-diil}bis[1*H*-1,2,3-triazolo-1,4-diil(1-oxopropano-3,1-diil)])bis{*S*$^{3.1}$,*S*$^{3.8}$,*S*$^{3.15}$-[(1,3,5-triazinano-1,3,5-triil)tris(3-oxopropano-3,1-diil)][*N*-acetil-L-cisteinil-4-metil-L-leucil-L-prolil-L-α-glutamil-L-lisil-L-prolil-L-tirosil-L-cisteinil-L-fenilalanil-L-alanil-L-α-aspartil-L-prolil-L-tirosil-(2*S*)-2-aminohexanoil-L-cisteinil-L-alaninamida]}

inmunoestimulante, antineoplásico

$C_{331}H_{467}N_{73}O_{89}S_{10}$ 2762739-36-4



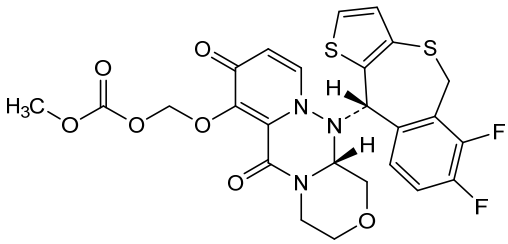
tivoxavirum marboxilum

tivoxavir marboxil — ({(12a*R*)-12-[(10*S*)-6,7-difluoro-5,10-dihydrothieno[3,2-*c*][2]benzothiepin-10-yl]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahydro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl}oxy)methyl methyl carbonate
antiviral

tivoxavir marboxil — carbonate de ({(12a*R*)-12-[(10*S*)-6,7-difluoro-5,10-dihydrothiéno[3,2-*c*][2]benzothiépin-10-yl]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahydro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pyrido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-yl}oxy)méthyle et de méthyle
antiviral

tivoxavir marboxilo — carbonato de ({(12a*R*)-12-[(10*S*)-6,7-difluoro-5,10-dihidrotieno[3,2-*c*][2]benzotiepin-10-il]-6,8-dioxo-3,4,6,8,12,12a-hexahidro-1*H*-[1,4]oxazino[3,4-*c*]pirido[2,1-*f*][1,2,4]triazin-7-il}oxi)metilo y metilo
antiviral

$C_{25}H_{21}F_2N_3O_7S_2$ 2417851-93-3



tixentamigum #

tixentamig — immunoglobulin (H-gamma1_L-kappa)_scFvhh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] and anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudin 18, claudin-18, surfactant associated protein J, SFTPJ) isoform 2], monoclonal antibody, bispecific, trivalent;
H-gamma1 heavy chain anti-CD3E (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114))(1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 14-G1v74 CH3 C10 (CH1R120>K (222) (126-223), hinge 1-15 (224-238), CH2 L1.3>A (242), L1.2>A (243), G1>A (245) (239-348), CH3 S10>C (362), E12 (364), M14 (366), T22>W (374) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*02 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'-215')];

scFvhh-G1(h-CH2-CH3) heavy chain anti-CLDN18 (1"-491") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*03 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (111"), L124>T (116"), CDR-IMGT [8.8.14] (26"-33".51"-58".97"-110")) (1"-121") -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (122"-136") -VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*03 (94.9%) -IGHD -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (247"), L124>T (252"), CDR-IMGT [8.8.14] (162"-169".187"-194".233"-246")) (137"-257") -2-mer alanyl-seryl linker (258"-259") -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, G1m3>G1m17, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 hinge S5, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 14-G1v75 CH3 C5 (hinge 1-15 C5>S (264") (260"-274"), CH2 L1.3>A (278), L1.2>A (279), G1>A (281) (275"-384"), CH3 Y5>C (393"), E12 (400), M14 (402), T22>S (410"), L24>A (412"), Y86>V (451") (385"-489"), CHS (490"-491")) (260"-491")]; dimer (234-270":237-273")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

tixentamig

immunoglobuline (H-gamma1_L-kappa)_scFvhh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 epsilon, Leu-4)] and anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudine 18, claudine-18, protéine J associée au surfactant, SFTPJ) isoforme 2], anticorps monoclonal, bispécifique, trivalent;
chaîne lourde H-gamma1 anti-CD3E (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 14-G1v74 CH3 C10 (CH1R120>K (222) (126-223), charnière 1-15 (224-238), CH2 L1.3>A (242), L1.2>A (243), G1>A (245) (239-348), CH3 S10>C (362), E12 (364), M14 (366), T22>W (374) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-bisdisulfure avec la chaine légère L-lambda2 anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*02 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'-215')];
chaîne lourde scFvhh-G1(h-CH2-CH3) anti-CLDN18 (1"-491") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*03 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (111"), L124>T (116"), CDR-IMGT [8.8.14] (26"-33".51"-58".97"-110")) (1"-121") -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (122"-136") -VH (*Homo*

sapiens IGHV3-74*03 (94.9%) -IGHD -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (247"), L124>T (252"), CDR-IMGT [8.8.14] (162"-169".187"-194".233"-246")) (137"-257") -2-mer alanyl-séryl linker (258"-259") -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, G1m3>G1m17, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 charnière S5, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 14-G1v75 CH3 C5 (charnière 1-15 C5>S (264") (260"-274"), CH2 L1.3>A (278), L1.2>A (279), G1>A (281) (275"-384"), CH3 Y5>C (393"), E12 (400), M14 (402), T22>S (410"), L24>A (412"), Y86>V (451") (385"-489"), CHS (490"-491")) (260"-491")]; dimère (234-270":237-273")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

tixentamig

inmunoglobulina (H-gamma1_L-kappa)_scFvhh-G1(h-CH2-CH3), anti-[*Homo sapiens* CD3E (CD3 épsilon, Leu-4)] y anti-[*Homo sapiens* CLDN18 (claudina 18, claudina-18, proteína J asociada a los surfactantes, SFTPJ) isoforma 2], anticuerpo monoclonal, biespecífico, trivalente;
cadena pesada H-gamma1 anti-CD3E (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-73*01 (92.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%) T123>L (120), CDR-IMGT [8.10.16] (26-33.51-60.99-114)) (1-125) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v32 CH3 W22 (knob), 14-G1v74 CH3 C10 (CH1R120>K (222) (126-223), bisagra 1-15 (224-238), CH2 L1.3>A (242), L1.2>A (243), G1>A (245) (239-348), CH3 S10>C (362), E12 (364), M14 (366), T22>W (374) (349-453), CHS (454-455)) (126-455)], (228-214')-bisdisulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-CD3E (1'-215') [V-LAMBDA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGLV1*01 (81.2%) -IGLJ1*01 (100%)/*Homo sapiens* IGLV7-46*02 (80.0%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.9] (26'-34'.52'-54'.91'-99')) (1'-109') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (110'-215')];
cadena pesada scFvhh-G1(h-CH2-CH3) anti-CLDN18 (1"-491") [VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*03 (94.9%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (111"), L124>T (116"), CDR-IMGT [8.8.14] (26"-33".51"-58".97"-110")) (1"-121") -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace (122"-136") -VH (*Homo sapiens* IGHV3-74*03 (94.9%) -IGHD -IGHJ1*01 (90.0%) W118>R (247"), L124>T (252"), CDR-IMGT [8.8.14] (162"-169".187"-194".233"-246")) (137"-257") -2-mer alanyl-séryl linker (258"-259") -*Homo sapiens* IGHG1*03v h-CH2-CH3-CHS, G1m3>G1m17, nG1m1 CH3 E12, M14, 15-G1v37 bisagra S5, 6-G1v14-1 CH2 A1.3, A1.2, A1, 14-G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), 14-G1v75 CH3 C5 (bisagra 1-15 C5>S (264") (260"-274"), CH2 L1.3>A (278), L1.2>A (279), G1>A (281) (275"-384"), CH3 Y5>C (393"), E12 (400), M14 (402), T22>S (410"), L24>A (412"), Y86>V (451") (385"-489"), CHS (490"-491")) (260"-491")]; dímero (234-270":237-273")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

2969220-04-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : H-gamma1 anti-CD3E (knob) (H)

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLKL SCAASGFTFS TYAMNWVRQA SGKGLEWVGR  50
IRSKYNNYAT YYADSVKDRF TISRDDSKNT AYLQMNSLKT EDTAVYYCTR 100
HGNFGNSYVS WFAYWGQGTL VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL 150
GCLVKDYFPE PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS 200
LGTQTYICNV NHKPSNTKVD KKVEPKSCDK THTCPPCPAP EAAGAPSVFL 250
FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQYNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLP PCREEMTKNQ VSLWCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS 450
LSPGK                                                  455
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera : L-lambda2 anti-CD3E (L')

```
QAVVTQEPSL TVSPGGTVTL TCRSSTGAVT TSNYANWVQQ KPGQAPRGLI  50
GGTNKRAPWT PARFSGSLLG DKAALTLLGA QPEDEAEYFC ALWYSNLWVF 100
GGGTKLTVLG QPKAAPSVTL FPPSSEELQA NKATLVCLIS DFYPGAVTVA 150
WKADSSPVKA GVETTTPSKQ SNNKYAASSY LSLTPEQWKS HRSYSCQVTH 200
EGSTVEKTVA PTECS                                       215
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada : scFvhh-G1(h-CH2-CH3) anti-CLDN18 (hole) (H")

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYWMHWVRQV PGKGLVWVSR  50
ISSDASRTIY ADSVKGRFTI SRDNAKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARGE 100
DHDILTGYPI RGQGTTVTVS SGGGGSGGGG SGGGGSEVQL VESGGGLVQP 150
GGSLRLSCAA SGFTFSSYWM HWVRQVPGKG LVWVSRISSD ASRTIYADSV 200
KGRFTISRDN AKNTLYLQMN SLRAEDTAVY YCARGEDHDI LTGYPIRGQG 250
TTVTVSSASE PKSSDKTHTC PPCPAPEAAG APSVFLFPPK PKDTLMISRT 300
PEVTCVVVDV SHEDPEVKFN WYVDGVEVHN AKTKPREEQY NSTYRVVSVL 350
TVLHQDWLNG KEYKCKVSNK ALPAPIEKTI SKAKGQPREP QVCTLPPSRE 400
EMTKNQVSLS CAVKGFYPSD IAVEWESNGQ PENNYKTTPP VLDSDGSFFL 450
VSKLTVDKSR WQQGNVFSCS VMHEALHNHY TQKSLSLSPG K          491
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104)	22-98	152-208	269-329	375-433
	22"-96"	158"-232"	305"-365"	411"-469"
Intra-L (C23-C104)	22'-90'	137'-196'		
Inter-H-L (h 5-CL 126)	228-214'			
Inter-H-H (h 11, h 14)	234-270"	237-273"		
Inter-H-H (CH3 C10-C5)*	362-393"			

*variants 14-G1v74 (H CH3 C10) and 14-G1v75 (H" CH3 C5) creating an additional inter-H-H disulfide bond.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
L VL V-LAMBDA Q1: 1'

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 305, 341"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 455, 491"

tixestobartum #
tixestobart

immunoglobulin G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD27 (TNFRSF7, tumor necrosis factor receptor (TNFR) superfamily member 7)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;

	H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v4-2 CH2 R114, 10-G1v98 CH3 R1 (CH1 R120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 P114>R (328) (230-339), CH3 E1>R (344), E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfide with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')]; dimer (225-225'':228-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa *immunostimulant, antineoplastic*
tixestobart	immunoglobuline G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD27 (TNFRSF7, membre 7 de la superfamille des récepteurs du facteur de nécrose tumorale (TNFR))], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v4-2 CH2 R114, 10-G1v98 CH3 R1 (CH1 R120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 P114>R (328) (230-339), CH3 E1>R (344), E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')]; dimère (225-225'':228-228'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa *immunostimulant, antinéoplasique*
tixestobart	inmunoglobulina G1-lambda2, anti-[*Homo sapiens* CD27 (TNFRSF7, miembro 7 de la superfamilia de los receptores del factor de necrosis tumoral (TNFR))], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*; cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV7-4-1*02 (91.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 6-G1v4-2 CH2 R114, 10-G1v98 CH3 R1 (CH1 R120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 P114>R (328) (230-339), CH3 E1>R (344), E12 (355), M14 (357) (340-444), CHS K2>del (445)) (117-445)], (219-215')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-216') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*03 (94.7%) -IGLJ3*02 (100%), CDR-IMGT [9.3.10] (26'-34'.52'-54'.91'-100')) (1'-110') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (111'-216')]; dímero (225-225'':228-228'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa *inmunoestimulante, antineoplásico*

2733575-82-9

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLMQSGSE LKKPGASVKV SCRASGYTFT TYAMNWVRQA PGQGPEWMGW  50
INTNTGNPTY AQGFTGRFVF SLDTTVTTTY LQISSLKAED TAVYFCAREA 100
GSFDYWGQGT LVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PELLGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALRAP IEKTISKAKG QPRRPQVYTL 350
PPSREEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY KTTPPVLDSD 400
GSFFLYSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPG      445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
QSALTQPASV SGSPGQSITI SCTGTSSDVY YYNYVSWYQQ HPGRAPKLVI  50
YDVSNRPSGV SNRFSGSKSG NTASLTISGL RAEDEADYYC SSYTVNRVWV 100
FGGGTKLTVL GQPKAAPSVT LFPPSSEELQ ANKATLVCLI SDFYPGAVTV 150
AWKADSSPVK AGVETTTPSK QSNNKYAASS YLSLTPEQWK SHRSYSCQVT 200
HEGSTVEKTV APTECS                                     216
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 143"-199" 260"-320" 366"-424"

Intra-L (C23-C104) 22'-90' 138'-197'
22'''-90''' 138'''-197'''

Inter-H-L (h 5-CL 126) 219-215' 219"-215'''

Inter-H-H (h 11, h 14) 225-225" 228-228"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal

Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)

H VH Q1: 1, 1"

L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 296, 296"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

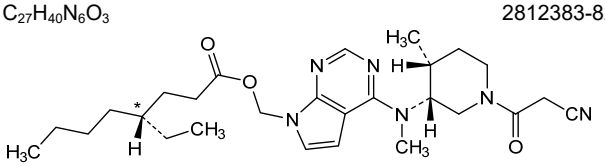
tofacitinibum etocomilum

tofacitinib etocomil (4-{[(3*R*,4*R*)-1-(cyanoacetyl)-4-methylpiperidin-3-yl](methyl)amino}-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl)methyl (4*RS*)-4-ethyloctanoate
Janus tyrosine kinase inhibitor, anti-inflammatory

tofacitinib étocomil (4*RS*)-4-éthyloctanoate de (4-{[(3*R*,4*R*)-1-(cyanoacétyl)-4-méthylpipéridin-3-yl](méthyl)amino}-7*H*-pyrrolo[2,3-*d*]pyrimidin-7-yl)méthyle
inhibiteur de la tyrosine kinase Janus, anti-inflammatoire

tofacitinib etocomilo (4*RS*)-4-etiloctanoato de (4-{[(3*R*,4*R*)-1-(cianoacetil)-4-metilpiperidin-3-il](metil)amino}-7*H*-pirrolo[2,3-*d*]pirimidin-7-il)metilo
inhibidor de la tirosina kinasa Janus, antiinflamatorio

$C_{27}H_{40}N_6O_3$ 2812383-82-5



and epimer at C*
et l'épimère en C*
y el epímero en C*

torvutatugum #

torvutatug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (folate receptor 1, folate receptor alpha, FR-alpha, adult folate-binding protein, FBP, ovarian tumor-associated antigen MOv18)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

torvutatug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (récepteur 1 du folate, récepteur alpha du folate, FR-alpha, protéine de l'adulte liant le folate, FBP, antigène MOv18 associé à des tumeurs ovariennes)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (228-228":231-231")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antinéoplasique

torvutatug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (receptor 1 del folato, receptor alfa del folato, FR-alfa, proteína adulta fijadora de folato, FBP, antígeno MOv18 asociado a los tumores ováricos)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (228-228":231-231")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa
antineoplásico

2975630-15-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
LVQLQQSGPG LVKPSQTLSL TCAISGDSVS SDSATWNWIR QSPSRGLEWL  50
GRTYYRSKWY NDYAVSVKSR ITINPDTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVYYCA 100
RGVGSFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSIS SWLAWYQQKP GKAPKLLIYK  50
ASGLESGVPS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP DDFATYYCQQ YNSYSQLTFG 100
GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-99 146-202 263-323 369-427
22"-99" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
23'"-88"' 135'"-195'"

Inter-H-L (h 5-CL 126) 222-215' 222"-215'"

Inter-H-H (h 11, h 14) 228-228" 231-231"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 449, 449"

torvutatugum samrotecanum #

torvutatug samrotecan

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (folate receptor 1, folate receptor alpha, FR-alpha, adult folate-binding protein, FBP, ovarian tumor-associated antigen MOv18)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; conjugated on eight cysteinyl residues to *samrotecan*, comprising a linker and a camptothecin derivative (*exatecan*);
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), hinge 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimer (228-228":231-231")-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the eight sulfur atoms of L-cysteinyl residues 222, 228, 231, 215', 222", 228", 231" and 215'" with (3*RS*)-1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-ethyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl]amino}-2-methyl-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*samrotecan*) groups
antineoplastic

torvutatug samrotécan	immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (récepteur 1 du folate, récepteur alpha du folate, FR-alpha, protéine de l'adulte liant le folate, FBP, antigène MOv18 associé à des tumeurs ovariennes)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*; conjugué par huit résidus cystéinyle au *samrotécan*, comprenant un linker et un dérivé de la camptothécine (*exatécan*); chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), charnière 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dimère (228-228'':231-231'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre des résidus L-cystéinyle 222, 228, 231, 215', 222'', 228'', 231'' et 215''' avec des groupes (3*RS*)-1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-éthyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-4-yl]amino}-2-méthyl-1,4,7,35-tétraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*samrotécan*) *antinéoplasique*
torvutatug samrotecán	inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* FOLR1 (receptor 1 del folato, receptor alfa del folato, FR-alfa, proteína adulta fijadora de folato, FBP, antígeno MOv18 asociado a los tumores ováricos)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugué par ocho résidus cystéinyle au *samrotécan*, que comprende un enlace y un derivado de la camptotecina (*exatecán*); cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-449) [VH (*Homo sapiens* IGHV6-1*01 (98.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [10.9.9] (26-35.53-61.100-108)) (1-119) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (216) (120-217), bisagra 1-15 (218-232), CH2 (233-342), CH3 E12 (358), M14 (360) (343-447), CHS (448-449)) (120-449)], (222-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (98.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.10] (27'-32'.50'-52'.89'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192')) (109'-215')]; dímero (228-228'':231-231'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en el átomo de azufre de los residuos L-cisteinilo 222, 228, 231, 215', 222'', 228'', 231'' y 215'' con grupos (3*RS*)-1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-etil-9-hidroxi-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-4-il]amino}-2-metil-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-il)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*samrotecán*) *antineoplásico*

2975630-26-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada (H, H")

```
LVQLQQSGPG LVKPSQTLSL TCAISGDSVS SDSATWNWIR QSPSRGLEWL  50
GRTYYRSKWY NDYAVSVKSR ITINPDTSKN QFSLQLNSVT PEDTAVYYCA 100
RGVGSFDYWG QGTLVTVSSA STKGPSVFPL APSSKSTSGG TAALGCLVKD 150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY 200
ICNVNHKPSN TKVDKRVEPK SCDKTHTCPP CPAPELLGGP SVFLFPPKPK 250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSH EDPEVKFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS 300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKAL PAPIEKTISK AKGQPREPQV 350
YTLPPSREEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL 400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ QGNVFSCSVM HEALHNHYTQ KSLSLSPGK  449
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera (L', L''')

```
DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASQSIS SWLAWYQQKP GKAPKLLIYK  50
ASGLESGVPS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP DDFATYYCQQ YNSYSQLTFG 100
GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-99 146-202 263-323 369-427
22"-99" 146"-202" 263"-323" 369"-427"

Intra-L (C23-C104) 23'-88' 135'-195'
23'''-88''' 135'''-195'''

Inter-H-L (h 5-CL 126)* 222-215' 222"-215'''

Inter-H-H (h 11, h 14)* 228-228" 231-231"

*The inter-chain disulfide bridges are not present, the 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

*Les ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, les 8 cystéinyl étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

*Los puentes disulfuro entre cadenas no están presentes, cada uno de los 8 cisteinil está conjugada a través de un enlace tioéter a un linker-principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

H CH2 N84.4: 299, 299"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

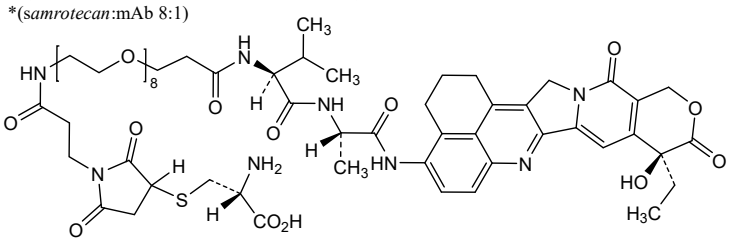
C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal

H CHS K2: 449, 449"

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados*

C (222, 228, 231, 215', 222", 228", 231", 215''')

*(*samrotecan*:mAb 8:1)



tosposertibum

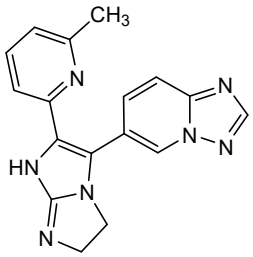
tosposertib — 6-[2-(6-methylpyridin-2-yl)-5,6-dihydro-1*H*-imidazo[1,2-*a*]imidazol-3-yl][1,2,4]triazolo[1,5-*a*]pyridine

serine/threonine kinase inhibitor, antifibrotic

tosposertib — 6-[2-(6-méthylpyridin-2-yl)-5,6-dihydro-1*H*-imidazo[1,2-a]imidazol-3-yl][1,2,4]triazolo[1,5-a]pyridine
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, antifibrotique

tosposertib — 6-[2-(6-metilpiridin-2-il)-5,6-dihidro-1*H*-imidazo[1,2-a]imidazol-3-il][1,2,4]triazolo[1,5-a]piridina
inhibidor de la serina/treonina kinasa, antifribrótico

$C_{17}H_{15}N_7$ 1418305-55-1



trovostobartum #

trovostobart — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VSIR (V-set immunoregulatory receptor, B7H5, B7-H5, PDCD1 homolog, PD-1H, stress induced secreted protein 1, SISP1, V-domain Ig suppressor of T cell activation, VISTA)], *Homo sapiens* monoclonal antibody;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%) T125>I (114), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in a cell line derived from Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
immunostimulant, antineoplastic

trovostobart — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VSIR (récepteur immunorégulateur du V-set, B7H5, B7-H5, homologue du PDCD1, PD-1H, protéine 1 secrétée induite par le stress, SISP1, suppresseur d'activation de cellule T du V-set Ig, VISTA)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%) T125>I (114), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfure avec la chaîne

légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (226-226'':229-229'')-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire dérivant des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
immunostimulant, antinéoplasique

trovostobart

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* VSIR (receptor inmunoregulador del V-set, B7H5, B7-H5, homólogo del PDCD1, PD-1H, proteína 1 secretada inducida por el estrés, SISP1, supresor de activación de célula T del V-set Ig, VISTA)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (99.0%) -(IGHD) -IGHJ3*02 (93.3%) T125>I (114), CDR-IMGT [8.7.11] (26-33.51-57.96-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01, G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14, 9-G1v21 CH2 Y15.1, T16, E18 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 M15.1>Y (252), S16>T (254), T18>E (256) (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (96.8%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (226-226'':229-229'')-bisdisulfuro, producido en una línea celular derivada de las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
inmunoestimulante, antineoplásico

3006784-09-1

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLQESGPG LVKPSETLSL TCTVSGGSIS SYYWSWIRQP PGKGLEWIGY  50
IYYSGSTNYN PSLKSRVTIS VDTSKSQFSL KLSSVTAADT AVYYCARDIP 100
AFAFDIWGQG TMVIVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LYITREPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
EIVLTQSPAT LSLSPGERAT LSCRASQSVS YYLAWYQQKP GQAPRLLIYD  50
AFNRATGIPA RFSGSGSGTD FTLTISSLEP EDFAVYYCQQ RINWPLTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-95 144-200 261-321 367-425
22"-95" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'''-88''' 134'''-194'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-214' 220"-214'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

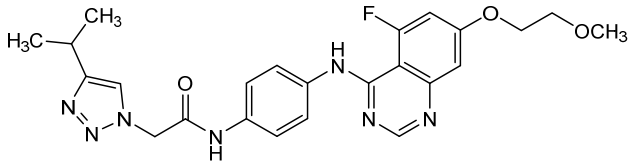
ubavitinibum

ubavitinib — *N*-(4-{[5-fluoro-7-(2-methoxyethoxy)quinazolin-4-yl]amino}phenyl)-2-[4-(propan-2-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]acetamide
tyrosine kinase inhibitor, antineoplastic

ubavitinib — *N*-(4-{[5-fluoro-7-(2-methoxyethoxy)quinazolin-4-yl]amino}phenyl)-2-[4-(propan-2-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-1-yl]acetamide
inhibiteur de tyrosine kinase, antinéoplasique

ubavitinib — *N*-(4-{[5-fluoro-7-(2-metoxietoxi)quinazolin-4-il]amino}fenil)-2-[4-(propan-2-il)-1*H*-1,2,3-triazol-1-il]acetamida
inhibidor de la tirosina kinasa, antineoplásico

$C_{24}H_{26}FN_7O_3$ 2248003-60-1



ubletamigum #

ubletamig — immunoglobulin (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucin 16, MUC-16, cancer antigen 125, CA125)] and anti-[*Homo sapiens* CD28 (T cell specific surface glycoprotein CD28, TP44)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific, bivalent;
H-gamma4 heavy chain anti-MUC16 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (90.0%) K120>R (121), CDR-IMGT [8.10.20] (26-33.51-60.99-118)) (1-129)-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1 (CH1 (130-227), hinge 1-12 S10>P (237) (228-239), CH2 E1.4>del, F1.3>P (242), L1.2>V (243), G1.1>A (244), L92 (318) (240-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (130-455)], (143-215')-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')];
H-gamma4 heavy chain anti-CD28 *Homo sapiens* (1''-448'') [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26''-33''.51''-57''.96''-111'')) (1''-122'')-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1, 10-G4v8 CH3 R115, F116, P125(CH1 (123''-220''), hinge 1-12 S10>P (230'') (221''-232''), CH2 E1.4>del, F1.3>P (235''), L1.2>V (236''), G1.1>A (237''), L92 (311'') (233''-341''), CH3 H115>R (436''), Y116>F (437''), L125>P (446'') (342''-446''), CHS (447''-448'')) (123''-448'')], (136''-215''')-disulfide with common L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'''-215''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'''-33'''.51'''-53'''.90'''-98''')) (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''') (109'''-215''')]; dimer (235-228'': 238-231'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
antineoplastic

ublétamig	immunoglobuline (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucine 16, MUC-16, antigène de cancer 125, CA125)] et anti-[*Homo sapiens* CD28 (glycoprotéine de surface CD28 spécifique des cellules T, TP44)], anticorps monoclonal *Homo sapiens,* bispécifique, bivalent; chaîne lourde H-gamma4 anti-MUC16 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (90.0%) K120>R (121), CDR-IMGT [8.10.20] (26-33.51-60.99-118)) (1-129)-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1 (CH1 (130-227), charnière 1-12 S10>P (237) (228-239), CH2 E1.4>del, F1.3>P (242), L1.2>V (243), G1.1>A (244), L92 (318) (240-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (130-455)], (143-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')]; chaîne lourde H-gamma4 anti-CD28 *Homo sapiens* (1"-448") [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26"-33".51"-57".96"-111")) (1"-122")-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1,10-G4v8 CH3 R115, F116, P125 (CH1 (123"-220"), charnière 1-12 S10>P (230") (221"-232"), CH2 E1.4>del, F1.3>P (235"), L1.2>V (236"), G1.1>A (237"), L92 (311") (233"-341"), CH3 H115>R (436"), Y116>F (437"), L125>P (446") (342"-446"), CHS (447"-448")) (123"-448")], (136"-215"')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa commune *Homo sapiens* (1'"-215'") [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'"-33'".51'"-53'".90'"-98'")) (1'"-108'") -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'"), V101 (192'") (109'"-215'")]; dimère (235-228": 238-231")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa *antinéoplasique*
ubletamig	inmunoglobulina (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-kappa), anti-[*Homo sapiens* MUC16 (mucina 16, MUC-16, antígeno de cáncer 125, CA125)] y anti-[*Homo sapiens* CD28 (glicoproteína de superficie CD28 específico de las células T, TP44)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens,* biespecífico, bivalente; cadena pesada H-gamma4 anti-MUC16 *Homo sapiens* (1-455) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-49*04 (93.9%) -(IGHD) -IGHJ6*04 (90.0%) K120>R (121), CDR-IMGT [8.10.20] (26-33.51-60.99-118)) (1-129)-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1 (CH1 (130-227), bisagra 1-12 S10>P (237) (228-239), CH2 E1.4>del, F1.3>P (242), L1.2>V (243), G1.1>A (244), L92 (318) (240-348), CH3 (349-453), CHS (454-455)) (130-455)], (143-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa común *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')]; cadena pesada H-gamma4 anti-CD28 *Homo sapiens* (1"-448") [VH (*Homo sapiens* IGHV4-59*01 (96.9%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (100%), CDR-IMGT [8.7.16] (26"-33".51"-57".96"-111")) (1"-122")-*Homo sapiens* IGHG4*01 nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 6-G4v7 CH2 delE1.4, P1.3, V1.2, A1.1,10-G4v8 CH3 R115, F116, P125 (CH1 (123"-220"), bisagra 1-12 S10>P (230") (221"-232"), CH2 E1.4>del, F1.3>P (235"), L1.2>V (236"), G1.1>A (237"), L92 (311") (233"-341"), CH3 H115>R (436"), Y116>F (437"), L125>P (446") (342"-446"), CHS (447"-448")) (123"-448")], (136"-215"')-disulfuro con la cadena

ligera L-kappa común *Homo sapiens* (1'''-215''') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (100%) -IGKJ1*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'''-33'''.51'''-53'''.90'''-98''')) (1'''-108''') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (154'''), V101 (192''') (109'''-215''')];dímero (235-228'': 238-231'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa *antineoplásico*

3008247-27-3

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-MUC16 (H)

```
EVQLVESGGG LEQPGRSLRL SCTASGFAFG DHTMSWVRQA PGKGLEWVGF  50
IRSRAYGGTT EYAASVKGRF TISRDDSKSI AYLQMDSLKT EDTAVYYCTS 100
GGYDSSLHYY YYYHGMDVWG RGTTVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES 150
TAALGCLVKD YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLQSSG LYSLSSVVTV 200
PSSSLGTKTY TCNVDHKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PPVAGPSVFL 250
FPPKPKDTLM ISRTPEVTCV VVDVSQEDPE VQFNWYVDGV EVHNAKTKPR 300
EEQFNSTYRV VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKGLPSSI EKTISKAKGQ 350
PREPQVYTLP PSQEEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK 400
TTPPVLDSDG SFFLYSRLTV DKSRWQEGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS 450
LSLGK                                                  455
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-CD28 (H")

```
QVQLQESGPG LVKPSETLSL TCTVSGGSIS SYYWSWIRQP PGKGLEWIGY  50
IYYSGITHYN PSLKSRVTIS VDTSKIQFSL KLSSVTAADT AVYYCARWGV 100
RRDYYYYGMD VWGQGTTVTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
KTYTCNVDHK PSNTKVDKRV ESKYGPPCPP CPAPPVAGPS VFLFPPKPKD 250
TLMISRTPEV TCVVVDVSQE DPEVQFNWYV DGVEVHNAKT KPREEQFNST 300
YRVVSVLTVL HQDWLNGKEY KCKVSNKGLP SSIEKTISKA KGQPREPQVY 350
TLPPSQEEMT KNQVSLTCLV KGFYPSDIAV EWESNGQPEN NYKTTPPVLD 400
SDGSFFLYSR LTVDKSRWQE GNVFSCSVMH EALHNRFTQK SLSLSPGK   448
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa common (L', L''')

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY  50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYGSSPWTFG 100
QGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-98 156-212 269-329 375-433
22"-95" 149"-205" 262"-322" 368"-426"
Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23'''-89''' 135'''-195'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 143-215' 136"-215'''
Inter-H-H (h 8, h 11) 235-228" 238-231"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 305, 298"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 455, 448"

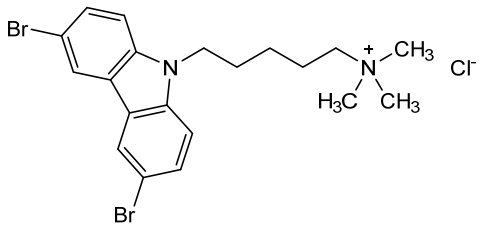
utenpanii chloridum

utenpanium chloride — 5-(3,6-dibromo-9*H*-carbazol-9-yl)-*N*,*N*,*N*-trimethylpentan-1-aminium chloride
serine/threonine kinase inhibitor

chlorure d'utenpanium — chlorure de 5-(3,6-dibromo-9*H*-carbazol-9-yl)-*N*,*N*,*N*-triméthylpentan-1-aminium
inhibiteur de sérine/thréonine kinases

cloruro de utenpanio — cloruro de 5-(3,6-dibromo-9*H*-carbazol-9-il)-*N*,*N*,*N*-trimetilpentan-1-aminio
inhibidor de la serina/treonina kinasa

$C_{20}H_{25}Br_2ClN_2$ 1436920-57-8



vecantoxatugum #

vecantoxatug — immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Clostridium tetani* tetanus toxin (TeNT, neurotoxin)], humanized monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain humanized (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (212) (116-213), hinge 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimer (224-224": 227-227")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa
antitoxin, tetanus

vécantoxatug — immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Clostridium tetani* toxine tétanique (TeNt, neurotoxine)], anticorps monoclonal humanisé; chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (212) (116-213), charnière 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dimère (224-224": 227-227")-bisdisulfure, produit

dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa
antitoxine, tétanos

vecantoxatug — inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Clostridium tetani* toxina tetánica (TeNt, neurotoxina)], anticuerpo monoclonal humanizado;
cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-445) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*02 (81.4%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (85.7%) L123>M (110), CDR-IMGT [8.8.8] (26-33.51-58.97-104)) (1-115) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%) G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (212) (116-213), bisagra 1-15 (214-228), CH2 (229-338), CH3 E12 (354), M14 (356) (339-443), CHS (444-445)) (116-445)], (218-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-NL1*01 (86.3%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (153'), V101 (191')) (108'-214')]; dímero (224-224": 227-227")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa
antitoxina, tétanos

2956766-52-0

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGYTFT SYWIYWVRQA PGQGLEWIGE  50
INPTNAFANY NEKFKTKATI TVDKSTSTAY MELSSLRSED TAVYYCAIHF 100
RFPYWGQGTM VTVSSASTKG PSVFPLAPSS KSTSGGTAAL GCLVKDYFPE 150
PVTVSWNSGA LTSGVHTFPA VLQSSGLYSL SSVVTVPSSS LGTQTYICNV 200
NHKPSNTKVD KRVEPKSCDK THTCPPCPAP ELLGGPSVFL FPPKPKDTLM 250
ISRTPEVTCV VVDVSHEDPE VKFNWYVDGV EVHNAKTKPR EEQYNSTYRV 300
VSVLTVLHQD WLNGKEYKCK VSNKALPAPI EKTISKAKGQ PREPQVYTLP 350
PSREEMTKNQ VSLTCLVKGF YPSDIAVEWE SNGQPENNYK TTPPVLDSDG 400
SFFLYSKLTV DKSRWQQGNV FSCSVMHEAL HNHYTQKSLS LSPGK      445
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQDIG SSLTWLQQKP GKAPKRLIYA  50
TSSLDSGVPS RFSGSGSGTD YTLTISSLQP EDFATYYCLQ YASSPYTFGQ 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 142-198 259-319 365-423
22"-96" 142"-198" 259"-319" 365"-423"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 218-214' 218"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 224-224" 227-227"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 295, 295"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 445, 445"

velaprumigum #

velaprumig

immunoglobulin scFvkh-L-VH-G1(CH1-h)_scFvkh-L-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40LG (CD40 ligand, CD40L, tumor necrosis factor ligand superfamily member 5, TNFSF5, tumor necrosis factor related activation protein, TRAP, CD154)] and anti-[*Homo sapiens* ALB (albumin, human serum albumin, HSA)], monoclonal antibody, bispecific, trivalent;
fused scFvkh-L-VH-G1(CH1-h) chain anti-CD40LG and anti-ALB (1-483) [scFvkh anti-CD40LG (1-245) [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-112) -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (113-127) -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153-160.178-185.224-234)) (128-245)] -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (246-260) -VH-G1(CH1-h) anti-ALB (261-483) [VH anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) -IGHD -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (286-293.311-318.357-369)) (261-380) -*Homo sapiens* IGHG1*01 CH1-h, G1m17,1CH1 K120, 10-G1v100-1 CH1 E16, 15-G1v37 h S5 (CH1 G16>E (400), K120 (477) (381-478), hinge 1-5 C5>S (483) (479-483)) (381-483)]];
fused scFvkh-L-KAPPA chain anti-CD40LG and anti-ALB (1'-478') [scFvkh anti-CD40LG (1'-245') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-112') -15-mer tris(tetraglycyl-seryl) linker (113'-127') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245')/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153'-160'.178'-185'.224'-234')) (128'-245')]-18-mer (GSTSGSGKPGSGEGSTKG) linker (246'-263') -L-KAPPA anti-ALB (264'-478') [V-KAPPA anti-ALB (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (85.7%) -IGKJ2*01 (90.9%) K123>Q (367'), CDR-IMGT [6.3.10] (290'-295'.313'-315'.352'-361')) (264'-371') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1, V101, 15-KCv36 S126 (C-KAPPA A45.1 (417'), V101 (455'), C226>S (478') (372'-478')]], produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DG44, non-glycosylated
immunosuppressant

vélaprumig

immunoglobuline scFvkh-L-VH-G1(CH1-h)_scFvkh-L-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40LG (CD40 ligand, CD40L, membre 5 de la superfamille des ligands facteurs de nécrose tumorale, TNFSF5, protéine d'activation apparentée au facteur de nécrose tumorale, TRAP, CD154)] et anti-[*Homo sapiens* ALB (albumine, sérum albumine humaine, SAH)], anticorps monoclonal, bispecific, trivalent;
chaîne fusionnée scFvkh-L-VH-G1(CH1-h) anti-CD40LG et anti-ALB (1-483) [scFvkh anti-CD40LG (1-245) [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-112) -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (113-127) -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153-160.178-185.224-234)) (128-245)] -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (246-260) -[VH-G1(CH1-h) anti-ALB (261-483) [VH anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) -IGHD -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (286-293.311-318.357-369)) (261-380)] -*Homo sapiens* IGHG1*01 CH1-h, G1m17,1CH1 K120, 10-G1v100-1 CH1 E16, 15-G1v37 h S5 [(CH1 G16>E (400), K120 (477) (381-478), hinge 1-5 C5>S (483) (479-483)) (381-483)]];

chaîne fusionnée scFvkh-L-KAPPA anti-CD40LG et anti-ALB (1'-478') [scFvkh anti-CD40LG (1'-245') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-112') -15-mer tris(tétraglycyl-séryl) linker (113'-127') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245')/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153'-160'.178'-185'.224'-234')) (128'-245')] -18-mer (GSTSGSGKPGSGEGSTKG) linker (246'-263') -L-KAPPA anti-ALB (264'-478') [V-KAPPA anti-ALB (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (85.7%) -IGKJ2*01 (90.9%) K123>Q (367'), CDR-IMGT [6.3.10] (290'-295'.313'-315'.352'-361')) (264'-371') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1, V101, 15-KCv36 S126 (C-KAPPA A45.1 (417'), V101 (455'), C226>S (478')) (372'-478')]], produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DG44, non-glycosylé *immunosuppresseur*

velaprumig

inmunoglobulina scFvkh-L-VH-G1(CH1-h) scFvkh-L-kappa, anti-[*Homo sapiens* CD40LG (CD40 ligando, CD40L, miembro 5 de la superfamilia de los ligandos factores de necrosis tumoral, TNFSF5, proteína de activación asociada al factor de necrosis tumoral, TRAP, CD154)] y anti-[*Homo sapiens* ALB (albúmina, albumina sérica humana, SAH)], anticuerpo monoclonal, bispecífico, trivalente; cadena fusionada scFvkh-L-VH-G1(CH1-h) anti-CD40LG y anti-ALB (1-483) [scFvkh anti-CD40LG (1-245) [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108), CDR-IMGT [10.3.9] (27-36.54-56.93-101)) (1-112) -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace(113-127) -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245)/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153-160.178-185.224-234)) (128-245)] -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace (246-260) -[VH-G1(CH1-h) anti-ALB (261-483) [VH anti-ALB (*Homo sapiens* IGHV3-21*01 (90.8%) -IGHD -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.13] (286-293.311-318.357-369)) (261-380)] -*Homo sapiens* IGHG1*01 CH1-h, G1m17,1CH1 K120, 10-G1v100-1 CH1 E16, 15-G1v37 h S5 [(CH1 G16>E (400), K120 (477) (381-478), bisagra 1-5 C5>S (483) (479-483)) (381-483)]]; cadena fusionada scFvkh-L-KAPPA anti-CD40LG y anti-ALB (1'-478') [scFvkh anti-CD40LG (1'-245') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV3-7*01 (87.9%) -IGKJ1*02 (100%)/*Homo sapiens* IGKV3-11*01 (75.5%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (108'), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-112') -15-mer tris(tetraglicil-seril) enlace (113'-127') -VH Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGHV1-47-14*01 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (90.9%) A128>S (245')/*Homo sapiens* IGHV1-46*01 (76.5%) -IGHD -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.11] (153'-160'.178'-185'.224'-234')) (128'-245')] -18-mer (GSTSGSGKPGSGEGSTKG) enlace (246'-263') -L-KAPPA anti-ALB (264'-478') [V-KAPPA anti-ALB (*Homo sapiens* IGKV3-15*01 (85.7%) -IGKJ2*01 (90.9%) K123>Q (367'), CDR-IMGT [6.3.10] (290'-295'.313'-315'.352'-361')) (264'-371') -*Homo sapiens* IGKC*01, Km3 A45.1, V101, 15-KCv36 S126 (C-KAPPA A45.1 (417'), V101 (455'), C226>S (478')) (372'-478')]], producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DG44, no glicosilado *inmunosupresor*

2988741-17-7

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused scFvkh
anti-CD40LG -L-VH-G1(CH1-h) anti-ALB (H)

```
DIVLTQSPAT LSVSPGERAT ISCRASQRVS SSTYSYMHWY QQKPGQPPKL  50
LIKYASNLES GVPARFSGSG SGTDFTLTIS SVEPEDFATY YCQHSWEIPP 100
TFGGGTKLEI KRGGGGSGGG GSGGGGSQVQ LVQSGAEVVK PGASVKLSCK 150
ASGYIFTSYY MYWVKQAPGQ GLEWIGEINP SNGDTNFNEK FKSKATLTVD 200
KSASTAYMEL SSLRSEDTAV YYCTRSDGRN DMDSWGQGTL VTVSSGGGGS 250
GGGGSGGGGS QVQLVQSGGG PVKPGGSLRL SCAASGFMFR AYSMNWVRQA 300
PGKGLEWVSS ISSSGRYIHY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED 350
TAVYYCARET VMAGKALDYW GQGTLVTVSS ASTKGPSVFP LAPSSKSTSE 400
GTAALGCLVK DYFPEPVTVS WNSGALTSGV HTFPAVLQSS GLYSLSSVVT 450
VPSSSLGTQT YICNVNHKPS NTKVDKKVEP KSS                   483
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: fused scFvkh
anti-CD40LG -L-kappa anti-ALB (H')

```
DIVLTQSPAT LSVSPGERAT ISCRASQRVS SSTYSYMHWY QQKPGQPPKL  50
LIKYASNLES GVPARFSGSG SGTDFTLTIS SVEPEDFATY YCQHSWEIPP 100
TFGGGTKLEI KRGGGGSGGG GSGGGGSQVQ LVQSGAEVVK PGASVKLSCK 150
ASGYIFTSYY MYWVKQAPGQ GLEWIGEINP SNGDTNFNEK FKSKATLTVD 200
KSASTAYMEL SSLRSEDTAV YYCTRSDGRN DMDSWGQGTL VTVSSGSTSG 250
SGKPGSGEGS TKGDIVLTQS PGTLSLSPGE TATLSCRASQ SVGSNLAWYQ 300
QKPGQAPRLL IYGASTGATG VPARFSGSRS GTDFTLTITS LQPEDFATYY 350
CQQYYSFLAK TFGQGTQLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL 400
NNFYPREAKV QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS NTLTLSKADY 450
EKHKVYACEV THQGLSSPVT KSFNRGES                         478
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 23-92 149-223 282-356 407-463
Intra-H' (C23-C104) 23'-92' 149'-223' 286'-351' 398'-458'

No N-glycosylation sites / pas de sites de N-glycosylation / ningùm posición de N-glycosilación

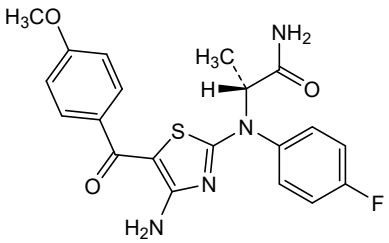
veludacigibum

veludacigib — (2*R*)-2-{*N*-[4-amino-5-(4-methoxybenzoyl)-1,3-thiazol-2-yl]-4-fluoroanilino}propanamide
diacylglycerol kinase inhibitor, antineoplastic

véludacigib — (2*R*)-2-{*N*-[4-amino-5-(4-méthoxybenzoyl)-1,3-thiazol-2-yl]-4-fluoroanilino}propanamide
inhibiteur de diacylglycérol kinase, antinéoplasique

veludacigib — (2*R*)-2-{*N*-[4-amino-5-(4-metoxibenzoil)-1,3-tiazol-2-il]-4-fluoroanilino}propanamida
inhibidor de la diacilglicerol kinasa, antineoplásico

$C_{20}H_{19}FN_4O_3S$ 2732902-08-6



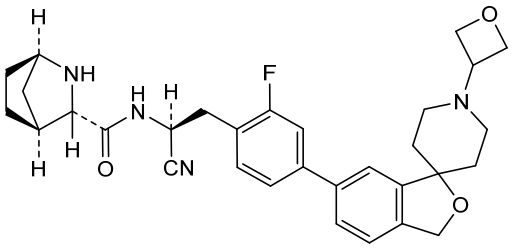
verducatibum

verducatib (1*R*,3*S*,4*S*)-*N*-[(1*S*)-1-cyano-2-{2-fluoro-4-[1'-(oxetan-3-yl)-3*H*-spiro[[2]benzofuran-1,4'-piperidin]-6-yl]phenyl}ethyl]-2-azabicyclo[2.2.1]heptane-3-carboxamide
cathepsin inhibitor

verducatib (1*R*,3*S*,4*S*)-*N*-[(1*S*)-1-cyano-2-{2-fluoro-4-[1'-(oxétan-3-yl)-3*H*-spiro[[2]benzofurane-1,4'-pipéridin]-6-yl]phényl}éthyl]-2-azabicyclo[2.2.1]heptane-3-carboxamide
inhibiteur de la cathepsine

verducatib (1*R*,3*S*,4*S*)-*N*-[(1*S*)-1-ciano-2-{2-fluoro-4-[1'-(oxetan-3-il)-3*H*-espiro[[2]benzofurano-1,4'-piperidin]-6-il]fenil}etil]-2-azabiciclo[2.2.1]heptano-3-carboxamida
inhibidor de la catepsina

$C_{31}H_{35}FN_4O_3$ 1887236-33-0



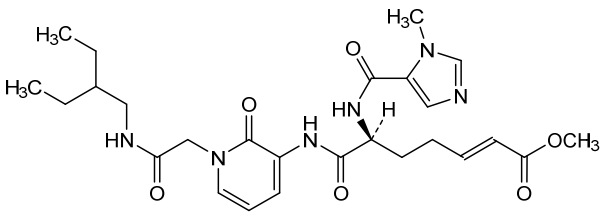
vilagletistatum

vilagletistat methyl (2*E*,6*S*)-7-[(1-{2-[(2-ethylbutyl)amino]-2-oxoethyl}-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)amino]-6-(1-methyl-1*H*-imidazole-5-carboxamido)-7-oxohept-2-enoate
transglutaminase 2 inhibitor, celiac disease

vilaglétistat (2*E*,6*S*)-7-[(1-{2-[(2-éthylbutyl)amino]-2-oxoéthyl}-2-oxo-1,2-dihydropyridin-3-yl)amino]-6-(1-méthyl-1*H*-imidazole-5-carboxamido)-7-oxohept-2-énoate de méthyle
inhibiteur de la transglutaminase 2, maladie cœliaque

vilagletistat (2*E*,6*S*)-7-[(1-{2-[(2-etilbutil)amino]-2-oxoetil}-2-oxo-1,2-dihidropiridin-3-il)amino]-6-(1-metil-1*H*-imidazol-5-carboxamido)-7-oxohept-2-enoato de metilo
inhibidor de la transglutaminasa 2, enfermedad celíaca

$C_{26}H_{36}N_6O_6$ 1542132-88-6



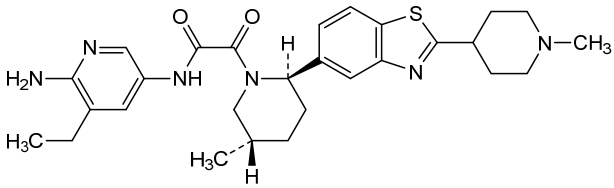
vopimetostatum

vopimetostat — *N*-(6-amino-5-ethylpyridin-3-yl)-2-{(2*R*,5*S*)-5-methyl-2-[2-(1-methylpiperidin-4-yl)-1,3-benzothiazol-5-yl]piperidin-1-yl}-2-oxoacetamide
antineoplastic

vopimétostat — *N*-(6-amino-5-éthylpyridin-3-yl)-2-{(2*R*,5*S*)-5-méthyl-2-[2-(1-méthylpipéridin-4-yl)-1,3-benzothiazol-5-yl]pipéridin-1-yl}-2-oxoacétamide
antinéoplasique

vopimetostat — *N*-(6-amino-5-etilpiridin-3-il)-2-{(2*R*,5*S*)-5-metil-2-[2-(1-metilpiperidin-4-il)-1,3-benzotiazol-5-il]piperidin-1-il}-2-oxoacetamida
antineoplásico

$C_{28}H_{36}N_6O_2S$ 2760483-96-1



vortosiranum

vortosiran — (2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-14-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanoyl}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tetraazatricosan-10-yl)-2-hydroxy-3-oxopropyl hydrogen *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-3'-guanylate duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-cytidine
blood coagulation factor XI synthesis reducer, anticoagulant

vortosiran — (2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-14-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanoyl}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tétraazatricosan-10-yl)-2-hydroxy-3-oxopropyl hydrogène *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-

méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-3'-guanylate
duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méhyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méhylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-cytidine
réducteur de la synthèse du facteur XI de la coagulation sanguine, anticoagulant

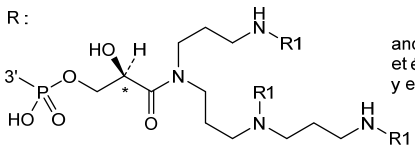
vortosirán (2*RS*)-3-(1,23-bis[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-14-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanoil}-5,19-dioxo-6,10,14,18-tetraazatricosan-10-il)-2-hidroxi-3-oxopropil hidrógeno *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-3'-guanilato
dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tiouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridyilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(5'→3')-citidina
reductor de la síntesis del factor de coagulación sanguínea XI, anticoagulante

$C_{463}H_{620}F_7N_{154}O_{291}P_{39}S_6$ 3061406-99-0

(3'-5')*G=U=A−C−G−U−*<u>G</u>*−*<u>G</u>*−*<u>A</u>*−C−U−G−G−A−U−U−C−U−G−R*
▪ ▪
(5'-3')*U=U=C−A−U−*<u>G</u>*−C−*<u>A</u>*−C−C−U−G−A−C−C−*<u>U</u>*−A−A−G=*<u>A</u>*=C*

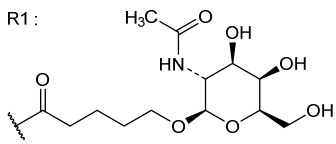
N : A,C,G,U
N : 2'-*O*-methyl-N / 2'-*O*-méthyl-N / 2'-*O*-metil-N
<u>N</u> : 2'-deoxy-2'-fluoro-N / 2'-désoxy-2'-fluoro-N / 2'-desoxi-2'-fluoro-N
− : –PO(OH)– = : –PO(SH)–

R :



and epimer at C*
et épimère en C*
y epimero al C*

R1 :



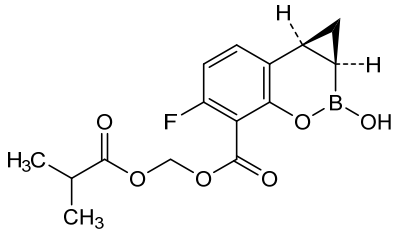
xeruborbactamum isoboxilum

xeruborbactam isoboxil — [(2-methylpropanoyl)oxy]methyl (1a*R*,7b*S*)-5-fluoro-2-hydroxy-1,1a,2,7b-tetrahydrocyclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinine-4-carboxylate
beta-lactamase inhibitor

xéruborbactam isoboxil — (1a*R*,7b*S*)-5-fluoro-2-hydroxy-1,1a,2,7b-tétrahydrocyclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinine-4-carboxylate de [(2-méthylpropanoyl)oxy]méthyle
inhibiteur de bêta-lactamase

xeruborbactam isoboxilo — (1a*R*,7b*S*)-5-fluoro-2-hidroxi-1,1a,2,7b-tetrahidrociclopropa[*c*][1,2]benzoxaborinina-4-carboxilato de [(2-metilpropanoil)oxi]metilo
inhibidor de la beta lactamasa

$C_{15}H_{16}BFO_6$ 2708983-65-5



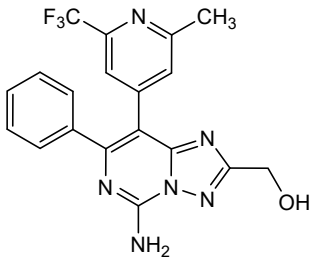
zaladenantum

zaladenant — {5-amino-8-[2-methyl-6-(trifluoromethyl)pyridin-4-yl]-7-phenyl[1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pyrimidin-2-yl}methanol
adenosine receptor antagonist, antineoplastic

zaladénant — {5-amino-8-[2-méthyl-6-(trifluorométhyl)pyridin-4-yl]-7-phényl[1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pyrimidin-2-yl}méthanol
antagoniste des récepteurs de l'adénosine, antinéoplasique

zaladenant — {5-amino-7-fenil-8-[2-metil-6-(trifluorometil)piridin-4-il][1,2,4]triazolo[1,5-*c*]pirimidin-2-il}metanol
antagonista del receptor de la adenosina, antineoplásico

$C_{19}H_{15}F_3N_6O$ 2246426-52-6



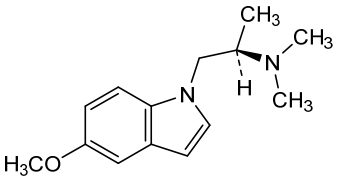
zalsupindolum

zalsupindole (2*R*)-1-(5-methoxy-1*H*-indol-1-yl)-*N*,*N*-dimethylpropan-2-amine
antidepressant

zalsupindole (2*R*)-1-(5-méthoxy-1*H*-indol-1-yl)-*N*,*N*-diméthylpropan-2-amine
antidépresseur

zalsupindol (2*R*)-*N*,*N*-dimetil-1-(5-metoxi-1*H*-indol-1-il)propan-2-amina
antidepresivo

$C_{14}H_{20}N_2O$ 2481740-94-5



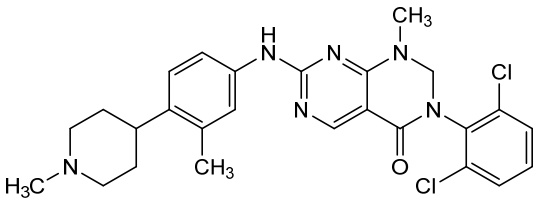
zedoresertibum

zedoresertib 3-(2,6-dichlorophenyl)-1-methyl-7-[3-methyl-4-(1-methylpiperidin-4-yl)anilino]-2,3-dihydropyrimido[4,5-*d*]pyrimidin-4(1*H*)-one
serine/threonine kinase inhibitor, antineoplastic

zédorésertib 3-(2,6-dichlorophényl)-1-méthyl-7-[3-méthyl-4-(1-méthylpipéridin-4-yl)anilino]-2,3-dihydropyrimido[4,5-*d*]pyrimidin-4(1*H*)-one
inhibiteur de sérine/thréonine kinases, antinéoplasique

zedoresertib 3-(2,6-diclorofenil)-1-metil-7-[3-metil-4-(1-metilpiperidin-4-il)anilino]-2,3-dihidropirimido[4,5-*d*]pirimidin-4(1*H*)-ona
inhibidor de la serina/treonina kinasa, antineoplásico

$C_{26}H_{28}Cl_2N_6O$ 2243882-74-6



zeltociclibum

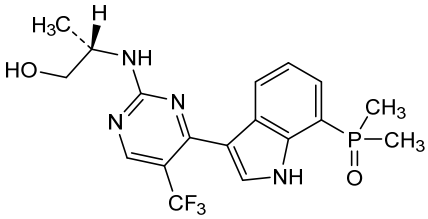
zeltociclib {3-[2-{[(2*S*)-1-hydroxypropan-2-yl]amino}-5-(trifluoromethyl)pyrimidin-4-yl]-1*H*-indol-7-yl}di(methyl)-λ^5-phosphanone
cyclin-dependent kinase inhibitor, antineoplastic

zeltociclib {3-[2-{[(2*S*)-1-hydroxypropan-2-yl]amino}-5-(trifluorométhyl)pyrimidin-4-yl]-1*H*-indol-7-yl}di(méthyl)-λ^5-phosphanone
inhibiteur de la kinase cycline-dépendante, antinéoplasique

zeltociclib

{3-[2-{[(2*S*)-1-hidroxipropan-2-il]amino}-5-(trifluorometil)pirimidin-4-il]-1*H*-indol-7-il}di(metil)-λ^5-fosfanona
inhibidor de la kinasa dependiente de ciclinas, antineoplásico

$C_{18}H_{20}F_3N_4O_2P$ 2789697-52-3



zemocimigum #

zemocimig

immunoglobulin (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* F9a (coagulation factor F9, coagulation factor IX, hemophilia B) activated] and anti-[*Homo sapiens* F10 (coagulation factor 10, coagulation factor X)], humanized and *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific, bivalent;
H-gamma4 heavy chain anti-F9a humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-1 CH1 K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 14-G4v12-1 CH3 K12, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120 (CH1 Q84.2>K (180), K100>Q (201) (123-220), hinge 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F84.3>Y (298), L92 (311) (233-342), CH3 E12>K (358), R88>K (411), M107>L (430), N114>A (436), Q118>R (440), S120>E (442) (343-447)) (123-447)], (136-214')-disulfide with L-kappa light chain anti-F9a *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) Km3 A45.1, V101 KCv57-1 E20, E90 (C-KAPPA S20>E (131'), A45.1 (153'), T90>E (180), V101 (191')) (108'-214')];
H-gamma4 heavy chain anti-F10 humanized (1''-444'') [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) Q120>E (111''), CDR-IMGT [8.8.12] (26''-33''.51''-58''.97''-108'')) (1''-119'')-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-2 CH1 E26, K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120, 14-G4v13 CH3 E119 (CH1 K26>E (149''), Q84.2>E (177''), K100>Q (198'') (120''-217''), hinge 1-12 S10>P (227'') (218''-229''), CH2 F84.3>Y (295''), L92 (308'') (230''-339''), CH3 R88>K (408''), M107>L (427''), N114>A (433''), Q118>R (437''), K119>E (438''), S120>E (439'') (340''-444'')) (120''-444'')], (133''-212''')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-F10 *Homo sapiens* (1''-213''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (78.7%) -IGLJ2*01 (81.8%) L124>V (104'''), L127>V (107'''), CDR-IMGT [6.3.10] (26'''-31'''.49'''-51'''.88'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%) LC2v57-2 K20, K90 (C-LAMBDA2 T20>K (132'''), S90>K (180''')) (108'''-213''')]; dimer (228-225'': 231-228'')-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-DXB11, glycoform alfa
antihaemophilic agent

zémocimig

immunoglobuline (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* F9a (facteur de coagulation F9, facteur de coagulation IX, hémophilie B) activé] et anti-[*Homo sapiens* F10 (facteur de coagulation 10, facteur de coagulation X)], anticorps monoclonal humanisé et *Homo sapiens,* bispécifique, bivalent;
chaîne lourde H-gamma4 anti-F9a humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-1 CH1 K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 14-G4v12-1 CH3 K12, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120 (CH1 Q84.2>K (180), K100>Q (201) (123-220), charnière 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F84.3>Y (298), L92 (311) (233-342), CH3 E12>K (358), R88>K (411), M107>L (430), N114>A (436), Q118>R (440), S120>E (442) (343-447)) (123-447)], (136-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa anti-F9a *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) Km3 A45.1, V101 KCv57-1 E20, E90 (C-KAPPA S20>E (131'), A45.1 (153'), T90>E (180), V101 (191')) (108'-214')];
chaîne lourde H-gamma4 anti-F10 humanisée (1''-444'') [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) Q120>E (111''), CDR-IMGT [8.8.12] (26''-33''.51''-58''.97''-108'')) (1''-119'')-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-2 CH1 E26, K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 CH3 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120, 14-G4v13 CH3 E119 (CH1 K26>E (149''), Q84.2>E (177''), K100>Q (198'') (120''-217''), charnière 1-12 S10>P (227'') (218''-229''), CH2 F84.3>Y (295''), L92 (308'') (230''-339''), CH3 R88>K (408''), M107>L (427''), N114>A (433''), Q118>R (437''), K119>E (438''), S120>E (439'') (340''-444'')) (120''-444'')], (133''-212''')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-F10 *Homo sapiens* (1''-213''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (78.7%) -IGLJ2*01 (81.8%) L124>V (104'''), L127>V (107'''), CDR-IMGT [6.3.10] (26'''-31'''.49'''-51'''.88'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%) LC2v57-2 K20, K90 (C-LAMBDA2 T20>K (132'''), S90>K (180''')) (108'''-213''')]; dimère (228-225'': 231-228'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-DXB11, glycoforme alfa
agent antihémophilique

zemocimig

inmunoglobulina (H-gamma4_L-kappa)_(H-gamma4_L-lambda2), anti-[*Homo sapiens* F9a (factor de coagulación F9, factor de coagulación IX, hemofilia B) activado] y anti-[*Homo sapiens* F10 (factor de coagulación 10, factor de coagulación X)], anticuerpo monoclonal humanizado y *Homo sapiens,* bispecífico, bivalente;
cadena pesada H-gamma4 anti-F9a humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-23*04 (87.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122)-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-1 CH1 K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 14-G4v12-1 CH3 K12, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120 (CH1 Q84.2>K (180), K100>Q (201) (123-220), bisagra 1-12 S10>P (230) (221-232), CH2 F84.3>Y (298), L92 (311) (233-342), CH3 E12>K (358), R88>K (411), M107>L (430), N114>A (436), Q118>R (440), S120>E (442) (343-447)) (123-447)], (136-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-F9a *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3D-11*02 (84.4%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (98.1%) Km3 A45.1, V101 KCv57-1 E20, E90 (C-KAPPA S20>E (131'), A45.1 (153'), T90>E (180), V101 (191')) (108'-214')];

cadena pesada H-gamma4 anti-F10 humanizada (1"-444") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-2*06 (74.5%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (80.0%) Q120>E (111"), CDR-IMGT [8.8.12] (26"-33".51"-58".97"-108")) (1"-119")-*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, 12-G4v5 h P10, 17-G4v57-2 CH1 E26, K84.2, 18-G4v11 CH1 Q100, CH2 Y84.3, 12-G4v6 CH3 K88, 9-G4v78 CH3 L107, A114, 10-G4v89 CH3 R118, E120, 14-G4v13 CH3 E119 (CH1 K26>E (149"), Q84.2>E (177"), K100>Q (198") (120"-217"), bisagra 1-12 S10>P (227") (218"-229"), CH2 F84.3>Y (295"), L92 (308") (230"-339"), CH3 R88>K (408"), M107>L (427"), N114>A (433"), Q118>R (437"), K119>E (438"), S120>E (439") (340"-444")) (120"-444")], (133"-212''')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-F10 *Homo sapiens* (1"-213''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-9*01 (78.7%) -IGLJ2*01 (81.8%) L124>V (104'''), L127>V (107'''), CDR-IMGT [6.3.10] (26'''-31'''.49'''-51'''.88'''-97''')) (1'''-107''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%) LC2v57-2 K20, K90 (C-LAMBDA2 T20>K (132'''), S90>K (180''')) (108'''-213''')]; dímero (228-225": 231-228")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-DXB11, forma glicosilada alfa

agente antihemofílico

2955620-21-8

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-F9a (H)

```
QVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS YYDIQWVRQA PGKGLEWVSS    50
ISPSGQSTYY RREVKGRFTI SRDNSKNTLY LQMNSLRAED TAVYYCARRT   100
GREEGGWIFD YWGQGTLVTV SSASTKGPSV FPLAPCSRST SESTAALGCL   150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLK SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT   200
QTYTCNVDHK PSNTKVDKRV ESKYGPPCPP CPAPEFLGGP SVFLFPPKPK   250
DTLMISRTPE VTCVVVDVSQ EDPEVQFNWY VDGVEVHNAK TKPREEQYNS   300
TYRVVSVLTV LHQDWLNGKE YKCKVSNKGL PSSIEKTISK AKGQPREPQV   350
YTLPPSQKEM TKNQVSLTCL VKGFYPSDIA VEWESNGQPE NNYKTTPPVL   400
DSDGSFFLYS KLTVDKSRWQ EGNVFSCSVL HEALHAHYTR KELSLSP      447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-kappa anti-F9a (L')

```
EIVLTQSPAT LSVSPGERAT LSCRASRSVR RELAWYQQKP GQAPELLIYG    50
ASTRETGIPA RFSGSGSGTD FTLTINSLEA EDAATYYCQQ YRDPPGTFGG   100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA EVVCLLNNFY PREAKVQWKV   150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLE LSKADYEKHK VYACEVTHQG   200
LSSPVTKSFN RGEC                                          214
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: H-gamma4 anti-F10 (H")

```
QVQLVQSGSE LKKPGASVKV SCKASGYTFT QNNMDWVRQA PGQGLEWMGD    50
INTRSGGVIY NEEFQDRLIM TVDKSTDTAY MELSSLRSED TATYHCARRK   100
SYGYYLDVWG EGTLVTVSSA STKGPSVFPL APCSRSTSES TAALGCLVED   150
YFPEPVTVSW NSGALTSGVH TFPAVLESSG LYSLSSVVTV PSSSLGTQTY   200
TCNVDHKPSN TKVDKRVESK YGPPCPPCPA PEFLGGPSVF LFPPKPKDTL   250
MISRTPEVTC VVVDVSQEDP EVQFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR   300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKGLPSS IEKTISKAKG QPREPQVYTL   350
PPSQEEMTKN QVSLTCLVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY KTTPPVLDSD   400
GSFFLYSKLT VDKSRWQEGN VFSCSVLHEA LHAHYTREEL SLSP         444
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: L-lambda anti-F10 (L''')

```
SYVLTQPVSV SVALGQTATI TCEGEQIGSK EVHWYHQRPG QAPILVMFRD    50
ARRPSGIPER LSGSNSGNTA SLTISGAEAG DEGDYYCQVW DSSSYTVFGG   100
GTKVTVVGQP KAAPSVTLFP PSSEELQANK AKLVCLISDF YPGAVTVAWK   150
ADSSPVKAGV ETTTPSKQSN NKYAASSYLK LTPEQWKSHR SYSCQVTHEG   200
STVEKTVAPT ECS                                           213
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 263-323 369-427
22"-96" 146"-202" 260"-320" 366"-424"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
22'''-87''' 135'''-194'''
Inter-H-L (CH1 10-CL 126) 136-214' 133"-212'''
Inter-H-H (h 8, h 11) 228-225" 231-228"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 299, 296"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

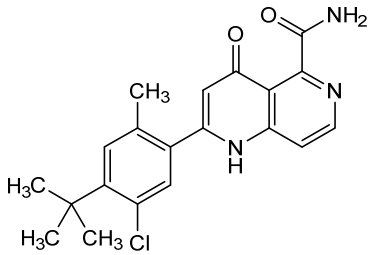
zilvetriginum

zilvetrigine — 2-(4-*tert*-butyl-5-chloro-2-methylphenyl)-4-oxo-1,4-dihydro-1,6-naphthyridine-5-carboxamide
sodium channel blocker, analgesic

zilvétrigine — 2-(4-*tert*-butyl-5-chloro-2-méthylphényl)-4-oxo-1,4-dihydro-1,6-naphtyridine-5-carboxamide
bloqueur des canaux sodiques, analgésique

zilvetrigina — 2-(4-*terc*-butil-5-cloro-2-metilfenil)-4-oxo-1,4-dihidro-1,6-naftiridina-5-carboxamida
bloqueador del canal de sodio, analgésico

$C_{20}H_{20}ClN_3O_2$ 3002072-52-5



zolacabtagenum autoleucelum #

zolacabtagene autoleucel — autologous CD4+ and CD8+ T lymphocytes obtained by leukapheresis and transduced with a self-inactivating, non-replicating lentiviral vector encoding (i) a CD19 specific chimeric antigen receptor (CAR) and (ii) truncated human epidermal growth factor receptor (EGFRt) separated from the CAR by a T2A self-cleaving peptide, under control of a chimeric promoter composed of the elongation factor 1 alpha (EF-1α) promoter/R region of the human T cell leukaemia virus 1 (HTLV-1 R) and a Woodchuck hepatitis virus posttranscriptional regulatory element (WPRE). The CD19-specific CAR transgene consists of a single-chain variable fragment (scFv) derived from a CD19-specific monoclonal antibody (FMC63), an IgG4 hinge region, a CD28 transmembrane domain, and the intracellular CD137 (4-1BB) co-stimulatory and CD3ζ signalling domains. Both transgenes, the CD19-specific CAR and the EGFRt, are preceded by human granulocyte-macrophage colony-stimulating factor receptor alpha (GMCSFR-alpha) signal peptide sequence. The vector genome also contains a psi packaging signal, a splice donor, partial *gag*, Rev response element (RRE), a DNA FLAP, and a splice acceptor. The vector is flanked by 5' and 3' long terminal repeats (LTRs) and is pseudotyped by vesicular stomatitis virus (VSV) G glycoprotein. The leukapheresis material is sorted to co-select the CD4+ and CD8+ T lymphocytes by positive immunoselection prior to activation with CD3 and CD28 agonists in growth media containing interleukin 2 (IL-2), interleukin 7 (IL-7) and interleukin 15 (IL-15). The mixed CD4+/CD8+ cells are then transduced with the lentiviral vector and minimally expanded in growth media containing IL-2, IL-7 and IL-15. The cell suspension consists of CD4+ and CD8+ lymphocytes that are ≥80% CD3+ and contain ≥10% CD3+CAR+ cells. The transduced T lymphocytes release interferon gamma (IFN-γ) by co-culture with target cells *in vitro*
cell-based gene therapy (antineoplastic)

zolacabtagène autoleucel	lymphocytes T autologues CD4+ et CD8+ obtenus par leucaphérèse et transduits avec un vecteur lentiviral auto-inactivant et non réplicatif codant (i) un récepteur antigénique chimérique (RAC) spécifique de CD19 et (ii) un récepteur du facteur de croissance épidermique humain tronqué (EGFRt) séparé du RAC par un peptide auto-clivant T2A, sous le contrôle d'un promoteur chimérique composé du facteur d'élongation 1-alpha (EF1-α) promoteur/région R du virus T-lymphotrope humain 1 (HTLV-1 R) et d'un élément régulateur post-transcriptionnel du virus de l'hépatite Woodchuck (WPRE). Le transgène RAC spécifique de CD19 est constitué d'un fragment variable à chaîne unique (scFv) dérivé d'un anticorps monoclonal spécifique de CD19 (FMC63), d'une région charnière IgG4, d'un domaine transmembranaire CD28 et les domaines intracellulaires de co-stimulation CD137 (4-1BB), et de signalisation CD3ζ. Les deux transgènes, le RAC spécifiques de CD19 et le EGFRt, sont précédés d'une séquence de peptide signal du récepteur alpha du facteur de stimulation des colonies de granulocytes-macrophages humains (GMCSFR-alpha). Le génome du vecteur contient également un signal d'empaquetage psi, un donneur d'épissage, une partie du gène *gag*, un élément de réponse Rev (RRE), un volet d'ADN, et un accepteur d'épissage. Le vecteur est flanqué de répétitions terminales longues (LTRs) en 5' et 3' et est pseudotypé par la glycoprotéine G du virus de la stomatite vésiculaire (VSV). Le matériel de leucaphérèse est trié pour co-sélectionner les lymphocytes T CD4+ et CD8+ par immunosélection positive avant activation avec les agonistes CD3 et CD28 dans un milieu de croissance contenant de l'interleukine 2 (IL-2), de l'interleukine 7 (IL-7) et de l'interleukine 15 (IL -15). Le mélange de cellules CD4+/CD8+ est ensuite transduit avec le vecteur lentiviral et expansées de façon minimale dans un milieu de croissance contenant de l'IL-2, de l'IL-7 et de l'IL-15. La suspension cellulaire est constituée de lymphocytes CD4+ et CD8+ qui sont ≥80% CD3+ et contiennent ≥10% de cellules CD3+RAC+. Les lymphocytes T transduits libèrent de l'interféron gamma (IFN-γ) par co-culture avec des cellules cibles *in vitro* *thérapie génique à base de cellules (antinéoplasique)*
zolacabtagén autoleucel	linfocitos T CD4+ y CD8+ autólogos obtenidos por leucoaféresis y transducidos con un vector lentiviral auto inactivante, no replicativo que codifica (i) un receptor de antígenos quimérico (CAR) específico de CD19 y (ii) un receptor truncado del factor de crecimiento epidérmico (EGFRt) humano separado del CAR por un péptido de auto-escisión T2A, bajo el control de un promotor quimérico compuesto del factor de elongación 1-alfa (EF1-α) promotor/región R del virus linfotrópico T humano 1 (HTLV-1 R) y un elemento regulador post-transcripcional del virus de la hepatitis de la marmota (WPRE). El transgén CAR específico de CD19 consiste en un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) derivado de un anticuerpo monoclonal específico de CD19 (FMC63), una región bisagra de IgG4, un domino transmembrana de CD28 y los dominios intracelulares coestimulador de CD137 (4-1BB) y de señalización de CD3ζ. Ambos transgenes, el CAR específico de CD19 y el EGFRt, están precedidos por una secuencia de péptido señal del receptor alfa del factor estimulador de colonias de granulocitos-macrófagos (GMCSFR-alfa) humano. El genoma del vector también contiene una secuencia de empaquetamiento psi, un donante de procesamiento, un *gag* parcial, un elemento de respuesta Rev (RRE), una solapa de ADN, y un aceptor de procesamiento.El vector está

flanqueado por repeticiones terminales largas (LTRs) en 5' y 3' y está seudotipado con la glicoproteína G del virus de la estomatitis vesicular (VSV).
El material de leucoaféresis es clasificado para la co-selección de linfocitos T CD4+ y CD8+ mediante inmunoselección positiva antes de la activación con agonistas de CD3 y CD28 en medio de crecimiento que contiene interleuquina 2 (IL-2), interleuquina 7 (IL-7) e interleuquina 15 (IL-15). La mezcla de células CD4+/CD8+ después se transducen con el vector lentiviral y se expanden mínimamente en medio de crecimiento que contiene IL-2, IL-7 e IL-15. La suspensión celular consiste en linfocitos T CD4+ y CD8+ que son ≥80% CD3+ y contien ≥10% de células CD3+CAR+. Los linfocitos T transducidos liberan interferón gamma (IFN-γ) mediante co-cultivo con células diana *in vitro terapia génica basada en células (antineoplásico)*

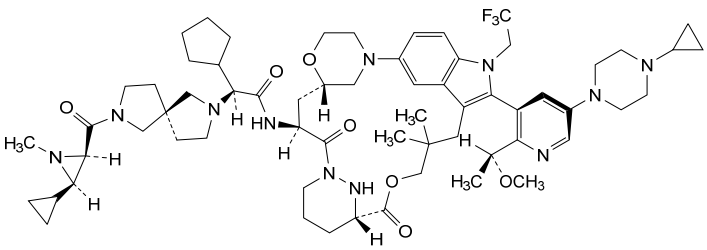
zoldonrasibum

zoldonrasib (2*S*)-2-cyclopentyl-2-{(5*S*)-7-[(2*R*,3*R*)-3-cyclopropyl-1-methylaziridine-2-carbonyl]-2,7-diazaspiro[4.4]nonan-2-yl}-*N*-[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^3*S*)-1^2-{5-(4-cyclopropylpiperazin-1-yl)-2-[(1*S*)-1-methoxyethyl]pyridin-3-yl}-10,10-dimethyl-5,7-dioxo-1^1-(2,2,2-trifluoroethyl)-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morpholina-6(1,3)-[1,2]diazinanacycloundecaphan-4-yl]acetamide
Kirsten rat sarcoma viral oncogene homolog inhibitor, antineoplastic

zoldonrasib (2*S*)-2-cyclopentyl-2-{(5*S*)-7-[(2*R*,3*R*)-3-cyclopropyl-1-méthylaziridine-2-carbonyl]-2,7-diazaspiro[4.4]nonan-2-yl}-*N*-[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^3*S*)-1^2-{5-(4-cyclopropylpipérazin-1-yl)-2-[(1*S*)-1-méthoxyéthyl]pyridin-3-yl}-10,10-diméthyl-5,7-dioxo-1^1-(2,2,2-trifluoroéthyl)-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morpholina-6(1,3)-[1,2]diazinanacycloundécaphan-4-yl]acétamide
inhibiteur d'homologue d'oncogène viral du sarcome de rat de Kirsten, antinéoplasique

zoldonrasib (2*S*)-2-ciclopentil-2-{(5*S*)-7-[(2*R*,3*R*)-3-ciclopropil-1-metilaziridina-2-carbonil]-2,7-diazaspiro[4.4]nonan-2-il}-*N*-[(1^2*M*,2^2*S*,4*S*,6^3*S*)-1^2-{5-(4-ciclopropilpiperazin-1-il)-2-[(1*S*)-1-metoxietil]piridin-3-il}-10,10-dimetil-5,7-dioxo-1^1-(2,2,2-trifluoroetil)-1^1*H*-8-oxa-1(5,3)-indola-2(4,2)-morfolina-6(1,3)-[1,2]diazinanacicloundecafan-4-il]acetamida
inhibidor del homólogo del oncogen vírico del sarcoma de rata Kirsten, antineoplásico

$C_{63}H_{88}F_3N_{11}O_7$ 3034802-05-3



zoninterferonum alfa-2b #

zoninterferon alfa-2b immunoglobulin single-chain VH domain (1-115), anti-(human albumin (ALB, human serum albumin, HSA)) [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (31-35.50-66.99-104))],

fused via the protease-cleavable peptide linker SGGPALFKSSFPPGS (116-130) with human interferon α-2 (IFN-α-2, interferon α-A, LeIF A, IFNA2, IFNA2A, IFNA2B) (131-295) and via the same linker (296-310) with another identical immunoglobulin single chain VH domain (311-425), anti-(human albumin (ALB, human serum albumin, HSA)) [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (341-345.360-376.409-414))], produced by a cell line derived from human embryonic kidney (HEK293) cells; glycoform alfa
immunomodulator, antineoplastic

zoninterféron alfa-2b — domaine VH monocaténaire d'immunoglobuline (1-115), anti-(albumine humaine (ALB, sérum-albumine humaine, SAH)) [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (31-35.50-66.99-104))], fusionné via le coupleur peptidique SGGPALFKSSFPPGS clivable par les protéases (116-130) avec l'interféron α-2 humain (IFN-α-2, interféron α-A, LeIF A, IFNA2, IFNA2A, IFNA2B) (131-295) et via le même coupleur peptidique (296-310) avec un autre domaine VH monocaténaire d'immunoglobuline identique (311-425), anti-(albumine humaine (ALB, sérum albumine humaine, SAH)) [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (341-345.360-376.409-414))], produite par une lignée cellulaire dérivée de cellules rénales embryonnaires humaines (HEK293); glycoforme alfa
immunomodulateur, antinéoplasique

zoninterferón alfa-2b — dominio VH monocatenario de inmunoglobulina (1-115), anti-[albúmina humana (ALB, albúmina sérica humana, ASH)] [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (31-35.50-66.99-104))], fusionado mediante el conector peptídico SGGPALFKSSFPPGS escindible por proteasa (116-130) con interferón α-2 humano (IFN-α-2, interferón α-A, LeIF A, IFNA2, IFNA2A, IFNA2B) (131-295) y a través del mismo conector (296-310) con otro dominio VH monocatenario de inmunoglobulina idéntico (311-425), anti-(albúmina humana (ALB, albúmina sérica humana, ASH) [*Homo sapiens* IGHV3-23*04 -(IGHD) -IGHJ1*01, (CDR-Kabat [5.17.6] (341-345.360-376.409-414))], producido por una línea celular derivada de células renales embrionarias humanas (HEK293); glicoforma alfa
inmunomodulador, antineoplásico

2999644-80-1

Sequence / Séquence / Secuencia

```
EVQLVESGGG LVQPGNSLRL SCAASGFTFS KFGMSWVRQA PGKGLEWVSS    50
ISGSGRDTLY AESVKGRFTI SRDNAKTTLY LQMNSLRPED TAVYYCTIGG   100
SLSVSSQGTL VTVSSSGGPA LFKSSFPPGS CDLPQTHSLG SRRTLMLLAQ   150
MRRISLFSCL KDRHDFGFPQ EEFGNQFQKA ETIPVLHEMI QQIFNLFSTK   200
DSSAAWDETL LDKFYTELYQ QLNDLEACVI QGVGVTETPL MKEDSILAVR   250
KYFQRITLYL KEKKYSPCAW EVVRAEIMRS FSLSTNLQES LRSKESGGPA   300
LFKSSFPPGS EVQLVESGGG LVQPGNSLRL SCAASGFTFS KFGMSWVRQA   350
PGKGLEWVSS ISGSGRDTLY AESVKGRFTI SRDNAKTTLY LQMNSLRPED   400
TAVYYCTIGG SLSVSSQGTL VTVSS                              425
```

Peptide linkers / Coupleurs peptidiques / Enlazadores peptídicos
^{116}*SGGPALFKSS* *FPPGS*^{130} (1-15)
^{296}*SGGPALFKSS* *FPPGS*^{310} (1-21)

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
intra-VH 1: 22-96
intra-IFNA2: 131-228, 159-268
intra-VH 2: 332-406

O-Glycosylation site / Site de O-glycosylation / Posición de O-glicosilación
T236

zovaglutidum

zovaglutide — glucagon-like peptide 1(7-37) [human GLP-1(7-37)] (1-31), (A^8>2-MeAla^2, G^{22}>E^{16}, K^{34}>R^{28}, R^{36}>G^{30})-variant, fused to the artificial 40-peptide (GAQP)9GQKP (32-71), substituted at N^6 of each of the two lysyl residues 20 and 70 with a (22*S*)-22,40-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazatetracontan-1-oyl group
glucagon-like peptide 1 (GLP-1) receptor agonist, antidiabetic

zovaglutide — peptide similaire au glucagon de type 1(7-37) [GLP-1(7-37) humain] (1-31), variant (A^8>2-MeAla^2, G22>E16, K^{34}>R^{28}, R^{36}>G^{30}), fusionné au 40-peptide artificiel (GAQP)9GQKP (32-71), substitué en N^6 de chacun des deux résidus lysyles 20 et 70 par un groupe (22*S*)-22,40-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazatétracontan-1-oyle
agoniste du récepteur du peptide-1 similaire au glucagon (GLP-1), antidiabétique

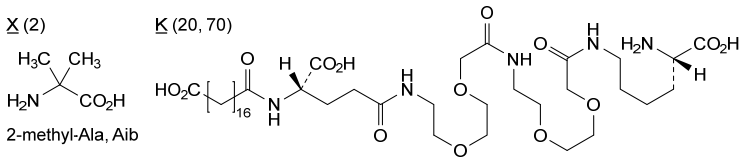
zovaglutida — péptido similar al glucagón tipo 1(7-37) [GLP-1(7-37) humano] (1-31), variante (A^8>2-MeAla^2, G^{22}>E^{16}, K^{34}>R^{28}, R^{36}>G^{30}), fusionado a un 40-péptido artificial (32-71), sustituido en N^6 de cada uno de los dos residuos lisilo 20 y 70 con un grupo (22*S*)-22,40-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazatetracontan-1-oilo
agonista del receptor del péptido 1 similar al glucagón (GLP-1), antidiabético

$C_{374}H_{584}N_{96}O_{123}$ 3013543-64-8

```
HXEGTFTSDV SSYLEEQAAK EFIAWLVRGG GGAQPGAQPG AQPGAQPGAQ 50
PGAQPGAQPG AQPGAQPGQK P                                71
```

Modified residues / Résidus modifiés / Restos modificados

X (2) K (20, 70)



Electronic structure available on MedNet: https://extranet.who.int/soinn/
Structure électronique disponible sur MedNet: https://extranet.who.int/soinn/
Estructura electrónica disponible en MedNet: https://extranet.who.int/soinn/

Proposed International Nonproprietary Names: List 132 –COVID-19 (special edition)
Comments on, or formal objections to, the proposed names may be forwarded by any person to the INN Programme of the World Health Organization within four months of the date of their publication in *WHO Drug Information*, i.e., for **List 132 of Proposed INN not later than 13 June 2025. Publication date:** 14.02.2025

Dénominations communes internationales proposées: Liste 132 - COVID-19 (édition spéciale)
Des observations ou des objections formelles à l'égard des dénominations proposées peuvent être adressées par toute personne au Programme des Dénominations communes internationales de l'Organisation mondiale de la Santé dans un délai de quatre mois à compter de la date de leur publication dans *WHO Drug Information*, c'est à dire pour la **Liste 132 de DCI Proposées le 13 juin 2025 au plus tard. Date de publication :** 14.02.2025

Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas: Lista 132 - COVID-19 (edición especial)
Cualquier persona puede dirigir observaciones u objeciones respecto de las denominaciones propuestas, al Programa de Comunes Internacionales de la Organización Mundial de la Salud, en un plazo de cuatro meses, contados desde la fecha de su publicación en *WHO Drug Information*, es decir, para **la Lista 132 de DCI Propuestas el 13 de Junio de 2025 a más tardar.**
Fecha de publicación: 14.02.2025

Proposed INN (Latin, English, French, Spanish)	*Chemical name or description: Action and use: Molecular formula, Chemical Abstracts Service (CAS) registry number: Graphic formula*
DCI Proposée	*Nom chimique ou description: Propriétés et indications: Formule brute, Numéro dans le registre du CAS: Formule développée*
DCI Propuesta	*Nombre químico o descripción: Acción y uso: Fórmula molecular, Número de registro del CAS: Fórmula desarrollada*

cemivameranum #

cemivameran	messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding a full-length, codon-optimised pre-fusion stabilised conformation variant (K982P and V983P) of the SARS-CoV-2 (severe acute respiratory syndrome coronavirus 2) spike (S) glycoprotein (Omicron KP.2 variant; GISAID: EPI_ISL_18912216), flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' polyadenylation (polyA) tail; contains N^1-methylpseudouridine instead of uridine (*all*-U>$m^1\Psi$) *immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)*
cémivaméran	ARN messager (ARNm), coiffé en 5', codant une variante de conformation stabilisée de préfusion, de longueur complète, optimisée par codon (K982P et V983P) de la glycoprotéine du spicule (S) du SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère) (variant Omicron KP.2; GISAID: EPI_ISL_18912216), flanqué en 5' et 3' de régions non traduites et d'une queue de polyadénylation (polyA) en 3'; contient de la N^1-méthylpseudouridine en lieu de l'uridine (*tout*-U>$m^1\Psi$) *agent immunologique pour immunisation active (anti-SRAS-CoV-2)*

cemivamerán

ARN mensajero (ARNm), protegido en 5', que codifica, con codones optimizados, para la secuencia completa de una variante estabilizada en conformación pre-fusión (K982P y V983P) de la glicoproteína de la espícula (S) del SRAS-Cov-2 (coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo) (variante Omicron KP.2; GISAID: EPI_ISL_18912216), flanqueada por regiones sin traducir 5' y 3' y una cola de poliadenilación (poliA) en 3'; contiene N^1-metilpseudouridina en lugar de uridina (*todo*-U>$m^1\Psi$)
agente inmunológico para inmunización activa (anti-SRAS-CoV-2)

3036385-75-5

girocovateinum #
girocovatein

severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2), omicron lineage JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) spike (S) glycoprotein receptor binding domain (RBD) fragment (303-520, 1-218 in the current sequence), variant (K^{520}>G^{218}) fused to severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2), omicron lineage JN.1 spike (S) glycoprotein receptor binding domain (RBD) fragment (303-520, 219-436 in the current sequence, K^{436}>del), single chain homodimer, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa
immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)

girocovatéine

fragment du domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine du spicule (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SRAS-CoV-2), lignée omicron JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) (303-520, 1-218 dans la séquence en cours), variant (K^{520}>G^{218}), fusionné au fragment du domaine de liaison au récepteur de la glycoprotéine du spicule (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SRAS-CoV-2), lignée omicron JN.1 (303-520, 220-438 dans la séquence en cours), homodimère monocaténaire, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1 glycoforme alfa
agent immunologique pour immunisation active (anti-SRAS-CoV-2)

girocovateína

fragmento del dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína de espícula (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SRAS-CoV-2), linaje ómicron JN.1 (Gisaid: EPI_ISL_18872762) (303-520, 1-218 en la secuencia actual), variante (K^{520}>G^{218}), fusionado al fragmento del dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína de espícula (S) del coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo (SRAS-CoV-2), linaje ómicron JN.1 (303-520, 220-438 en la secuencia actual), homodímero de cadena única, producido en células ováricas de hámster Chino (CHO), línea celular CHO-K1, glicoforma alfa
agente inmunológico para inmunización activa (anti-SRAS-CoV-2)

3038651-03-2

Sequence / Séquence / Secuencia

```
RVQPTESIVR FPNVTNLCPF HEVFNATRFA SVYAWNRTRI SNCVADYSVL  50
YNFAPFFAFK CYGVSPTKLN DLCFTNVYAD SFVIKGNEVS QIAPGQTGNI 100
ADYNYKLPDD FTGCVIAWNS NKLDSKHSGN YDYWYRSFRK SKLKPFERDI 150
STEIYQAGNK PCKGKGPNCY FPLQSYGFRP TYGVGHQPYR VVVLSFELLH 200
APATVCGPKK STNLVKNGRV QPTESIVRFP NVTNLCPFHE VFNATRFASV 250
YAWNRTRISN CVADYSVLYN FAPFFAFKCY GVSPTKLNDL CFTNVYADSF 300
VIKGNEVSQI APGQTGNIAD YNYKLPDDFT GCVIAWNSNK LDSKHSGNYD 350
YWYRSFRKSK LKPFERDIST EIYQAGNKPC KGKGPNCYFP LQSYGFRPTY 400
GVGHQPYRVV VLSFELLHAP ATVCGPKKST NLVKNK                436
```

Mutation / Mutation / Mutación
K^{520}>$\underline{G}^{218}$

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-chain: 18-43, 61-114, 73-206, 162-169, 236-261, 279-332, 291-424, 380-387

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
N13, N25; N231, N243

O-glycosylation sites / Sites de O-glycosylation / Posiciones de O-glicosilación
T5, T223

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
436

ibramvibartum #

ibramvibart — immunoglobulin G1-kappa, anti-[severe acute respiratory syndrome coronavirus 2 (SARS-CoV-2) spike (S) protein, receptor binding domain (RBD)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v78 CH3 L107 A114 (CH1 R120 (221) (125-222), hinge 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-217')-disulfide with L-lambda2 light chain *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (92.8%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')]; dimer (233-233":236-236")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1, glycoform alfa *antiviral*

ibramvibart — immunoglobuline G1-kappa, anti-[domaine de liaison au récepteur (RBD) de la glycoprotéine spike (S) du coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère (SRAS-CoV-2)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v78 CH3 L107 A114 (CH1 R120 (221) (125-222), charnière 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-217')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (92.8%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')];

dimère (233-233'':236-236'')-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa
antiviral

ibramvibart — immunoglobulina G1-kappa, anti-[dominio de unión al receptor (RBD) de la glicoproteína spike (S) del coronavirus 2 (humano) del síndrome respiratorio agudo severo (SRAS-CoV-2)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-454) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-21*07 (88.8%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (92.9%), CDR-IMGT [8.8.17] (26-33.51-58.97-113)) (1-124) -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, 9-G1v78 CH3 L107 A114 (CH1 R120 (221) (125-222), bisagra 1-15 (223-237), CH2 (238-347), CH3 E12 (363), M14 (365), M107>L (435), N114>A (441) (348-452), CHS (453-454)) (125-454)], (227-217')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 *Homo sapiens* (1'-218') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV1-40*01 (92.8%) -IGLJ1*01 (91.7%), CDR-IMGT [9.3.12] (26'-34'.52'-54'.91'-102')) (1'-112') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (C-LAMBDA2) (113'-218')]; dímero (233-233'':236-236'')-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1, forma glicosilada alfa
antiviral

3031270-42-2

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada
```
EVQLVESGGG LVKPGGSLRL SCAASGFEFG SYEMNWVRQA PGKGLEWVSS  50
ISEDGYTTYY PDSLKGRFTI SRDSAKNSLY LQMNSLRADD TAVYYCARDF 100
GGDTNWAGTG FTYWGQGTLV TVSSASTKGP SVFPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSCDKT HTCPPCPAPE LLGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPAPIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP SREEMTKNQV SLTCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVLHEALH AHYTQKSLSL 450
SPGK                                                   454
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera
```
QSVLTQPPSV SGAPGQRITI SCEGSSSNIG AGYDVHWYQQ LPGTAPKLLI  50
YGSSVRNYGV PDRFSGSKSG TSASLAITGL QAEDEADYYC QSYDSDLGIL 100
YTFGTGTKVT VLGQPKAAPS VTLFPPSSEE LQANKATLVC LISDFYPGAV 150
TVAWKADSSP VKAGVETTTP SKQSNNKYAA SSYLSLTPEQ WKSHRSYSCQ 200
VTHEGSTVEK TVAPTECS                                    218
```

Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 151-207 268-328 374-432
22''-96'' 151''-207'' 268''-328'' 374''-432''
Intra-L (C23-C104) 22'-90' 140'-199'
22'''-90''' 140'''-199'''
Inter-H-L (h 5-CL 126) 227-217' 227''-217'''
Inter-H-H (h 11, h 14) 233-233'' 236-236''

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
L VL V-LAMBDA Q1: 1', 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 304, 304''
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 454, 454''

rubravameranum #

rubravameran — self-amplifying messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding Venezuelan equine encephalitis virus (VEEV; strain TC-83) RNA-dependent RNA polymerase complex (VEEV non-structural proteins 1-4 [nsP1, nsP2, nsP3 and nsP4]) and a codon-optimised receptor binding domain (RBD) of the SARS-CoV-2 (severe acute respiratory syndrome coronavirus 2) spike (S) glycoprotein (Omicron XBB.1.5 variant derived from GenBank ID: OQ054680.1; amino acids 323-527), preceded by the SARS-CoV-2 signal peptide and fused to an H1N1 influenza virus hemagglutinin transmembrane domain and a universal (pan) HLA DR-binding epitope (PADRE), flanked by VEEV 5' and 3' untranslated regions (UTRs) and terminated with a 3' polyadenylation (polyA) tail; contains 5-methylcytosine instead of cytosine (*all*-C>5mC). Generation of the SARS-CoV-2 RBD mRNA is under control of the VEEV subgenomic promoter
immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)

rubravaméran — ARN messager auto-amplifiant (ARNm), avec une coiffe en 5', codant pour le complexe d'ARN polymérase ARN-dépendante (protéines non structurales 1-4 [nsP1, nsP2, nsP3 et nsP4]) du virus de l'encéphalite équine vénézuélienne (VEEV; souche TC-83) et un domaine de liaison au récepteur (RBD), optimisé pour les codons, de la glycoprotéine du spicule (S) (variante Omicron XBB.1.5 dérivée de GenBank ID: OQ054680.1; acides aminés 323 à 527), du SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère), précédée du peptide signal du SRAS-CoV-2 et fusionnée à un domaine transmembranaire d'hémagglutinine du virus de la grippe H1N1, et à un épitope universel (pan) de liaison au HLA DR (PADRE), flanqué des régions non traduites de VEEV (UTRs) en 3' et 5' et terminées par une queue de polyadénylation (polyA) en 3'; contient de la 5-méthylcytosine au lieu de la cytosine (*tout*-C>5mC). La génération de l'ARNm du SRAS-CoV-2 RBD est sous le contrôle du promoteur subgénomique du VEEV
agent immunologique pour immunisation active (anti-SRAS-CoV-2)

rubravamerán — ARN mensajero (ARNm) auto amplificante, protegido mediante caperuza en 5', que codifica el complejo de ARN polimerasa dependiente de ARN (proteínas no estructurales 1-4 de VEEV [nsP1, nsP2, nsP3 y nsP4]) del virus de la encefalitis equina venezolana (VEEV; cepa TC-83) y un dominio de unión al receptor con codones optimizados (RBD) de la glicoproteína de la espícula (S) (variante Omicron XBB.1.5 derivada de GenBank ID: OQ054680.1; aminoácidos 323-527) del SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo), precedido por el péptido señal del SRAS-CoV-2 y fusionado a un dominio transmembrana de la hemaglutinina del virus de la gripe H1N1 y un epítopo universal (pan) de unión a HLA DR (PADRE), flanqueado por regiones no traducidas (UTRs) 5' y 3' de VEEV y terminado con una cola de poliadenilación 3' (poliA); contiene 5-metilcitosina en lugar de citosina (*todos*-C>5 mC). La generación del ARNm de RBD del SRAS-CoV-2 está bajo el control del promotor subgenómico de VEEV
agente inmunológico para inmunización activa (anti-SRAS-CoV-2)

3004804-43-4

tagovameranum #

tagovameran — self-amplifying messenger RNA (mRNA), 5'-capped, encoding codon-optimised Venezuelan equine encephalitis virus (VEEV) RNA-dependent RNA polymerase complex (VEEV proteins nsP1, nsP2, nsP3 and nsP4) and a full-length codon-optimised pre-fusion stabilised conformation variant (K981P and V982P) of the SARS-CoV-2 (severe acute respiratory

syndrome coronavirus 2) spike (S) glycoprotein BA.4/BA.5 variant (derived from GenBank ID: UVX18152) containing furin cleavage-inactivating mutations (R677G, R678S and R680S), flanked by 5' and 3' untranslated regions and a 3' polyadenylation (poly(A) tail; generation of capped S glycoprotein mRNA is under control of a VEEV subgenomic promoter
immunological agent for active immunization (anti-SARS-CoV-2)

tagovaméran

ARN messager (ARNm) auto-amplifiant, avec une coiffe en 5', codant l'ARN polymérase dépendante de l'ARN du virus de l'encéphalite équine vénézuélienne (VEEV) optimisé par codon (protéines nsP1, nsP2, nsP3 et nsP4 de VEEV) et une variante de conformation stabilisée de préfusion (K981P et V982P), de séquence complète, optimisée par codon, de la glycoprotéine du spicule (S) du SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 du syndrome respiratoire aigu sévère) variant BA.4/BA.5 (dérivé de la base de données GenBank ID: UVX18152), contenant des mutations inactivant le clivage par la furine (R677G, R678S et R680S), flanqué en 5' et 3' par des régions non traduites et une queue de polyadénylation (polyA) en 3'; la génération de l'ARNm de la glycoprotéine S coiffée est sous le contrôle du promoteur subgénomique de VEEV
agent immunologique pour immunisation active (anti-SRAS-CoV-2)

tagovamerán

ARN mensajero (ARNm) auto amplificante, protegido en 5', que codifica, con codones optimizados, para una ARN polimerasa dependiente de ARN del virus de la encefalitis equina venezolana (VEEV) (proteínas nsP1, nsP2, nsP3 y nsP4 de VEEV) y para una secuencia completa, con codones optimizados, de una variante estabilizada en conformación pre-fusión (K981P y V982P) de la glicoproteína de la espícula (S) del SRAS-CoV-2 (coronavirus 2 del síndrome respiratorio agudo severo) variante BA.4/BA.5 (derivada de GenBank ID: UVX18152) que contiene mutaciones inactivantes de la rotura por furina (R677G, R678S y R680S), flanqueado por regiones sin traducir 5' y 3' y una cola de poliadenilación (poliA) en 3'; la generación del ARNm protegido de la glicoproteína S está bajo el control del promotor subgenómico de VEEV
agente inmunológico para inmunización activa (anti-SRAS-CoV-2)

2923496-70-0

Names for chemical modifications of INN (substituent groups, counterions, adduct partners, etc.):

Many pharmaceutical substances for which an International Nonproprietary Name (INN) has been established are used as modified derivatives (salts, esters, protein-drug conjugates, solvates, etc.). The chemical modification (including counterions) involved may be of complex nature and it is then inconvenient to use its systematic chemical name. Consequently, shorter nonproprietary names for such modifications have been devised, and these are recommended for creating modified International Nonproprietary Names (INNM).

Dénominations applicables aux modifications chimiques des DCI (groupes substituants, contre-ions, adduits, etc.) :

Certaines substances pour lesquelles une dénomination commune internationale proposée a été établie sont parfois utilisées comme dérivés modifiés (sels, esters, médicaments conjugués à des protéines, produits de solvatation, etc.). Les modifications chimiques (incluant les contre-ions) sont alors quelques fois si complexes qu'il est malcommode de les désigner conformément à la nomenclature chimique systématique. Des dénominations communes abrégées ont donc été formées ou choisies pour certaines d'entre elles et il est suggéré de les employer pour créer les dénominations communes internationales modifiées (DCIM).

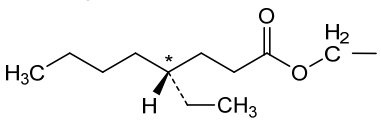
Denominaciones aplicables a modificaciones químicas de las DCI (grupos sustituyentes, contraiones, aductos, etc.):

Muchas sustancias farmacéuticas para las cuales hay establecidas una denominación común internacional (DCI) pueden usarse como derivados modificados (sales, ésteres, medicamentos conjugados con proteínas, solvatos, etc.). Las modificaciones químicas (incluidos los contraiones) implicadas pueden ser de naturaleza compleja y por tanto es inapropiado utilizar su nombre químico sistemático. Como consecuencia, se han diseñado denominaciones abreviadas para estas modificaciones y se recomiendan para la creación de Denominaciones Comunes Internacionales modificadas (DCIM).

etocomilum

etocomil	{[(4*RS*)-4-ethyloctanoyl]oxy}methyl
étocomil	{[(4*RS*)-4-éthyloctanoyl]oxy}méthyle
etocomilo	{[(4*RS*)-4-etiloctanoil]oxi}metilo

-$C_{11}H_{21}O_3$

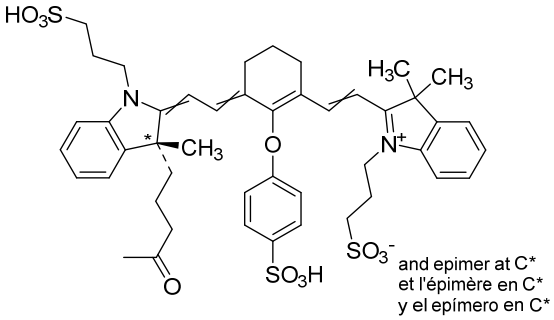


and epimer at C*
et l'épimère en C*
y el epímero en C*

filricianinum

filricianine	4-[(2Ξ,3*RS*)-2-{(2Ξ)-2-[3-{(1Ξ)-2-[3,3-dimethyl-1-(3-sulfonatopropyl)-3*H*-indol-1-ium-2-yl]ethen-1-yl}-2-(4-sulfophenoxy)cyclohex-2-en-1-ylidene]ethylidene}-3-methyl-1-(3-sulfopropyl)-2,3-dihydro-1*H*-indol-3-yl]butanoyl
filricianine	4-[(2Ξ,3*RS*)-2-{(2Ξ)-2-[3-{(1Ξ)-2-[3,3-diméthyl-1-(3-sulfonatopropyl)-3*H*-indol-1-ium-2-yl]éthén-1-yl}-2-(4-sulfophénoxy)cyclohex-2-én-1-ylidène]éthylidène}-3-méthyl-1-(3-sulfopropyl)-2,3-dihydro-1*H*-indol-3-yl]butanoyle
filricianina	4-[(2Ξ,3*RS*)-2-{(2Ξ)-2-[3-{(1Ξ)-2-[3,3-dimetil-1-(3-sulfonatopropil)-3*H*-indol-1-ium-2-il]eten-1-il}-2-(4-sulfofenoxi)ciclohex-2-en-1-ilidene]etilidene}-3-metil-1-(3-sulfopropil)-2,3-dihidro-1*H*-indol-3-il]butanoilo

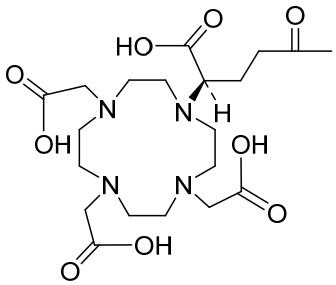
$C_{71}H_{95}N_7O_{22}S_3$



guraxetanum

guraxetan	(4*R*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-1-yl]butanoyl
guraxétan	(4*R*)-4-carboxy-4-[4,7,10-tris(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-1-yl]butanoyle
guraxetán	(4*R*)-4-carboxi-4-[4,7,10-tris(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-1-il]butanoilo

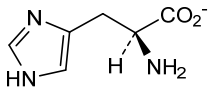
$C_{19}H_{31}N_4O_9$



histidinas

histidinate	L-histidinate
histidinate	L-histidinate
histidinato	L-histidinato

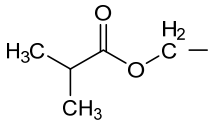
$C_6H_8N_3O_2^-$



isoboxilum

isoboxil	[(2-methylpropanoyl)oxy]methyl
isoboxil	[(2-méthylpropanoyl)oxy]méthyle
isoboxilo	[(2-metilpropanoil)oxi]metilo

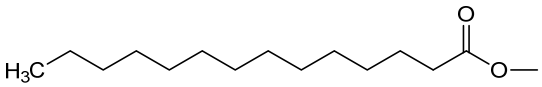
$C_5H_9O_2$



miristatum

miristate tetradecanoate (ester or salt)
miristate tétradécanoate (ester ou sel)
miristato tetradecanoato (éster o sal)

$C_{14}H_{27}O_2$ or / ou / o $C_{14}H_{27}O_2^-$



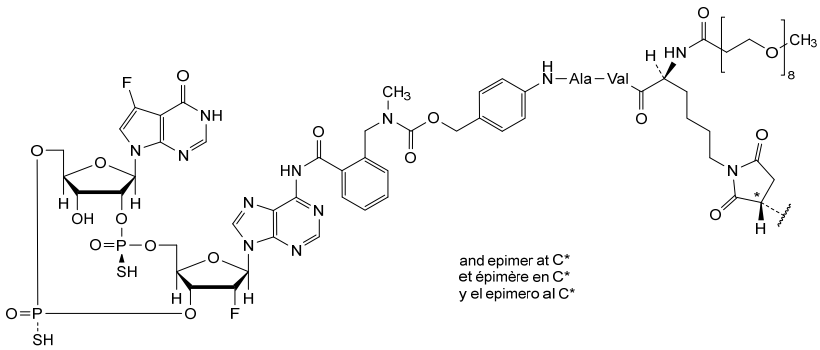
plevistinagum

plevistinag (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{cyclo[($P^{3'}$*R*)-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-($P^{2'}$*R*)-7-fluoro-7-carba-*P*-thioinosinylyl-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonyl}phenyl)methyl](methyl)carbamoyl}oxy)methyl]anilino}-1-oxopropan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]carbamoyl}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl

plévistinag (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{cyclo[($P^{3'}$*R*)-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-($P^{2'}$*R*)-7-fluoro-7-carba-*P*-thioinosinylyl-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonyl}phényl)méthyl](méthyl)carbamoyl}oxy)méthyl]anilino}-1-oxopropan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]carbamoyl}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle

plevistinag (3*RS*)-1-[(28*S*)-28-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[({[(2-{ciclo[($P^{3'}$*R*)-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tioadenilil-(3'→5')-($P^{2'}$*R*)-7-fluoro-7-carba-*P*-tioinosinilil-(2'→5')]-$N^{6.1}$-carbonil}fenil)metil](metil)carbamoil}oxi)metil]anilino}-1-oxopropan-2-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il]carbamoil}-26-oxo-2,5,8,11,14,17,20,23-octaoxa-27-azadotriacontan-32-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo

$C_{74}H_{99}F_2N_{14}O_{27}P_2S_2$



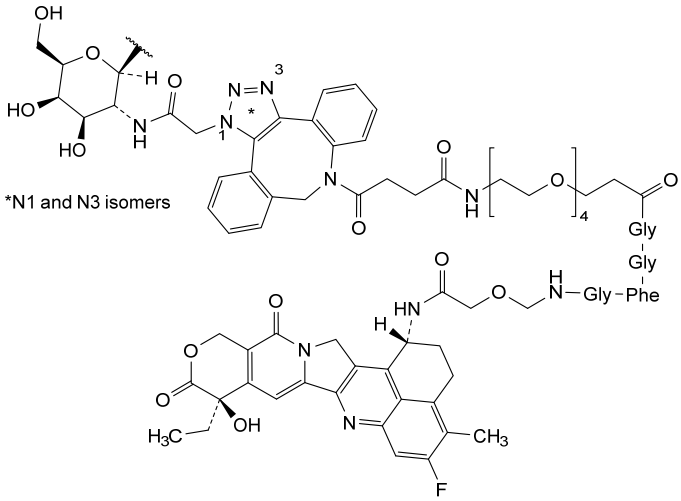
repodatecanum

repodatecan 2-(2-{8-[(10*S*)-10-benzyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-ethyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-methyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oyl]-8,9-dihydro-1(*or* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*or* 3)-yl}acetamido)-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl

répodatécan 2-(2-{8-[(10*S*)-10-benzyl-1-{[(1*S*,9*S*)-9-éthyl-5-fluoro-9-hydroxy-4-méthyl-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-b]quinoléin-1-yl]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oyl]-8,9-dihydro-1(*ou* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*ou* 3)-yl}acétamido)-2-désoxy-β-D-galactopyranosyle

repodatecán 2-(2-{8-[(10*S*)-10-bencil-1-{[(1*S*,9*S*)-9-etil-5-fluoro-9-hidroxi-4-metil-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolein-1-il]amino}-1,6,9,12,15,18,34-heptaoxo-3,21,24,27,30-pentaoxa-5,8,11,14,17,33-hexaazaheptatriacontan-37-oil]-8,9-dihidro-1(*o* 3)*H*-dibenzo[*b*,*f*][1,2,3]triazolo[4,5-*d*]azocin-1(*o* 3)-il}acetamido)-2-desoxi-β-D-galactopiranosilo

$C_{80}H_{92}N_{13}O_{22}$



tivedotinum

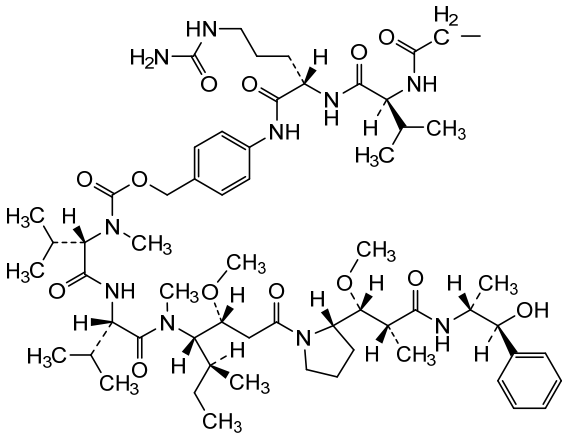
tivedotin 2-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[(5*S*,8*S*,11*S*,12*R*)-11-[(2*S*)-butan-2-yl]-12-(2-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]amino}-1-methoxy-2-methyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl}-2-oxoethyl)-4,10-dimethyl-3,6,9-trioxo-5,8-di(propan-2-yl)-2,13-dioxa-4,7,10-triazatetradecan-1-yl]anilino}-5-(carbamoylamino)-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-methyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-2-oxoethyl;
2-oxo-2-({L-valyl-N^5-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophenyl)methoxy]carbonyl-*N*-methyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-methoxy-5-methyl-4-(methylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phenylpropan-2-yl]-3-methoxy-2-methyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-$N^{2.1}$-yl)ethyl

tivédotine 2-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[(5*S*,8*S*,11*S*,12*R*)-11-[(2*S*)-butan-2-yl]-12-(2-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]amino}-1-méthoxy-2-méthyl-3-oxopropyl]pyrrolidin-1-yl}-2-oxoéthyl)-4,10-diméthyl-3,6,9-trioxo-5,8-di(propan-2-yl)-2,13-dioxa-4,7,10-triazatétradécan-1-yl]anilino}-5-(carbamoylamino)-1-oxopentan-2-yl]amino}-3-méthyl-1-oxobutan-2-yl]amino}-2-oxoéthyle;
2-oxo-2-({L-valyl-N^5-carbamoyl-L-ornithyl[(4-aminophényl)méthoxy]carbonyl-*N*-méthyl-L-valyl-L-valyl-(3*R*,4*S*,5*S*)-3-méthoxy-5-méthyl-4-(méthylamino)heptanoyl-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-hydroxy-1-phénylpropan-2-yl]-3-méthoxy-2-méthyl-3-[(2*S*)-pyrrolidin-2-yl]propanamide}-$N^{2.1}$-yl)éthyle

tivedotina

2-{[(2*S*)-1-{[(2*S*)-1-{4-[(5*S*,8*S*,11*S*,12*R*)-11-[(2*S*)-butan-2-il]-12-(2-{(2*S*)-2-[(1*R*,2*R*)-3-{[(1*S*,2*R*)-1-fenil-1-hidroxopropan-2-il]amino}-1-metoxi-2-metil-3-oxopropil]pirrolidin-1-il}-2-oxoetil)-4,10-dimetil-3,6,9-trioxo-5,8-di(propan-2-il)-2,13-dioxa-4,7,10-triazatetradecan-1-il]anilino}-5-(carbamoilamino)-1-oxopentan-2-il]amino}-3-metil-1-oxobutan-2-il]amino}-2-oxoetilo;
2-oxo-2-({L-valil-N^5-carbamoil-L-ornitil[(4-aminofenil)metoxi]carbonil-*N*-metil-L-valil-L-valil-(3*R*,4*S*,5*S*)-5-metil-4-(metilamino)-3-metoxiheptanoil-(2*R*,3*R*)-*N*-[(1*S*,2*R*)-1-fenil-1-hidroxipropan-2-il]-2-metil-3-metoxi-3-[(2*S*)-pirrolidin-2-il]propanamida}-$N^{2.1}$-il)etilo

$C_{60}H_{95}N_{10}O_{13}$



AMENDMENTS TO PREVIOUS LISTS
MODIFICATIONS APPORTÉES AUX LISTES ANTÉRIEURES
MODIFICACIONES A LAS LISTAS ANTERIORES

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 118
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 118
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 118
(WHO Drug Information, Vol. 31, No. 4, 2017)

p.702-703 **rebisufligenum etisparvovecum #**

rebisufligene etisparvovec *Please note that the MedNet file has been updated*
rébisufligène étisparvovec *Veuillez noter que le fichier MedNet a été mis à jour*
rebisufligén etisparvovec *Tenga en cuenta que se ha actualizado el archivo MedNet*

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 120
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 120
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 120
(WHO Drug Information, Vol. 32, No. 4, 2018)

p.510-512 **teclistamabum #**
teclistamab *replace the chemical name by the following one*

immunoglobulin G4-lambda, anti-[*Homo sapiens* TNFRSF17 (TNF receptor superfamily member 17, tumor necrosis factor receptor superfamily, member 17, B cell maturation antigen, BCMA, BCM, TNFRSF13A, CD269)] and anti-[*Homo sapiens* CD3 epsilon (CD3E, Leu-4)], monoclonal antibody, bispecific; gamma4 heavy chain anti-TNFRSF17 (1-448) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-39*01 (97.0%) -(IGHD) -IGHJ4*01 (100%)) [10.7.13] (1-121) -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2 (CH1 (122-219), hinge S10>P (229) (220-231), CH2 L92 (310), F1.3>A (235), L1.2>A (236) (232-341), CH3 (342-446), CHS (447-448)) (122-448)], (135-213')-disulfide with lambda light chain anti-TNFRSF17 (1'-214') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV3-21*02 (96.9%) -IGLJ2*01 (100.0%)) [6.3.11] (1'-108') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (99.1%) A43>G (152) (109'-214')];
gamma4 heavy chain anti-CD3E (1''-452'') [VH (*Mus musculus* IGHV10-1*02 (89.8%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (93.3%)/*Homo sapiens* IGHV3-72*01 (88.0%) -(IGHD) -IGHJ6*01 (90.9%)) [8.10.16] (1''-125'') -*Homo sapiens* IGHG4*01, nG4m(a) CH2 L92, G4v5 h P10, G4v4 CH2 A1.3, A1.2, G4v10 CH3 F85.1, K88 (CH1 (126-223), hinge S10>P (233) (224-235), CH2 L92 (314), F1.3>A (239), L1.2>A (240) (236-345), CH3 F85.1>L (410), R88>K (414) (346-450), CHS (451-452)) (126''-452'')], (139''-214''')-disulfide with lambda light chain anti-CD3 (1'''-215''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV7-43*01 (81.9%) -IGLJ3*02 (100%)) [9.3.9] (1'''-109''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (100%) (110'''-215''')]; dimer (**227-231'':230-234''**)-bisdisulfide

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 129
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 129
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 129
(WHO Drug Information, Vol. 37, No. 2, 2023)

p.340-341 **cemacabtagenum ansegedleucelum #**

cemacabtagene ansegedleucel	*replace the chemical name by the following one*
cémacabtagène anségedleucel	*remplacer le nom chimique par le suivant*
cemacabtagén ansegedleucel	*sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

EN, lines 12-18	The expressed transgene comprises a mouse kappa light chain leader sequence, an anti-CD19 single chain variable fragment (scFv) derived from clone 4G7, a CD8α hinge and transmembrane domain, **and a 4-1BB (CD137) co-stimulatory and CD3ζ (TCRζ) intracellular signalling domain,** under control of the human elongation factor 1 alpha (EF1α) short (EFS) promoter.
EN, lines 29-31	At the end of expansion, TCR- cells **are enriched by negative selection with residual TCR+ cells depleted** using magnetic bead purification.
FR, lignes 14-20	Le transgène exprimé comprend une séquence de tête de chaîne légère kappa de souris, un fragment variable à chaîne unique (scFv) anti-CD19 dérivé du clone 4G7, un domaine charnière et transmembranaire CD8α, **ainsi que un domaine de co-stimulation 4-1BB (CD137) et un domaine de signalisation intracellulaire CD3ζ (TCRζ),** sous le contrôle du promoteur court (EFS) du facteur d'élongation 1 alpha (EF1α) humain.
FR, lignes 33-37	À la fin de l'expansion, les cellules TCR- **sont enrichies par sélection négative et les cellules TCR+ résiduelles sont éliminées** à l'aide d'une technologie de purification magnétique.
ES, líneas 13-19	El transgén expresado contiene una secuencia líder de la cadena ligera kappa de ratón, un fragmento variable de cadena sencilla (scFv) anti-CD19 derivado del clon 4G7, un dominio bisagra y transmembrana de CD8α, **un dominio co-estimulador de 4-1BB (CD137) y un dominio de señalización intracelulares de CD3ζ (TCRζ),** bajo el control del promotor corto del factor de elongación 1 alfa (EF1α) humano.
ES, líneas 32-34	Al final de la expansión, las células TCR- **se enriquecen mediante selección negativa y las células TCR+ residuales se eliminan** usando tecnología de purificación magnética.

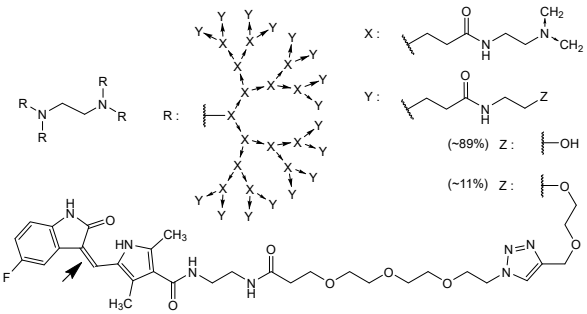
p.408-409 **migaldendranibum**

migaldendranib	*replace the chemical name and structure by the following ones*
migaldendranib	*remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
migaldendranib	*sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

2-{[1-(1-{5-[(***Z***)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihydro-3*H*-indol-3-ylidene)methyl]-2,4-dimethyl-1*H*-pyrrol-3-yl}-1,6-dioxo-9,12,15-trioxa-2,5-diazaheptadecan-17-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl]methoxy}ethyl ether with about 11% of hydroxy groups of a regular dendrimer α,α',α'',α'''-(ethylenedinitrilo)tetrakis(ω-hexadecakis{3-[(2-hydroxyethyl)amino]-3-oxopropyl}-*dendro*^{G4}-[(3-oxopropane-1,3-diyl)azanediylethylenenitrilo])

éther 2-{[1-(1-{5-[(***Z***)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihydro-3*H*-indol-3-ylidène)méthyl]-2,4-diméthyl-1*H*-pyrrol-3-yl}-1,6-dioxo-9,12,15-trioxa-2,5-diazaheptadécan-17-yl)-1*H*-1,2,3-triazol-4-yl]méthoxy}éthylique avec approximativement 11% de groupes terminaux hydroxy d'un dendrimère régulier α,α',α'',α'''-(éthylènedinitrilo)tétrakis(ω-hexadécakis{3-[(2-hydroxyéthyl)amino]-3-oxopropyl}-*dendro*^{G4}-[(3-oxopropane-1,3-diyl)azanediyléthylènenitrilo])

éter 2-{[1-(1-{5-[(***Z***)-(5-fluoro-2-oxo-1,2-dihidro-3*H*-indol-3-ilideno)metil]-2,4-dimetil-1*H*-pirrol-3-il}-1,6-dioxo-9,12,15-trioxa-2,5-diazaheptadecan-17-il)-1*H*-1,2,3-triazol-4-il]metoxi}etílico con aproximadamente 11% de grupos terminales hidroxi de un dendrímero regular α,α',α'',α'''-(etilenodinitrilo)tetrakis(ω-hexadecakis{3-[(2-hidroxietil)amino]-3-oxopropil}-*dendro*^{G4}-[(3-oxopropano-1,3-diil)azanediiletilenonitrilo])



p.438	*delete/supprimer/suprimáse*	*insert/insérer/insertese*
	pobrolitidum	**getacatetidum**
	pobrolitide	getacatetide
	pobrolitide	gétacatétide
	pobrolitida	getacatetida

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 130
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 130
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 130
(WHO Drug Information, Vol. 37, No. 4, 2023)

p.979-981 **atigotatugum #**

atigotatug *replace the chemical name and structure by the following ones*
atigotatug *remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
atigotatug *sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[Fucosyl-GM1 (fucosylated monosialoganglioside 1)], *Homo sapiens* monoclonal antibody; H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-**451**) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (117), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (219) (123-220), hinge 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS **K2>del** (**451**) (123-**451**)], (225-214')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-214') [V-

KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimer (231-231":234-234")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line **CHO-K1**, lacking the enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransferase (FUT8), glycoform alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[Fucosyl-GM1 (monosialoganglioside 1 fucosylé)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*;
chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-**451**) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (117), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (219) (123-220), charnière 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS **K2>del** (**451**)) (123-**451**)], (225-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dimère (231-231":234-234")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire **CHO-K1**, ne présentant pas l'enzyme alpha-(1,6)-fucosyltransférase (FUT8), glycoforme alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[Fucosil-GM1 (monosialogangliósido 1 fucosilado)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-**451**) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*02 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (117), CDR-IMGT [8.8.15] (26-33.51-58.97-111)) (1-122) -*Homo sapiens* IGHG1*03 (100%), G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14 (CH1 R120 (219) (123-220), bisagra 1-15 (221-235), CH2 (236-345), CH3 E12 (361), M14 (363) (346-450), CHS **K2>del** (**451**)) (123-**451**)], (225-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1D-16*01 (100%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')]; dímero (231-231":234-234")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular **CHO-K1**, en ausencia de la enzima alfa-1,6-fucosiltransferasa (FUT8), forma glicosilada alfa

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG SVQPGESLRL SCVASGFTFS RYKMNWVRQA PGKGLEWVSY  50
ISRSGRDIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRDED TAVYYCAGTV 100
TTYYYDFGMD VWGQGTTVTV SSASTKGPSV FPLAPSSKST SGGTAALGCL 150
VKDYFPEPVT VSWNSGALTS GVHTFPAVLQ SSGLYSLSSV VTVPSSSLGT 200
QTYICNVNHK PSNTKVDKRV EPKSCDKTHT CPPCPAPELL GGPSVFLFPP 250
KPKDTLMISR TPEVTCVVVD VSHEDPEVKF NWYVDGVEVH NAKTKPREEQ 300
YNSTYRVVSV LTVLHQDWLN GKEYKCKVSN KALPAPIEKT ISKAKGQPRE 350
PQVYTLPPSR EEMTKNQVSL TCLVKGFYPS DIAVEWESNG QPENNYKTTP 400
PVLDSDGSFF LYSKLTVDKS RWQQGNVFSC SVMHEALHNH YTQKSLSLSP 450
G                                                      451
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIQMTQSPSS LSASVGDRVT ITCRASQGIS SWLAWYQQKP EKAPKSLIYA  50
ASSLQSGVPS RFSGSGSGTD FTLTISSLQP EDFATYYCQQ YNSYPPTFGG 100
GTKVEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 149-205 266-326 372-430
22"-96" 149"-205" 266"-326" 372"-430"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
23'"-88'" 134'"-194'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 225-214' 225"-214'"
Inter-H-H (h 11, h 14) 231-231" 234-234"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 302, 302"
Afucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires
complexes afucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos afucosilados

p.998-1000 **calotatugum ginistinagum #**

calotatug ginistinag *replace the chemical name, the CAS RN and structure by the following ones*

calotatug ginistinag *remplacer le nom chimique, le numéro de registre du CAS et la structure par les suivants*

calotatug ginistinag *sustitúyase el nombre químico, el número del CAS y la estructura por los siguientes*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tyrosine-protein kinase erbB-2, epidermal growth factor receptor 2, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, conjugated on 8 cysteinyl residues to a STING agonist, with a ratio of 1 to 8;
H-gamma1 heavy chain *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-215')-disulfide with L-kappa light chain *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')]; dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, cell line CHO-K1SV, glycoform alfa; substituted at the sulfur atom of eight l-cysteinyl residues at position 220, 226, 229, 215', 220", 226", 229" and 215"' with (3*RS*)-1-[(4*S*,47*S*,53*S*,54*R*,55*R*,56*R*)-4-[(15***R****S*)-20-{[(6*E*)-4^{6},9^{5}-dicarbamoyl-1^{4},12^{4}-diethyl-1^{2},12^{2}-dimethyl-2,11-dioxo-3,10-diaza-4(2,3)-imidazo[4,5-*b*]pyridina-9(1,2)-[1,3]benzimidazola-1,12(5)-bis[1,3]oxazoladodecaphan-6-en-9^{7}-yl]oxy}-15-methyl-3,13,16-trioxo-7,10,17-trioxa-4,14-diazaicosan-1-yl]-53,54,55,56,57-pentahydroxy-2,5,8,11,14,17,45,50-octaoxo-47-{[(2*S*,3*R*,4*R*,5*R*)-2,3,4,5,6-pentahydroxyhexyl]carbamoyl}-21,24,27,30,33,36,39,42-octaoxa-3,6,9,12,15,18,46,51-octaazaheptapentacontan-1-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*ginistinag*) groups

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-2, récepteur 2 du facteur de croissance épidermique, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, conjugué par 8 résidus cystéinyle à un agoniste STING avec un rapport de 1 à 8; chaîne lourde H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-215')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01

(100%), Km3 A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')]; dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), lignée cellulaire CHO-K1SV, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre de 8 résidus l-cystéinyle en position 220, 226, 229, 215', 220", 226", 229" et 215"' avec le groupement (3*RS*)-1-[(4*S*,47*S*,53*S*,54*R*,55*R*,56*R*)-4-[(15***R***S*)-20-{[(6*E*)-4^6,9^5-dicarbamoyl-1^4,12^4-diéthyl-1^2,12^2-diméthyl-2,11-dioxo-3,10-diaza-4(2,3)-imidazo[4,5-*b*]pyridina-9(1,2)-[1,3]benzimidazola-1,12(5)-bis[1,3]oxazoladodécaphan-6-én-9^7-yl]oxy}-15-méthyl-3,13,16-trioxo-7,10,17-trioxa-4,14-diazaicosan-1-yl]-53,54,55,56,57-pentahydroxy-2,5,8,11,14,17,45,50-octaoxo-47-{[(2*S*,3*R*,4*R*,5*R*)-2,3,4,5,6-pentahydroxyhexyl]carbamoyl}-21,24,27,30,33,36,39,42-octaoxa-3,6,9,12,15,18,46,51-octaazaheptapentacontan-1-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*ginistinag*)

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* ERBB2 (receptor tirosina-proteína kinasa erbB-2, receptor 2 del factor de crecimiento epidérmico, EGFR2, HER2, HER-2, p185c-erbB2, NEU, CD340)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, conjugado por 8 residuos cisteinilo a un agonista STING con un ratio de 1 a 8;
cadena pesada H-gamma1 *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV3-48*01 (100%) -(IGHD) -IGHJ2*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.10] (26-33.51-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*01 (100%), G1m17,1 CH1 K120, CH3 D12, L14 (CH1 K120 (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 D12 (356), L14 (358) (341-445), CHS K2>del (446)) (118-446)], (220-215')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa *Homo sapiens* (1'-215') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV3-20*01 (97.9%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [7.3.9] (27'-33'.51'-53'.90'-98')) (1'-108') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (154'), V101 (192') (109'-215')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular CHO-K1SV, forma glicosilada alfa; substituido sobre el átomo de azufre de 8 residuos l-cisteinilo en posición 220, 226, 229, 215', 220", 226", 229" y 215"' con el grupo (3*RS*)-1-[(4*S*,47*S*,53*S*,54*R*,55*R*,56*R*)-4-[(15***R***S*)-20-{[(6*E*)-4^6,9^5-dicarbamoil-1^4,12^4-dietil-1^2,12^2-dimetil-2,11-dioxo-3,10-diaza-4(2,3)-imidazo[4,5-*b*]piridina-9(1,2)-[1,3]benzimidazola-1,12(5)-bis[1,3]oxazoladodecafan-6-en-9^7-il]oxi}-15-metil-3,13,16-trioxo-7,10,17-trioxa-4,14-diazaicosan-1-il]-53,54,55,56,57-pentahidroxi-2,5,8,11,14,17,45,50-octaoxo-47-{[(2*S*,3*R*,4*R*,5*R*)-2,3,4,5,6-pentahidroxihexil]carbamoil}-21,24,27,30,33,36,39,42-octaoxa-3,6,9,12,15,18,46,51-octaazaheptapentacontan-1-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*ginistinag*)

3032312-00-5

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
EVQLVESGGG LVQPGGSLRL SCAASGFTFS SYSMNWVRQA PGKGLEWVSY  50
ISSSSSTIYY ADSVKGRFTI SRDNAKNSLY LQMNSLRAED TAVYYCARGG 100
HGYFDLWGRG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSRDELTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPG     446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
EIVLTQSPGT LSLSPGERAT LSCRASQSVS SSYLAWYQQK PGQAPRLLIY  50
GASSRATGIP DRFSGSGSGT DFTLTISRLE PEDFAVYYCQ QYHHSPLTFG 100
GGTKVEIKRT VAAPSVFIFP PSDEQLKSGT ASVVCLLNNF YPREAKVQWK 150
VDNALQSGNS QESVTEQDSK DSTYSLSSTL TLSKADYEKH KVYACEVTHQ 200
GLSSPVTKSF NRGEC                                       215
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"

Intra-L (C23-C104) 23'-89' 135'-195'
23'''-89''' 135'''-195'''

Inter-H-L* (h 5-CL 126) 220-215' 220"-215'''

Inter-H-H* (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

* The four inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 8 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.

* Les quatre ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 8 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.

* Los cuatro puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 8 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación

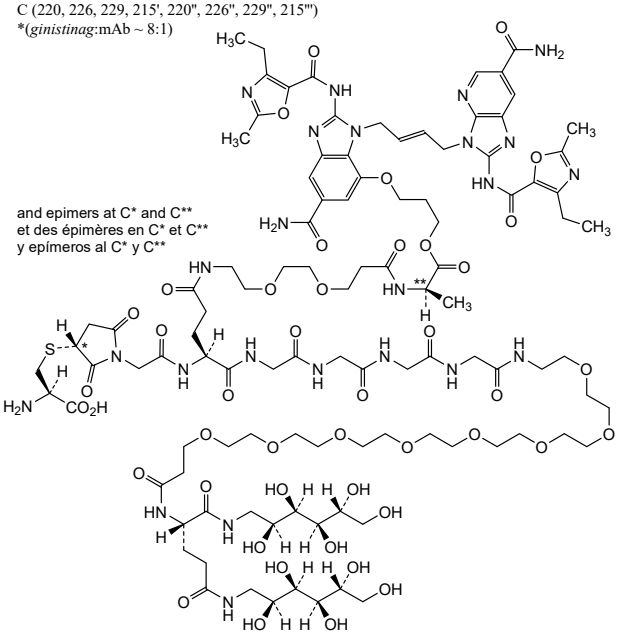
H CH2 N84.4: 297, 297"

Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales*

C (220, 226, 229, 215', 220", 226", 229", 215''')

*(*ginistinag*:mAb ~ 8:1)



p.1011 -1012	*delete/supprimer/suprimáse*	*insert/insérer/insertese*
	dalmitamigum	**marlotamigum**
	dalmitamig	marlotamig
	dalmitamig	marlotamig
	dalmitamig	marlotamig

p.1071 **lonvoguranum**
lonvoguran *replace the chemical name by the following one*

all-P-ambo-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-guanylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-adenylyl-(3'→5')-uridylyl-(3'→5')-cytidylyl-(3'→5')-adenylyl-**(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl**-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiouridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridine

p.1155 -1156	*delete/supprimer/suprimáse*	*insert/insérer/insertese*
	segigratinibum	**ratangratinibum**
	segigratinib	ratangratinib
	ségigratinib	ratangratinib
	segigratinib	ratangratinib

p.1179-1182 **tilatamigum samrotecanum #**

	tilatamig samrotecan	*replace the chemical name and structure by the following ones*
	tilatamig samrotécan	*remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
	tilatamig samrotecán	*sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

immunoglobulin G1-kappa/G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* MET (met proto-oncogene, hepatocyte growth factor (HGF) receptor, HGFR, scatter factor (SF) receptor, HGF/SF receptor, receptor tyrosine-protein kinase c-met, papillary renal cell carcinoma 2, RCCP2)] and anti-[*Homo sapiens* EGFR (epidermal growth factor receptor, receptor tyrosine-protein kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], *Homo sapiens* monoclonal antibody, bispecific, conjugated on 6 cysteinyl residues to *samrotecan*;
H-gamma1 heavy chain anti-MET *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), G1v75 CH3 C5 (CH1 R120 (213) (117-214), hinge 1-15 (215-229), CH2 L1.3>F (233), L1.2>E (234), P116>S (330) (230-339), CH3 Y5>C (348), E12 (355), M14 (357) T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (hole) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfide with L-kappa light chain anti-MET *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (92.6%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104'), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')];
H-gamma1 heavy chain anti-EGFR *Homo sapiens* (1''-454'') [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26''-33''.51''-58''.97''-113'')) (1''-124'') -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v32 CH3 W22 (knob), G1v74 CH3 C10, G1v58 CH1 C5, h V5 (CH1 F5>C (133''), R120 (221'') (125''-222''), hinge 1-15 C5>V (227'') (223''-237''), CH2 L1.3>F (241''), L1.2>E (242''), P116>S (338'') (238''-347''), CH3 S10>C (361''), E12 (363''), M14 (365''), T22>W (373'') (348''-452''), CHS (453''-454'')) (125''-454'')], (133''-126''')-disulfide with L-lambda2 light chain anti-EGFR *Homo sapiens* (1'''-217''') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*05 (94.9%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.11] (26'''-34'''.52'''-54'''.91'''-101''')) (1'''-111''') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%), LC2v58 C10, V126, S10>C (126'''), C126>V (216''') (112'''-217''')]; dimer (225-233'':228-236'')-bisdisulfide, produced in a cell line from Chinese hamster ovary (CHO) cells, derived from the cell line CHO-K1, glycoform alfa; substituted at the sulfur atoms of L-cysteinyl residues **219, 225, 228, 214', 233'' and 236''** with **(3*RS*)-**1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-ethyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinolin-4-yl]amino}-2-methyl-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yl (*samrotecan*) groups

immunoglobuline G1-kappa/G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* MET (proto-oncogène met, récepteur du facteur de croissance hépatocytaire, HGFR, récepteur du facteur de dispersion (SF), récepteur de l'HGF/SF, récepteur protéine-tyrosine kinase c-met, carcinome papillaire à cellules rénales 2, RCCP2)] et anti-[*Homo sapiens* EGFR (récepteur du facteur de croissance épidermique, récepteur tyrosine-protéine kinase erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticorps monoclonal *Homo sapiens*, bispécifique, conjugué par 6 résidus cystéinyle au *samrotécan*;
chaîne lourde H-gamma1 anti-MET *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), G1v75 CH3 C5 (CH1 R120 (213) (117-214), charnière 1-15 (215-229), CH2 L1.3>F (233), L1.2>E (234), P116>S (330) (230-339), CH3 Y5>C (348), E12 (355), M14 (357), T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (hole) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa

anti-MET *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (92.6%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')];
chaîne lourde H-gamma1 anti-EGFR *Homo sapiens* 1"-454") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26"-33".51"-58".97"-113")) (1"-124") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v32 CH3 W22 (knob), G1v74 CH3 C10, G1v58 CH1 C5, h V5 (CH1 F5>C (133"), R120 (221") (125"-222"), charnière 1-15 C5>V (227") (223"-237"), CH2 L1.3>F (241"), L1.2>E (242"), P116>S (338") (238"-347"), CH3 S10>C (361"), E12 (363"), M14 (365"), T22>W (373") (348"-452"), CHS (453"-454")) (125"-454")], (133"-126"')-disulfure avec la chaîne légère L-lambda2 anti-EGFR *Homo sapiens* (1"'-217"') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*05 (94.9%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.11] (26"'-34"'.52"'-54"'.91"'-101"')) (1"'-111"') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%), LC2v58 C10, V126, S10>C (126"'), C126>V (216"') (112"'-217"')]; dimère (225-233":228-236")-bisdisulfure, produit dans une lignée cellulaire des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), dérivant de la lignée cellulaire CHO-K1, glycoforme alfa; substitué sur l'atome de soufre des résidus L-cystéinyle **219, 225, 228, 214', 233" et 236"** avec des groupes **(3*RS*)-**1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-éthyl-9-hydroxy-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahydro-1*H*,12*H*-benzo[*de*]pyrano[3',4':6,7]indolizino[1,2-*b*]quinoléin-4-yl]amino}-2-méthyl-1,4,7,35-tétraoxo-5-(propan-2-yl)-10,13,16,19,22,25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-yl]-2,5-dioxopyrrolidin-3-yle (*samrotécan*)

inmunoglobulina G1-kappa/G1-lambda, anti-[*Homo sapiens* MET (proto-oncogén met, receptor del factor de crecimiento hepatocitario, HGFR, receptor del factor de dispersión (SF), receptor del HGF/SF, receptor proteína-tirosina kinasa c-met, carcinoma papilar con células renales 2, RCCP2)] y anti-[*Homo sapiens* EGFR (receptor del factor de crecimiento epidérmico, receptor tirosina-proteína kinasa erbB-1, ERBB1, HER1, HER-1, ERBB)], anticuerpo monoclonal *Homo sapiens*, biespecífico, conjugué par 6 résidus cystéinyle au *samrotécan*; cadena pesada H-gamma1 anti-MET *Homo sapiens* (1-446) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-8*01 (95.9%) -(IGHD) -IGHJ3*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.9] (26-33.51-58.97-105)) (1-116)-*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v33 CH3 S22, A24, V86 (hole), G1v75 CH3 C5 (CH1 R120 (213) (117-214), bisagra 1-15 (215-229), CH2 L1.3>F (233), L1.2>E (234), P116>S (330) (230-339), CH3 Y5>C (348), E12 (355), M14 (357), T22>S (365), L24>A (367), Y86>V (406) (hole) (340-444), CHS (445-446)) (117-446)], (219-214')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa anti-MET *Homo sapiens* (1'-214') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV1-5*03 (92.6%) -IGKJ4*01 (90.9%) V124>L (104), CDR-IMGT [6.3.9] (27'-32'.50'-52'.89'-97')) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153'), V101 (191') (108'-214')];
cadena pesada H-gamma1 anti-EGFR *Homo sapiens* 1"-454") [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*06 (83.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [8.8.17] (26"-33".51"-58".97"-113")) (1"-124") -*Homo sapiens* IGHG1*03, G1m3, nG1m1 CH1 R120, CH3 E12, M14, G1v39 CH2 F1.3, E1.2, S116, G1v32 CH3 W22 (knob), G1v74 CH3 C10, G1v58 CH1 C5, h V5 (CH1 F5>C (133"), R120 (221") (125"-222"), bisagra 1-15 C5>V (227") (223"-237"), CH2 L1.3>F (241"), L1.2>E (242"), P116>S (338") (238"-347"), CH3 S10>C (361"), E12 (363"), M14 (365"), T22>W (373") (348"-452"), CHS (453"-454")) (125"-454")], (133"-126"')-disulfuro con la cadena ligera L-lambda2 anti-EGFR *Homo sapiens* (1"'-217"') [V-LAMBDA (*Homo sapiens* IGLV2-14*05 (94.9%) -IGLJ2*01 (90.9%), CDR-IMGT [9.3.11] (26"'-34"'.52"'-54"'.91"'-101"')) (1"'-111"') -*Homo sapiens* IGLC2*01 (98.1%), LC2v58 C10, V126, S10>C (126"'), C126>V (216"') (112"'-217"')]; dímero (225-233":228-236")-bisdisulfuro, producido en una línea celular de las células ováricas de hámster chino (CHO), línea celular derivada de CHO-K1, forma glicosilada alfa; sustituido en el átomo de azufre de los residuos L-cisteinilo **219, 225, 228, 214', 233" y 236"** con grupos **(3*RS*)-**1-[(2*S*,5*S*)-1-{[(9*S*)-9-etil-9-hidroxi-10,13-dioxo-2,3,9,10,13,15-hexahidro-1*H*,12*H*-

benzo[*de*]pirano[3',4':6,7]indolizino [1,2-*b*]quinolin-4-il]amino}-2-metil-1,4,7,35-tetraoxo-5-(propan-2-il)-10,13,16,19, 22, 25,28,31-octaoxa-3,6,34-triazaheptatriacontan-37-il]-2,5-dioxopirrolidin-3-ilo (*samrotecán*)

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: anti-MET (hole) (H)
```
QVQLVQSGAE VKKPGASVKV SCKASGYTFT DYYIHWVRQA TGQGLEWMGW  50
MNPNSGNTGY AQKFQGRVTM TRDTSISTAY MELSSLRSED TAVYYCARGQ 100
GYTHSWGQGT MVTVSSASTK GPSVFPLAPS SKSTSGGTAA LGCLVKDYFP 150
EPVTVSWNSG ALTSGVHTFP AVLQSSGLYS LSSVVTVPSS SLGTQTYICN 200
VNHKPSNTKV DKRVEPKSCD KTHTCPPCPA PEFEGGPSVF LFPPKPKDTL 250
MISRTPEVTC VVVDVSHEDP EVKFNWYVDG VEVHNAKTKP REEQYNSTYR 300
VVSVLTVLHQ DWLNGKEYKC KVSNKALPAS IEKTISKAKG QPREPQVCTL 350
PPSREEMTKN QVSLSCAVKG FYPSDIAVEW ESNGQPENNY KTTPPVLDSD 400
GSFFLVSKLT VDKSRWQQGN VFSCSVMHEA LHNHYTQKSL SLSPGK     446
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: anti-MET (L')
```
DIQMTQSPST LSASVGDRVT ITCRASEGIY HWLAWYQQKP GKAPKLLIYK  50
ASSLASGVPS RFSGSGSGTE FTLTISSLQP DDFATYYCQQ YSNYPPTFGG 100
GTKLEIKRTV AAPSVFIFPP SDEQLKSGTA SVVCLLNNFY PREAKVQWKV 150
DNALQSGNSQ ESVTEQDSKD STYSLSSTLT LSKADYEKHK VYACEVTHQG 200
LSSPVTKSFN RGEC                                        214
```

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada: anti-EGFR (knob) (H")
```
QVQLVQSGAE VKKPGSSVKV SCKASGGTFS DNDFSWVRQA PGQGLEWMGA  50
IVAVFRTETY AQKFQDRVKI TADISTRTTY MELSSLRSED TAVYYCARRL 100
MSAISGPGAP LLMWGQGTLV TVSSASTKGP SVCPLAPSSK STSGGTAALG 150
CLVKDYFPEP VTVSWNSGAL TSGVHTFPAV LQSSGLYSLS SVVTVPSSSL 200
GTQTYICNVN HKPSNTKVDK RVEPKSVDKT HTCPPCPAPE FEGGPSVFLF 250
PPKPKDTLMI SRTPEVTCVV VDVSHEDPEV KFNWYVDGVE VHNAKTKPRE 300
EQYNSTYRVV SVLTVLHQDW LNGKEYKCKV SNKALPASIE KTISKAKGQP 350
REPQVYTLPP CREEMTKNQV SLWCLVKGFY PSDIAVEWES NGQPENNYKT 400
TPPVLDSDGS FFLYSKLTVD KSRWQQGNVF SCSVMHEALH NHYTQKSLSL 450
SPGK                                                   454
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera: anti-EGFR (L''')
```
QSALTQPRSV SGSPGQSVTI SCTGTSSDVG GYNYVSWYQQ HPGKAPKLMI  50
YDVSKRPSGV PDRFSGSKSG NTASLTISGL QAEDEADYYC SSYTSSDTLE 100
IFGGGTKLTV LGQPKAAPSV TLFPPCSEEL QANKATLVCL ISDFYPGAVT 150
VAWKADSSPV KAGVETTTPS KQSNNKYAAS SYLSLTPEQW KSHRSYSCQV 200
THEGSTVEKT VAPTEVS                                     217
```

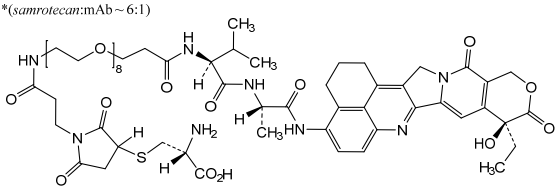
Post-translational modifications
Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro
Intra-H (C23-C104) 22-96 143-199 260-320 366-424
22"-96" 151"-207" 268"-328" 374"-432"
Intra-L (C23-C104) 23'-88' 134'-194'
22'''-90''' 139'''-198'''
Inter-H-L (h 5-CL 126)* 219-214' 133"-126"
Inter-H-H (h 11, h 14)* 225-233" 228-236"
Inter-H-H (CH3 C5-C10)** 348-361"
*At least three inter-chain disulfide bridges are not present, an average of 6 cysteinyl being conjugated each via a thioether bond to a drug linker.
*Au moins trois ponts disulfures inter-chaînes ne sont pas présents, 6 cystéinyl en moyenne étant chacun conjugué via une liaison thioéther à un linker-principe actif.
*Al menos tres puentes disulfuro inter-catenarios no estan presentes, una media de 6 cisteinil está conjugada a conectores de principio activo.
**variants G1v75 (CH3 C5) and G1v74 (CH3 C10) creating an additional inter-H-H disulfide bond.
**variantes G1v75 (CH3 C5) et G1v74 (CH3 C10) créant une liaison disulfure inter-H-H supplémentaire.
**variantes G1v75 (CH3 C5) y G1v74 (CH3 C10) que crean un enlace disulfuro inter-H-H adicional.

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"
L VL Q1: 1'''

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 296, 304"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados.

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 446, 454"

Modified residues / résidus modifiés /restos modificados*
C (**219, 225, 228, 214', 233'', 236''**)
*(*samrotecan*:mAb ~ 6:1)



p.1185-1186 **trosunilimabum #**
trosunilimab *replace the chemical name by the following one*
trosunilimab *remplacer le nom chimique par le suivante*
trosunilimab *sustitúyase el nombre químico por lo siguiente*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* integrin ITGA4_ITGB7 (integrin alpha4 (CD49d)_beta7, integrin α4β7, lymphocyte Peyer's patch adhesion molecule 1, LPAM-1)]; gamma1 heavy chain (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (**79.2%**) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (107), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), hinge 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-214')-disulfide with kappa light chain (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimer (221-221":224-224")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* intégrine ITGA4_ITGB7 (intégrine alpha4 (CD49d)_bêta7, intégrine α4β7, récepteur d'adressage spécifique des plaques de Peyer, LPAM-1)];
chaîne lourde gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (**79.2%**) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (107), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), charnière 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-214')-disulfure avec la chaîne légère kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dimère (221-221":224-224")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* integrina ITGA4_ITGB7 (integrina alfa4 (CD49d)_beta7, integrina α4β7, receptor específico de las placas de Peyer, LPAM-1)];
cadena pesada gamma1 (1-442) [VH (*Homo sapiens* IGHV1-69*11 (**79.2%**) -(IGHD) -IGHJ3*01 (92.3%) M123>T (107), CDR-IMGT [8.8.5] (26-33.51-58.97-101)) (1-112) -*Homo sapiens* IGHG1*03v, G1m3>G1m17, nG1m1 (CH1 R120>K (209) (113-210), bisagra 1-15 (211-225), CH2 (226-335), CH3 E12 (351), M14 (353) (336-440), CHS (441-442)) (113-442)], (215-214')-disulfure con la cadena ligera kappa (1'-214') [V-KAPPA Musmus/Homsap (*Mus musculus* IGKV14-100*01 (85.3%) -IGKJ1*01 (91.7%) L124>V (104)/*Homo sapiens* IGKV1-33*01 (80.0%) -IGKJ4*01 (100%), CDR-IMGT [6.3.9] (27-32.50-52.89-97)) (1'-107') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%), Km3 A45.1 (153), V101 (191) (108'-214')]; dímero (221-221":224-224")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa

Proposed International Nonproprietary Names (Prop. INN): List 131
Dénominations communes internationales proposées (DCI Prop.): Liste 131
Denominaciones Comunes Internacionales Propuestas (DCI Prop.): Lista 131
(WHO Drug Information, Vol. 38, No. 2, 2024)

p.237-239 **actinium (^{225}Ac) alpitatugum satetraxetanum #**

actinium (^{225}Ac) alpitatug satetraxetan — *replace the chemical name and structure by the following ones*
actinium (^{225}Ac) alpitatug satétraxétan — *remplacer le nom chimique et la structure par les suivants*
actinio (^{225}Ac) alpitatug satetraxetán — *sustitúyase el nombre químico y la estructura por los siguientes*

immunoglobulin G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLK2 (kallikrein-2, kallikrein peptidase 2, kallikrein 2 prostatic)], humanized monoclonal antibody, conjugated to *satetraxetan* (DOTA derivative) and radiolabelled with actinium-225;
H-gamma1 heavy chain humanized (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-28*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (214) (118-215), hinge 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfide with L-kappa light chain humanized (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')];
dimer (226-226":229-229")-bisdisulfide, produced in Chinese hamster ovary (CHO) cells, glycoform alfa; conjugated via the side chain nitrogen of an average of 3 lysine residues to **(^{225}Ac)actinium** radiolabeled *rac*-(4-{[(2*R*)-1,4,7,10-tetrakis(carboxymethyl)-1,4,7,10-tetraazacyclododecan-2-yl]methyl}phenyl)carbamothioyl (*satetraxetan*)

immunoglobuline G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLK2 (kallikréine-2, kallikréine peptidase 2, kallikréine prostatique)], anticorps monoclonal humanisé; conjugué au *satétraxétan* (dérivé DOTA) et radiomarqué à l'actinium-225;
chaîne lourde H-gamma1 humanisée (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-28*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (214) (118-215), charnière 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfure avec la chaîne légère L-kappa humanisée (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')];
dimère (226-226":229-229")-bisdisulfure, produit dans des cellules ovariennes de hamster chinois (CHO), glycoforme alfa; conjugué par l'azote de la chaîne latérale de 3 résidus lysine en moyenne au *rac*-(4-{[(2*R*)-1,4,7,10-tétrakis(carboxyméthyl)-1,4,7,10-tétraazacyclododécan-2-yl]méthyl}phényl)carbamothioyle (*satétraxétan*) et radiomarqué au **(^{225}Ac)actinium**

inmunoglobulina G1-kappa, anti-[*Homo sapiens* KLK2

(kalikreína-2, kalikreína peptidasa 2, kalikreína prostática)], anticuerpo monoclonal humanizado; conjugado con *satetraxetán* (derivado DOTA) y radiomarcado con el actinio-225; cadena pesada H-gamma1 humanizada (1-447) [VH (*Homo sapiens* IGHV4-28*01 (90.7%) -(IGHD) -IGHJ1*01 (100%), CDR-IMGT [9.7.10] (26-34.52-58.97-106)) (1-117) -*Homo sapiens* IGHG1*03v (100%) G1m3>G1m17, nG1m1 CH1 K120, CH3 E12, M14 (CH1 R120>K (214) (118-215), bisagra 1-15 (216-230), CH2 (231-340), CH3 E12 (356), M14 (358) (341-445), CHS (446-447)) (118-447)], (220-218')-disulfuro con la cadena ligera L-kappa humanizada (1'-218') [V-KAPPA (*Homo sapiens* IGKV4-1*01 (81.2%) -IGKJ2*01 (100%), CDR-IMGT [10.3.9] (27'-36'.54'-56'.93'-101')) (1'-111') -*Homo sapiens* IGKC*01 (100%) Km3 A45.1, V101 (C-KAPPA A45.1 (157'), V101 (195')) (112'-218')]; dímero (226-226":229-229")-bisdisulfuro, producido en las células ováricas de hámster chino (CHO), forma glicosilada alfa; conjugado por el nitrógeno de la cadena lateral de 3 residuos de lisina en promedio al *rac*-(4-{[(2*R*)-1,4,7,10-tetrakis(carboximetil)-1,4,7,10-tetraazaciclododecan-2-il]metil}fenil)carbamotioilo (*satetraxetán*) y radiomarcado con el **(^{225}Ac)actinio**

Heavy chain / Chaîne lourde / Cadena pesada

```
QVQLQESGPG LVKPSDTLSL TCAVSGNSIT SDYAWNWIRQ PPGKGLEWIG  50
YISYSGSTTY NPSLKSRVTM SRDTSKNQFS LKLSSVTAVD TAVYYCATGY 100
YYGSGFWGQG TLVTVSSAST KGPSVFPLAP SSKSTSGGTA ALGCLVKDYF 150
PEPVTVSWNS GALTSGVHTF PAVLQSSGLY SLSSVVTVPS SSLGTQTYIC 200
NVNHKPSNTK VDKKVEPKSC DKTHTCPPCP APELLGGPSV FLFPPKPKDT 250
LMISRTPEVT CVVVDVSHED PEVKFNWYVD GVEVHNAKTK PREEQYNSTY 300
RVVSVLTVLH QDWLNGKEYK CKVSNKALPA PIEKTISKAK GQPREPQVYT 350
LPPSREEMTK NQVSLTCLVK GFYPSDIAVE WESNGQPENN YKTTPPVLDS 400
DGSFFLYSKL TVDKSRWQQG NVFSCSVMHE ALHNHYTQKS LSLSPGK    447
```

Light chain / Chaîne légère / Cadena ligera

```
DIVLTQSPDS LAVSLGERAT INCKASESVE YFGTSLMHWY QQKPGQPPKL  50
LIYAASNRES GVPDRFSGSG SGTDFTLTIS SLQAEDVAVY YCQQTRKVPY 100
TFGQGTKLEI KRTVAAPSVF IFPPSDEQLK SGTASVVCLL NNFYPREAKV 150
QWKVDNALQS GNSQESVTEQ DSKDSTYSLS STLTLSKADY EKHKVYACEV 200
THQGLSSPVT KSFNRGEC                                    218
```

Post-translational modifications

Disulfide bridges location / Position des ponts disulfure / Posiciones de los puentes disulfuro

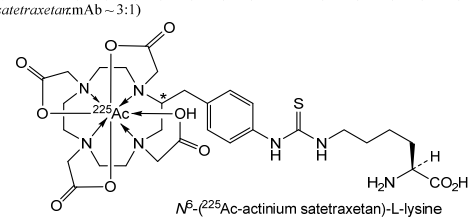
Intra-H (C23-C104) 22-96 144-200 261-321 367-425
22"-96" 144"-200" 261"-321" 367"-425"
Intra-L (C23-C104) 23'-92' 138'-198'
23'"-92'" 138'"-198'"
Inter-H-L (h 5-CL 126) 220-218' 220"-218"'
Inter-H-H (h 11, h 14) 226-226" 229-229"

N-terminal glutaminyl cyclization / Cyclisation du glutaminyle N-terminal / Ciclación del glutaminilo N-terminal
Q > pyroglutamyl (pE, 5-oxoprolyl) / pyroglutamyle (pE, 5-oxoprolyle) / piroglutamilo (pE, 5-oxoprolilo)
H VH Q1: 1, 1"

N-glycosylation sites / Sites de N-glycosylation / Posiciones de N-glicosilación
H CH2 N84.4: 297, 297"
Fucosylated complex bi-antennary CHO-type glycans / glycanes de type CHO bi-antennaires complexes fucosylés / glicanos de tipo CHO biantenarios complejos fucosilados

C-terminal lysine clipping / Coupure de la lysine C-terminale / Recorte de lisina C-terminal
H CHS K2: 447, 447"

Potential modified residues / résidus modifiés potentiels / restos modificados potenciales*
K (65, **222**, 246, 248, 392, 49', 130', 211', 65", **222"**, 246", 248", 392", 49'", 130'", 211'")
*(*satetraxetan*:mAb ~ 3:1)



N^{δ}-(^{225}Ac-actinium satetraxetan)-L-lysine

p.276 -277 **cadapersenum**
cadapersen
cadapersen
cadapersén

replace the molecular formula by the following one
remplacer la formule moléculaire brute par la suivante
sustitúyase el nombre químico y la fórmula molecular por los siguientes

5'-[hidrogenofosfato de (17*S*,20*S*)-1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-17-{2-[2-(2-{2-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]etoxi}eto**x**i)etoxi]acetamido}-20-{1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-11-oxo-3,6,9-trioxa-12-azahexadecan-16-il}-11,18,21-trioxo-3,6,9-trioxa-12,19,22-triazaoctacosan-28-ilo] de *todo-P-ambo*-2'-desoxicitidilil-(3'→5')-2'-desoxiadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tioadenilil-(3'→5')-*P*-tiotimidilil-(3'→5')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*,4'-*C*-metileno-*P*-tioadenilil-(3'→5')-5-metil-2'-*O*,4'-*C*-metilen**o**citidina

$C_{259}H_{378}N_{76}O_{135}P_{19}S_{16}$

p.356 **isomiosaminum**
isomiosamine
isomiosamine
isomiosamina

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

rac-**3**-[(**2*R***)-3,4-dihydro-2*H*-pyrrol-2-**yl]py**ridine
rac-**3**-[(**2*R***)-3,4-dihydro-2*H*-pyrrol-2-**yl]py**ridine
rac-**3**-[(**2*R***)-3,4-dihidro-2*H*-pirrol-2-**il]pi**ridina

p.400-401 **pangumestrocelum**
pangumestrocel
pangumestrocel
pangumestrocel

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

EN, lines 10-12

The final cells express CD73, CD90, and CD105 (**≥95%)** and are negative for CD34, CD45, CD11b, CD19 and HLA-DR (**≤2%**).

FR, lignes 11-13

Au final, les cellules expriment CD73, CD90 et CD 105 (**≥95%**) et sont négatives pour CD34, CD45, CD11b, CD19 et HLA-DR (**≤2%**).

ES, líneas 10-12

Las células finales expresan CD73, CD90 y CD105 (**≥95%**) y son negativas para CD34, CD45, CD11b, CD19 y HLA-DR (**≤2%**).

p.410-411 **pivicasiranum**
pivicasiran
pivicasiran
pivicasirán

replace the chemical name by the following one
remplacer le nom chimique par le suivant
sustitúyase el nombre químico por el siguiente

[(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopro**poxy**}methyl)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-

triazanonacosan-29-oyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]methyl hydrogen *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-**3'-**uridylate duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenosine

tout-P-ambo-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-**3'**-uridylate de [(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxopro**poxy**}méthyl)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]méthyle duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorouridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluoro-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénosine

todo-P-ambo-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-

desoxi-2'-fluorouridilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-**3'**-uridilato de [(2*S*,4*R*)-1-(1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}propil)amino]-3-oxoprop**oxi**}metil)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oil)-4-hidroxipirrolidin-2-il]metilo dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorouridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluoro-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenosina

p.414

plumbum (^{212}Pb) lapemelanotidum zapixetanum

lead (^{212}Pb) lapemelanotide zapixetan	*replace the molecular formula by the following one*
plomb (^{212}Pb) lapémélanotide zapixétan	*remplacer la formule moléculaire brute par la suivante*
plomo (^{212}Pb) lapemelanotida zapixetán	*sustitúyase la fórmula molecular por la siguiente*

$C_{79}H_{117}N_{25}O_{18}$**^{212}Pb**

p.437-438 **senvesiranum**

senvesiran	*replace the chemical name by the following one*
senvésiran	*remplacer le nom chimique par le suivant*
senvesirán	*sustitúyase el nombre químico por el siguiente*

[(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-deoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxoprop**oxy**}methyl)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]methyl hydrogen *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluoroadenylyl-(3'→5')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyladenylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-methylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-methyl-**3'**-uridylate duplex with *all-P-ambo*-2'-*O*-methyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-

methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-thymidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxycytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyluridylyl-(5'→3')-2'-deoxyadenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-deoxy-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-methyladenosine

tout-P-ambo-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluoroadénylyl-(3'→5')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyladénylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthyluridylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(3'→5')-2'-*O*-méthylguanylyl-(3'→5')-hydrogéno-2'-*O*-méthyl-**3'**-uridylate de [(2*S*,4*R*)-1-{1-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acétamido-2-désoxy-β-D-galactopyranosyl)oxy]pentanamido}propyl)amino]-3-oxoprop**oxy**}méthyl)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oyl}-4-hydroxypyrrolidin-2-yl]méthyle duplex avec *tout-P-ambo*-2'-*O*-méthyl-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxy-2'-fluorocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-thymidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylguanylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthylcytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxycytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyluridylyl-(5'→3')-2'-désoxyadénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyl-*P*-thioguanylyl-(5'→3')-2'-désoxy-*P*-thiocytidylyl-(5'→3')-2'-*O*-méthyladénosine

todo-P-ambo-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluoroadenilil-(3'→5')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-2'-*O*-metiladenilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metiluridilil-(3'→5')-2'-*O*-metilcitidilil-(3'→5')-2'-*O*-metilguanilil-(3'→5')-hidrógeno-2'-*O*-metil-**3'**-uridilato de [(2S,4R)-1-(1-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]-16,16-bis({3-[(3-{5-[(2-acetamido-2-desoxi-β-D-galactopiranosil)oxi]pentanamido}propil)amino]-3-oxoprop**oxi**}metil)-5,11,18-trioxo-14-oxa-6,10,17-triazanonacosan-29-oil)-4-hidroxipirrolidin-2-il]metilo dúplex con *todo-P-ambo*-2'-*O*-metil-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxi-2'-fluorocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-

metilguanilil-(5'→3')-timidilil-(5'→3')-2'-*O*-metilguanilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metilcytidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxicitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiluridilil-(5'→3')-2'-desoxiadenilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenilil-(5'→3')-2'-*O*-metil-*P*-tioguanilil-(5'→3')-2'-desoxi-*P*-tiocitidilil-(5'→3')-2'-*O*-metiladenosina

p.454 -456 **surovatamigum #**

surovatamig	*Please note that the MedNet file has been updated*
surovatamig	*Veuillez noter que le fichier MedNet a été mis à jour*
surovatamig	*Tenga en cuenta que se ha actualizado el archivo MedNet*

p.485 **vensemaglutidum**

vensemaglutide	*replace the chemical name and molecular formula by the following ones*
vensémaglutide	*remplacer le nom chimique et la formule moléculaire par les suivants*
vensemaglutida	*sustitúyase el nombre químico y la fórmula molecular por los siguientes*

$N^{2.2}$-{2-[(4*S*)-4-carboxy-4-(15-carboxypentadecanamido)butanamido]ethyl}-$N^{6.22}$-[(22*S*)-22,40-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazatetracontan-1-oyl]-[**E^5>G^1,R^6>G^2,A^8>Aib^4,K^{34}>R^{30}**]human glucagon-like peptide 1(5-37)

$N^{2.2}$-{2-[(4*S*)-4-carboxy-4-(15-carboxypentadécanamido)butanamido]éthyl}-$N^{6.22}$-[(22*S*)-22,40-dicarboxy-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tétraoxa-9,18,23-triazatétracontan-1-oyl]-[**E^5>G^1,R^6>G^2,A^8>Aib^4,K^{34}>R^{30}**]peptide 1(5-37) apparenté au glucagon humain (GLP-1(5-37))

$N^{2.2}$-{2-[(4*S*)-4-carboxi-4-(15-carboxipentadecanamido)butanamido]etil}-$N^{6.22}$-[(22*S*)-22,40-dicarboxi-10,19,24-trioxo-3,6,12,15-tetraoxa-9,18,23-triazatetracontan-1-oil]-[**E^5>G^1,R^6>G^2,A^8>Aib^4,K^{34}>R^{30}**]péptido 1(5-37) similar al glucagón humano (GLP-1(5-37))

$C_{214}H_{337}N_{49}O_{67}$

p.495 **zelebrudomidum**

zelebrudomide	*replace the CAS registry number by the following one*
zélébrudomide	*remplacer le numéro de registre du CAS par le suivant*
zelebrudomida	*sustitúyase el número de registro del CAS por el siguiente*

3024312-52-2

ANNEX 1

PROCEDURE FOR THE SELECTION OF RECOMMENDED INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES[1]

The following procedure shall be followed by the World Health Organization (hereinafter also referred to as "WHO") in the selection of recommended international nonproprietary names for pharmaceutical substances, in accordance with resolution WHA3.11 of the World Health Assembly, and in the substitution of such names.

Article 1 - Proposals for recommended international nonproprietary names and proposals for substitution of such names shall be submitted to WHO on the form provided therefore. The consideration of such proposals shall be subject to the payment of an administrative fee designed only to cover the corresponding costs of the Secretariat of WHO ("the Secretariat"). The amount of this fee shall be determined by the Secretariat and may, from time to time, be adjusted.

Article 2 - Such proposals shall be submitted by the Secretariat to the members of the Expert Advisory Panel on the International Pharmacopoeia and Pharmaceutical Preparations designated for this purpose, such designated members hereinafter referred to as "the INN Expert Group", for consideration in accordance with the "General principles for guidance in devising International Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances", annexed to this procedure[2]. The name used by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical substance shall be accepted, unless there are compelling reasons to the contrary.

Article 3 - Subsequent to the examination provided for in article 2, the Secretariat shall give notice that a proposed international nonproprietary name is being considered.

a) Such notice shall be given by publication in *WHO Drug Information*[3] and by letter to Member States and to national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States.

i) Notice shall also be sent to the person who submitted the proposal ("the original applicant") and other persons known to be concerned with a name under consideration.

b) Such notice shall:

i) set forth the name under consideration;

ii) identify the person who submitted the proposal for naming the substance, if so requested by such person;

iii) identify the substance for which a name is being considered;

iv) set forth the time within which comments and objections will be received and the person and place to whom they should be directed;

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

c) In forwarding the notice, the Secretariat shall request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the proposed name during the period it is under consideration by WHO.

Article 4 - Comments on the proposed name may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information*.

[1] See Annex 1 in WHO Technical Report Series, No. 581, 1975. The original text was adopted by the Executive Board in resolution EB15.R7 and amended in resolutions EB43.R9 and EB115.R4.

[2] See Annex 2.

[3] Before 1987, lists of international nonproprietary names were published in the *Chronicle of the World Health Organization*.

Article 5 - A formal objection to a proposed name may be filed by any interested person within four months of the date of publication, under article 3, of the name in *WHO Drug Information.*

Such objection shall:

i) identify the person objecting;

ii) state his or her interest in the name;

iii) set forth the reasons for his or her objection to the name proposed.

Article 6 - Where there is a formal objection under article 5, WHO may either reconsider the proposed name or use its good offices to attempt to obtain withdrawal of the objection. Without prejudice to the consideration by WHO of a substitute name or names, a name shall not be selected by WHO as a recommended international nonproprietary name while there exists a formal objection thereto filed under article 5 which has not been withdrawn.

Article 7 - Where no objection has been filed under article 5, or all objections previously filed have been withdrawn, the Secretariat shall give notice in accordance with subsection (a) of article 3 that the name has been selected by WHO as a recommended international nonproprietary name.

Article 8 - In forwarding a recommended international nonproprietary name to Member States under article 7, the Secretariat shall:

a) request that it be recognized as the nonproprietary name for the substance; and

b) request that Member States take such steps as are necessary to prevent the acquisition of proprietary rights in the name and to prohibit registration of the name as a trademark or trade name.

Article 9

a) In the extraordinary circumstance that a previously recommended international nonproprietary name gives rise to errors in medication, prescription or distribution, or a demonstrable risk thereof, because of similarity with another name in pharmaceutical and/or prescription practices, and it appears that such errors or potential errors cannot readily be resolved through other interventions than a possible substitution of a previously recommended international nonproprietary name, or in the event that a previously recommended international nonproprietary name differs substantially from the nonproprietary name approved in a significant number of Member States, or in other such extraordinary circumstances that justify a substitution of a recommended international nonproprietary name, proposals to that effect may be filed by any interested person. Such proposals shall be submitted on the form provided therefore and shall:

i) identify the person making the proposal;

ii) state his or her interest in the proposed substitution; and

iii) set forth the reasons for the proposal; and

iv) describe, and provide documentary evidence regarding the other interventions undertaken in an effort to resolve the situation, and the reasons why these other interventions were inadequate.

Such proposals may include a proposal for a new substitute international nonproprietary name, devised in accordance with the General principles, which takes into account the pharmaceutical substance for which the new substitute international nonproprietary name is being proposed.

The Secretariat shall forward a copy of the proposal, for consideration in accordance with the procedure described in subsection (b) below, to the INN Expert Group and the original applicant or its successor (if different from the person bringing the proposal for substitution and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations).

In addition, the Secretariat shall request comments on the proposal from:

i) Member States and national and regional pharmacopoeia commissions or other bodies designated by Member States (by including a notice to that effect in the letter referred to in article 3(a), and

ii) any other persons known to be concerned by the proposed substitution.

The request for comments shall:

i) state the recommended international nonproprietary name that is being proposed for substitution (and the proposed substitute name, if provided);

ii) identify the person who submitted the proposal for substitution (if so requested by such person);

iii) identify the substance to which the proposed substitution relates and reasons put forward for substitution;

iv) set forth the time within which comments will be received and the person and place to whom they should be directed; and

v) state the authority under which WHO is acting and refer to these rules of procedure.

Comments on the proposed substitution may be forwarded by any person to WHO within four months of the date of the request for comments.

b) After the time period for comments referred to above has elapsed, the Secretariat shall forward any comments received to the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution. If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received, the INN Expert Group, the person bringing the proposal for substitution and the original applicant or its successor all agree that there is a need to substitute the previously recommended international nonproprietary name, the Secretariat shall submit the proposal for substitution to the INN Expert Group for further processing.
Notwithstanding the foregoing, the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed for substitution.

In the event that a proposal for substitution shall be submitted to the INN Expert Group for further processing, the INN Expert Group will select a new international nonproprietary name in accordance with the General principles referred to in article 2 and the procedure set forth in articles 3 to 8 inclusive. The notices to be given by the Secretariat under article 3 and article 7, respectively, including to the original applicant or its successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), shall in such event indicate that the new name is a substitute for a previously recommended international nonproprietary name and that Member States may wish to make transitional arrangements in order to accommodate existing products that use the previously recommended international nonproprietary name on their label in accordance with national legislation.

If, after consideration of the proposal for substitution and the comments received in accordance with the procedure described above, the INN Expert Group, the original applicant or its successor and the person bringing the proposal for substitution do not agree that there are compelling reasons for substitution of a previously recommended international nonproprietary name, this name shall be retained (provided always that the original applicant or its successor shall not be entitled to withhold agreement to a proposal for substitution in the event that the original applicant or its successor has no demonstrable continuing interest in the recommended international nonproprietary name proposed to be substituted). In such an event, the Secretariat shall advise the person having proposed the substitution, as well as the original applicant or its

successor (if not the same as the person proposing the substitution, and provided that the original applicant or its successor is known or can be found through diligent effort, including contacts with industry associations), Member States, national and regional pharmacopoeia commissions, other bodies designated by Member States, and any other persons known to be concerned by the proposed substitution that, despite a proposal for substitution, it has been decided to retain the previously recommended international nonproprietary name (with a description of the reason(s) why the proposal for substitution was not considered sufficiently compelling).

ANNEX 2

GENERAL PRINCIPLES FOR GUIDANCE IN DEVISING INTERNATIONAL NONPROPRIETARY NAMES FOR PHARMACEUTICAL SUBSTANCES[1]

1. International Nonproprietary Names (INN) should be distinctive in sound and spelling. They should not be inconveniently long and should not be liable to confusion with names in common use.

2. The INN for a substance belonging to a group of pharmacologically related substances should, where appropriate, show this relationship. Names that are likely to convey to a patient an anatomical, physiological, pathological or therapeutic suggestion should be avoided.

These primary principles are to be implemented by using the following secondary principles:

3. In devising the INN of the first substance in a new pharmacological group, consideration should be given to the possibility of devising suitable INN for related substances, belonging to the new group.

4. In devising INN for acids, one-word names are preferred; their salts should be named without modifying the acid name, e.g. “oxacillin” and “oxacillin sodium”, “ibufenac” and “ibufenac sodium”.

5. INN for substances which are used as salts should in general apply to the active base or the active acid. Names for different salts or esters of the same active substance should differ only in respect of the name of the inactive acid or the inactive base.
For quaternary ammonium substances, the cation and anion should be named appropriately as separate components of a quaternary substance and not in the amine-salt style.

6. The use of an isolated letter or number should be avoided; hyphenated construction is also undesirable.

7. To facilitate the translation and pronunciation of INN, “f” should be used instead of “ph”, “t” instead of “th”, “e” instead of “ae” or “oe”, and “i” instead of “y”; the use of the letters “h” and “k” should be avoided.

8. Provided that the names suggested are in accordance with these principles, names proposed by the person discovering or first developing and marketing a pharmaceutical preparation, or names already officially in use in any country, should receive preferential consideration.

9. Group relationship in INN (see General principle 2) should if possible be shown by using a common stem. The following list contains examples of stems for groups of substances, particularly for new groups. There are many other stems in active use.[2] Where a stem is shown without any hyphens it may be used anywhere in the name.

---

[1] In its Twentieth report (WHO Technical Report Series, No. 581, 1975), the WHO Expert committee on Nonproprietary Names for Pharmaceutical Substances reviewed the general principles for devising, and the procedures for selecting, INN in the light of developments in pharmaceutical compounds in recent years. The most significant change has been the extension to the naming of synthetic chemical substances of the practice previously used for substances originating in or derived from natural products. This practice involves the use of a characteristic “stem” indicative of a common property of the members of a group. The reason for, and the implications of, the change are fully discussed.
The guiding principles were updated during the 13th consultation on nonproprietary names for pharmaceutical substances (Geneva, 27-29 April 1983) (PHARM S/NOM 928 13 May 1983, revised 18 August 1983).

[2] A more extensive listing of stems is contained in the working document WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 which is regularly updated and can be requested from the INN Programme, WHO, Geneva.

Latin	*English*	
-acum	*-ac*	anti-inflammatory agents, ibufenac derivatives
-adolum	*-adol }*	analgesics
-adol-	*-adol-}*	
-astum	*-ast*	antiasthmatic, antiallergic substances not acting primarily as antihistaminics
-astinum	*-astine*	antihistaminics
-azepamum	*-azepam*	diazepam derivatives
bol	*bol*	steroids, anabolic
-cain-	*-cain-*	class I antiarrhythmics, procainamide and lidocaine derivatives
-cainum	*-caine*	local anaesthetics
cef-	*cef-*	antibiotics, cefalosporanic acid derivatives
-cillinum	*-cillin*	antibiotics, 6-aminopenicillanic acid derivatives
-conazolum	*-conazole*	systemic antifungal agents, miconazole derivatives
cort	*cort*	corticosteroids, except prednisolone derivatives
-coxibum	*-coxib*	selective cyclo-oxygenase inhibitors
-entanum	*-entan*	endothelin receptor antagonists
gab	*gab*	gabamimetic agents
gado-	*gado-*	diagnostic agents, gadolinium derivatives
-gatranum	*-gatran*	thrombin inhibitors, antithrombotic agents
gest	*gest*	steroids, progestogens
gli	*gli*	antihyperglycaemics
io-	*io-*	iodine-containing contrast media
-metacinum	*-metacin*	anti-inflammatory, indometacin derivatives
-mycinum	*-mycin*	antibiotics, produced by *Streptomyces* strains
-nidazolum	*-nidazole*	antiprotozoal substances, metronidazole derivatives
-ololum	*-olol*	β-adrenoreceptor antagonists
-oxacinum	*-oxacin*	antibacterial agents, nalidixic acid derivatives
-platinum	*-platin*	antineoplastic agents, platinum derivatives
-poetinum	*-poetin*	erythropoietin type blood factors
-pril(at)um	*-pril(at)*	angiotensin-converting enzyme inhibitors
-profenum	*-profen*	anti-inflammatory substances, ibuprofen derivatives
prost	*prost*	prostaglandins
-relinum	*-relin*	pituitary hormone release-stimulating peptides
-sartanum	*-sartan*	angiotensin II receptor antagonists, antihypertensive (non-peptidic)
-vaptanum	*-vaptan*	vasopressin receptor antagonists
vin-	*vin- }*	vinca-type alkaloids
-vin-	*-vin-}*	

ANNEXE 1

PROCEDURE A SUIVRE EN VUE DU CHOIX DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES RECOMMANDEES POUR LES SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES[1]

L'Organisation mondiale de la Santé (également désignée ci-après sous l'appellation « OMS ») observe la procédure exposée ci-dessous pour l'attribution de dénominations communes internationales recommandées pour les substances pharmaceutiques, conformément à la résolution WHA3.11 de l'Assemblée mondiale de la Santé, et pour le remplacement de telles dénominations.

Article 1 - Les propositions de dénominations communes internationales recommandées et les propositions de remplacement de telles dénominations sont soumises à l'OMS sur la formule prévue à cet effet. L'examen de telles propositions est soumis au paiement d'une taxe administrative destinée uniquement à couvrir les coûts correspondants assumés par le Secrétariat de l'OMS (« le Secrétariat »). Le montant de cette taxe est déterminé par le Secrétariat et peut être modifié de temps à autre.

[1] Voir annexe 1 dans OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975. Le texte original a été adopté par le Conseil exécutif dans sa résolution EB15.R7 et amendé dans ses résolutions EB43.R9 et EB115.R4.

Article 2 - Ces propositions sont soumises par le Secrétariat aux experts désignés à cette fin parmi les personnalités inscrites au Tableau d'experts de la Pharmacopée internationale et des Préparations pharmaceutiques, ci-après désignés sous l'appellation « le Groupe d'experts des DCI» ; elles sont examinées par les experts conformément aux « Directives générales pour la formation de dénominations communes internationales pour les substances pharmaceutiques » reproduites ci-après[1].La dénomination acceptée est la dénomination employée par la personne qui découvre ou qui, la première, fabrique et lance sur le marché une substance pharmaceutique, à moins que des raisons majeures n'obligent à s'écarter de cette règle.

Article 3 - Après l'examen prévu à l'article 2, le Secrétariat notifie qu'un projet de dénomination commune internationale est à l'étude.

a) Cette notification est faite par une insertion dans *WHO Drug Information*[2] et par l'envoi d'une lettre aux Etats Membres et aux commissions nationales et régionales de pharmacopée ou autres organismes désignés par les Etats Membres.

i) Notification est également faite à la personne qui a soumis la proposition (« le demandeur initial ») et à d'autres personnes portant à la dénomination mise à l'étude un intérêt notoire.

b) Cette notification contient les indications suivantes :

i) dénomination mise à l'étude;

ii) nom de l'auteur de la proposition tendant à attribuer une dénomination à la substance, si cette personne le demande ;

iii) définition de la substance dont la dénomination est mise à l'étude ;

iv) délai pendant lequel seront reçues les observations et les objections à l'égard de cette dénomination ; nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces observations et objections ;

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

c) En envoyant cette notification, le Secrétariat demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur la dénomination proposée pendant la période au cours de laquelle cette dénomination est mise à l'étude par l'OMS.

Article 4 - Des observations sur la dénomination proposée peuvent être adressées à l'OMS par toute personne, dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Article 5 - Toute personne intéressée peut formuler une objection formelle contre la dénomination proposée dans les quatre mois qui suivent la date de publication de la dénomination dans *WHO Drug Information* (voir l'article 3).

Cette objection doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de l'objection ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte à la dénomination en cause ;

iii) raisons motivant l'objection contre la dénomination proposée.

Article 6 - Lorsqu'une objection formelle est formulée en vertu de l'article 5, l'OMS peut soit soumettre la dénomination proposée à un nouvel examen, soit intervenir pour tenter d'obtenir le retrait de l'objection. Sans préjudice de l'examen par l'OMS d'une ou de plusieurs appellations de

[1] Voir annexe 2.

[2] Avant 1987, les listes de dénominations communes internationales étaient publiées dans la *Chronique de l'Organisation mondiale de la Santé*.

remplacement, l'OMS n'adopte pas d'appellation comme dénomination commune internationale recommandée tant qu'une objection formelle présentée conformément à l'article 5 n'est pas levée.

Article 7 - Lorsqu'il n'est formulé aucune objection en vertu de l'article 5, ou que toutes les objections présentées ont été levées, le Secrétariat fait une notification conformément aux dispositions du paragraphe a) de l'article 3, en indiquant que la dénomination a été choisie par l'OMS en tant que dénomination commune internationale recommandée.

Article 8 - En communiquant aux Etats Membres, conformément à l'article 7, une dénomination commune internationale recommandée, le Secrétariat :
a) demande que cette dénomination soit reconnue comme dénomination commune de la substance considérée ; et
b) demande aux Etats Membres de prendre les mesures nécessaires pour prévenir l'acquisition de droits de propriété sur cette dénomination et interdire le dépôt de cette dénomination comme marque ou appellation commerciale.

Article 9 -
a) Dans le cas exceptionnel où une dénomination commune internationale déjà recommandée donne lieu à des erreurs de médication, de prescription ou de distribution ou en comporte un risque démontrable, en raison d'une similitude avec une
autre appellation dans la pratique pharmaceutique et/ou de prescription, et où il apparaît que ces erreurs ou ces risques d'erreur ne peuvent être facilement évités par d'autres interventions que le remplacement éventuel d'une dénomination commune internationale déjà recommandée, ou dans le cas où une dénomination commune internationale déjà recommandée diffère sensiblement de la dénomination commune approuvée dans un nombre important d'Etats Membres, ou dans d'autres circonstances exceptionnelles qui justifient le remplacement d'une dénomination commune internationale recommandée, toute personne intéressée peut formuler une proposition dans ce sens. Cette proposition est présentée sur la formule prévue à cet effet et doit s'accompagner des indications suivantes :

i) nom de l'auteur de la proposition ;

ii) intérêt qu'il ou elle porte au remplacement proposé ;

iii) raisons motivant la proposition ; et

iv) description, faits à l'appui, des autres interventions entreprises pour tenter de régler le problème et exposé des raisons pour lesquelles ces interventions ont échoué.

Les propositions peuvent comprendre une proposition de nouvelle dénomination commune internationale de remplacement, établie conformément aux Directives générales, compte tenu de la substance pharmaceutique pour laquelle la nouvelle dénomination commune internationale de remplacement est proposée.

Le Secrétariat transmet une copie de la proposition pour examen, conformément à la procédure exposée plus loin au paragraphe b), au Groupe d'experts des DCI et au demandeur initial ou à son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles).

De plus, le Secrétariat demande aux entités et personnes ci-après de formuler des observations sur la proposition :

i) les Etats Membres et les commissions nationales et régionales de pharmacopée ou d'autres organismes désignés par les Etats Membres (en insérant une note à cet effet dans la lettre mentionnée à l'article 3.a), et

ii) toutes autres personnes portant au remplacement proposé un intérêt notoire.

La demande d'observations contient les indications suivantes :

i) dénomination commune internationale recommandée pour laquelle un remplacement est proposé (et la dénomination de remplacement proposée, si elle est fournie) ;

ii) nom de l'auteur de la proposition de remplacement (si cette personne le demande) ;

iii) définition de la substance faisant l'objet du remplacement proposé et raisons avancées pour le remplacement ;

iv) délai pendant lequel seront reçus les commentaires et nom et adresse de la personne habilitée à recevoir ces commentaires ; et

v) mention des pouvoirs en vertu desquels agit l'OMS et référence au présent règlement.

Des observations sur la proposition de remplacement peuvent être communiquées par toute personne à l'OMS dans les quatre mois qui suivent la date de la demande d'observations.

b) Une fois échu le délai prévu ci-dessus pour la communication d'observations, le Secrétariat transmet les observations reçues au Groupe d'experts des DCI, au demandeur initial ou à son successeur et à l'auteur de la proposition de remplacement. Si, après avoir examiné la proposition de remplacement et les observations reçues, le Groupe d'experts des DCI, l'auteur de la proposition de remplacement et le demandeur initial ou son successeur reconnaissent tous qu'il est nécessaire de remplacer la dénomination commune internationale déjà recommandée, le Secrétariat soumet la proposition de remplacement au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite.

Nonobstant ce qui précède, le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer.

Dans le cas où une proposition de remplacement est soumise au Groupe d'experts des DCI pour qu'il y donne suite, le Groupe choisit une nouvelle dénomination commune internationale conformément aux Directives générales mentionnées à l'article 2 et selon la procédure décrite dans les articles 3 à 8 inclus. La notification faite par le Secrétariat en vertu de l'article 3 et de l'article 7, respectivement, y compris au demandeur initial ou à son successeur (si ce n'est pas la même personne que celle qui a proposé le remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), doit dans un tel cas indiquer que la nouvelle dénomination remplace une dénomination commune internationale déjà recommandée et que les Etats Membres peuvent souhaiter prendre des mesures transitoires pour les produits existants qui utilisent la dénomination commune internationale déjà recommandée sur leur étiquette conformément à la législation nationale.

Si, après examen de la proposition de remplacement et des observations communiquées conformément à la procédure exposée plus haut, le Groupe d'experts des DCI, le demandeur initial ou son successeur et l'auteur de la proposition de remplacement ne s'accordent pas sur le fait qu'il y a des raisons impératives de remplacer une dénomination commune internationale déjà recommandée, cette dernière est conservée (étant entendu toujours que le demandeur initial ou son successeur n'est pas habilité à refuser son accord à une proposition de remplacement au cas où il ne peut être démontré qu'il porte un intérêt durable à la dénomination commune internationale recommandée qu'il est proposé de remplacer). Dans un tel cas, le Secrétariat informe l'auteur de la proposition de remplacement, ainsi que le demandeur initial ou son successeur (s'il s'agit d'une personne différente de celle qui a formulé la proposition de remplacement et pour autant que le demandeur initial ou son successeur soit connu ou puisse être retrouvé moyennant des efforts diligents, notamment des contacts avec les associations industrielles), les Etats Membres, les commissions nationales et régionales de pharmacopée, les autres organismes désignés par les Etats Membres et toutes autres personnes portant un intérêt notoire au remplacement proposé que, malgré une proposition de remplacement, il a été décidé de conserver la dénomination commune internationale déjà recommandée (avec une brève description de la ou des raisons pour lesquelles la proposition de remplacement n'a pas été jugée suffisamment impérative).

ANNEXE 2

DIRECTIVES GENERALES POUR LA FORMATION DE DENOMINATIONS COMMUNES INTERNATIONALES APPLICABLES AUX SUBSTANCES PHARMACEUTIQUES[1]

1. Les dénominations communes internationales (DCI) devront se distinguer les unes des autres par leur consonance et leur orthographe. Elles ne devront pas être d'une longueur excessive, ni prêter à confusion avec des appellations déjà couramment employées.

2. La DCI de chaque substance devra, si possible, indiquer sa parenté pharmacologique. Les dénominations susceptibles d'évoquer pour les malades des considérations anatomiques, physiologiques, pathologiques ou thérapeutiques devront être évitées dans la mesure du possible.

Outre ces deux principes fondamentaux, on respectera les principes secondaires suivants :

3.Lorsqu'on formera la DCI de la première substance d'un nouveau groupe pharmacologique, on tiendra compte de la possibilité de former ultérieurement d'autres DCI appropriées pour les substances apparentées du même groupe.

4. Pour former des DCI des acides, on utilisera de préférence un seul mot. Leurs sels devront être désignés par un terme qui ne modifie pas le nom de l'acide d'origine : par exemple «oxacilline» et «oxacilline sodique», «ibufénac» et «ibufénac sodique».

5. Les DCI pour les substances utilisées sous forme de sels devront en général s'appliquer à la base active (ou à l'acide actif). Les dénominations pour différents sels ou esters d'une même substance active ne différeront que par le nom de l'acide inactif (ou de la base inactive).
En ce qui concerne les substances à base d'ammonium quaternaire, la dénomination s'appliquera de façon appropriée au cation et à l'anion en tant qu'éléments distincts d'une substance quaternaire. On évitera de choisir une désignation évoquant un sel aminé.

6. On évitera d'ajouter une lettre ou un chiffre isolé ; en outre, on renoncera de préférence au trait d'union.

7. Pour simplifier la traduction et la prononciation des DCI, la lettre « f » sera utilisée à la place de « ph », « t » à la place de « th », « e » à la place de « ae » ou « oe », et « i » à la place de « y » ; l'usage des lettres « h » et « k » sera aussi évité.

8. On retiendra de préférence, pour autant qu'elles respectent les principes énoncés ici, les dénominations proposées par les personnes qui ont découvert ou qui, les premières, ont fabriqué et lancé sur le marché les préparations pharmaceutiques considérées, ou les dénominations déjà officiellement adoptées par un pays.

9. La parenté entre substances d'un même groupe (voir Directive générale 2) sera si possible indiquée dans les DCI par l'emploi de segments-clés communs. La liste ci-après contient des exemples de segments-clés pour des groupes de substances, surtout pour des groupes récents. Il y a beaucoup d'autres segments-clés en utilisation active.[2] Les segments-clés indiqués sans trait d'union pourront être insérés n'importe où dans une dénomination.

---

[1] Dans son vingtième rapport (OMS, Série de Rapports techniques, N° 581, 1975), le Comité OMS d'experts des Dénominations communes pour les Substances pharmaceutiques a examiné les directives générales pour la formation des dénominations communes internationales et la procédure à suivre en vue de leur choix, compte tenu de l'évolution du secteur pharmaceutique au cours des dernières années. La modification la plus importante a été l'extension aux substances de synthèse de la pratique normalement suivie pour désigner les substances tirées ou dérivées de produits naturels. Cette pratique consiste à employer des syllabes communes ou groupes de syllabes communes (segments-clés) qui sont caractéristiques et indiquent une propriété commune aux membres du groupe des substances pour lequel ces segments-clés ont été retenus. Les raisons et les conséquences de cette modification ont fait l'objet de discussions approfondies.
Les directives ont été mises à jour lors de la treizième consultation sur les dénominations communes pour les substances pharmaceutiques (Genève, 27-29 avril 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 mai 1983, révision en date du 18 août 1983).

[2] Une liste plus complète de segments-clés est contenue dans le document de travail WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1 qui est régulièrement mis à jour et qui peut être demandé auprès du programme des DCI, OMS, Genève

Latin	Français	
-acum	*-ac*	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibufénac
-adolum	*-adol* }	analgésiques
-adol-	*-adol-* }	
-astum	*-ast*	antiasthmatiques, antiallergiques n'agissant pas principalement en tant qu'antihistaminiques
-astinum	*-astine*	antihistaminiques
-azepamum	*-azépam*	substances du groupe du diazépam
bol	*bol*	stéroïdes anabolisants
-cain-	*-caïn-*	antiarythmiques de classe I, dérivés du procaïnamide et de la lidocaïne
-cainum	*-caïne*	anesthésiques locaux
cef-	*céf-*	antibiotiques, dérivés de l'acide céphalosporanique
-cillinum	*-cilline*	antibiotiques, dérivés de l'acide 6-aminopénicillanique
-conazolum	*-conazole*	agents antifongiques systémiques du groupe du miconazole
cort	*cort*	corticostéroïdes, autres que les dérivés de la prednisolone
-coxibum	*-coxib*	inhibiteurs sélectifs de la cyclo-oxygénase
-entanum	*-entan*	antagonistes du récepteur de l'endothéline
gab	*gab*	gabamimétiques
gado-	*gado-*	agents diagnostiques, dérivés du gadolinium
-gatranum	*-gatran*	antithrombines, antithrombotiques
gest	*gest*	stéroïdes progestogènes
gli	*gli*	antihyperglycémiants
io-	*io-*	produits de contraste iodés
-metacinum	*-métacine*	substances anti-inflammatoires du groupe de l'indométacine
-mycinum	*-mycine*	antibiotiques produits par des souches de *Streptomyces*
-nidazolum	*-nidazole*	substances antiprotozoaires du groupe du métronidazole
-ololum	*-olol*	antagonistes des récepteurs β-adrénergiques
-oxacinum	*-oxacine*	substances antibactériennes du groupe de l'acide nalidixique
-platinum	*-platine*	antinéoplasiques, dérivés du platine
-poetinum	*-poétine*	facteurs sanguins de type érythropoïétine
-pril(at)um	*-pril(ate)*	inhibiteurs de l'enzyme de conversion de l'angiotensine
-profenum	*-profène*	substances anti-inflammatoires du groupe de l'ibuprofène
prost	*prost*	prostaglandines
-relinum	*-réline*	peptides stimulant la libération d'hormones hypophysaires
-sartanum	*-sartan*	antagonistes d'un récepteur de l'angiotensine II, antihypertenseurs (non peptidiques)
-vaptanum	*-vaptan*	antagonistes du récepteur de la vasopressine
vin-	*vin-* }	alcaloïdes du type vinca
-vin-	*-vin-* }	

ANEXO 1

PROCEDIMIENTO DE SELECCIÓN DE DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES RECOMENDADAS PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS[1]

La Organización Mundial de la Salud (OMS) seguirá el procedimiento que se expone a continuación tanto para seleccionar denominaciones comunes internacionales recomendadas para las sustancias farmacéuticas, de conformidad con lo dispuesto en la resolución WHA3.11, como para sustituir esas denominaciones.

Artículo 1 - Las propuestas de denominaciones comunes internacionales recomendadas y las propuestas de sustitución de esas denominaciones se presentarán a la OMS en los formularios que se proporcionen a estos efectos. El estudio de estas propuestas estará sujeto al pago de una tasa destinada a sufragar los costos de administración que ello suponga para la Secretaría de la OMS («la Secretaría»). La Secretaría establecerá la cuantía de esa tasa y podrá ajustarla periódicamente.

Artículo 2 - Estas propuestas serán sometidas por la Secretaría a los miembros del Cuadro de Expertos en Farmacopea Internacional y Preparaciones Farmacéuticas encargados de su estudio, en adelante designados como «el Grupo de Expertos en DCI», para que las examinen de conformidad con los «Principios generales de orientación para formar denominaciones comunes internacionales para sustancias farmacéuticas», anexos a este procedimiento.[2] A menos que haya poderosas razones en contra, la denominación aceptada será la empleada por la persona que haya descubierto o fabricado y comercializado por primera vez esa sustancia farmacéutica.

Artículo 3 - Tras el examen al que se refiere el artículo 2, la Secretaría notificará que está en estudio un proyecto de denominación internacional.

a) Esa notificación se hará mediante una publicación en *Información Farmacéutica OMS*[3] y el envío de una carta a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros.

i) La notificación será enviada también a la persona que haya presentado la propuesta («el solicitante inicial») y a otras personas que tengan un interés especial en una denominación objeto de estudio.

b) En esa notificación se incluirán los siguientes datos:

i) la denominación sometida a estudio;

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de denominación de la sustancia, si lo pide esa persona;

iii) la identidad de la sustancia cuya denominación está en estudio;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones y objeciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

---

[1] Véase el anexo 1 en OMS, Serie de Informes Técnicos, Nº 581, 1975. El texto vigente fue adoptado por el Consejo Ejecutivo en su resolución EB15.R7 y modificado en las resoluciónes EB43.R9 y EB115.R4..

[2] Véase el anexo 2.

[3] Hasta 1987 las listas de DCI se publicaban en la *Crónica de la Organización Mundial de la Salud*.

c) Al enviar esa notificación, la Secretaría solicitará de los Estados Miembros la adopción de todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación propuesta, durante el periodo en que la OMS la tenga en estudio.

Artículo 4 - Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.

Artículo 5 - Toda persona interesada puede presentar una objeción formal a una denominación propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a su publicación en *Información Farmacéutica OMS*, conforme a lo dispuesto en el artículo 3.
Esa objeción deberá acompañarse de los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que formula la objeción;

ii) las causas que motivan su interés por la denominación; y

iii) las causas que motivan su objeción a la denominación propuesta.

Artículo 6 - Cuando se haya presentado una objeción formal en la forma prevista en el artículo 5, la OMS podrá reconsiderar el nombre propuesto o utilizar sus buenos oficios para intentar lograr que se retire la objeción. La OMS no seleccionará como denominación común internacional una denominación a la que se haya hecho una objeción formal, presentada según lo previsto en el artículo 5, que no haya sido retirada, todo ello sin perjuicio de que la Organización examine otra denominación o denominaciones sustitutivas.

Artículo 7 - Cuando no se haya formulado ninguna objeción en la forma prevista en el artículo 5, o cuando todas las objeciones presentadas hayan sido retiradas, la Secretaría notificará, conforme a lo dispuesto en el párrafo *a*) del artículo 3, que la denominación ha sido seleccionada por la OMS como denominación común internacional recomendada.

Artículo 8 - Al comunicar a los Estados Miembros una denominación común internacional, conforme a lo previsto en el artículo 7, la Secretaría:

a) solicitará que esta denominación sea reconocida como denominación común para la sustancia de que se trate; y

b) solicitará a los Estados Miembros que adopten todas las medidas necesarias para impedir la adquisición de derechos de patente sobre la denominación, y prohíban que sea registrada como marca de fábrica o como nombre comercial.

Artículo 9
a) En el caso excepcional de que, debido a su semejanza con otra denominación utilizada en las prácticas farmacéuticas y/o de prescripción, una denominación común internacional recomendada anteriormente ocasione errores de medicación, prescripción o distribución, o suponga un riesgo manifiesto de que esto ocurra, y parezca que tales errores o potenciales errores no sean fácilmente subsanables con otras medidas que no sean la posible sustitución de esa denominación común internacional recomendada anteriormente; en el caso de que una denominación común internacional recomendada anteriormente difiera considerablemente de la denominación común aprobada en un número importante de Estados Miembros, o en otras circunstancias excepcionales que justifiquen el cambio de una denominación común internacional recomendada, cualquier persona interesada puede presentar propuestas en este sentido. Esas propuestas se presentarán en los formularios que se proporcionen a estos efectos e incluirán los siguientes datos:

i) la identidad de la persona que presenta la propuesta;

ii)las causas que motivan su interés en la sustitución propuesta;

iii) las causas que motivan la propuesta; y

iv) una descripción, acompañada de pruebas documentales, de las otras medidas que se hayan adoptado con el fin de resolver la situación y de los motivos por los cuales dichas medidas no han sido suficientes.

Entre esas propuestas podrá figurar una relativa a una nueva denominación común internacional sustitutiva, formulada con arreglo a los Principios generales y que tenga en cuenta la sustancia farmacéutica para la que se proponga la nueva denominación común internacional sustitutiva.

La Secretaría enviará al Grupo de Expertos en DCI y al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que sea una persona diferente de la que ha presentado la propuesta de sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales) una copia de la propuesta, para que sea examinada de conformidad con el procedimiento descrito en el párrafo *b*) *infra*.
Además, la Secretaría solicitará observaciones sobre la propuesta:

i) a los Estados Miembros y a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas u otros organismos designados por los Estados Miembros (ello se hará incluyendo una notificación a tal efecto en la carta a la que se refiere el párrafo *a*) del artículo 3), y

ii) a cualquier persona que tenga un interés especial en la sustitución propuesta.

Al solicitar que se formulen estas observaciones se facilitarán los siguientes datos:

i) la denominación común internacional recomendada que se propone sustituir (y la denominación sustitutiva propuesta, si se ha facilitado);

ii) la identidad de la persona que ha presentado la propuesta de sustitución (si lo pide esa persona);

iii) la identidad de la sustancia a la que se refiere la sustitución propuesta y las razones para presentar la propuesta de sustitución;

iv) el plazo fijado para recibir observaciones, así como el nombre y la dirección de la persona a quien deban dirigirse; y

v) los poderes conferidos para el caso a la OMS y una referencia al presente procedimiento.

Toda persona puede formular a la OMS observaciones sobre la sustitución propuesta dentro de los cuatro meses siguientes a la fecha en que se realizó la solicitud de observaciones.

b) Una vez agotado el mencionado plazo para la formulación de observaciones, la Secretaría enviará todos los comentarios recibidos al Grupo de Expertos en DCI, al solicitante inicial o a su sucesor, y a la persona que haya presentado la propuesta de sustitución. Si después de examinar la propuesta de sustitución y las observaciones recibidas, el Grupo de Expertos en DCI, la persona que haya presentado la propuesta de sustitución y el solicitante inicial, o su sucesor, están de acuerdo en la necesidad de sustituir la denominación común internacional recomendada anteriormente, la Secretaría remitirá la propuesta de sustitución al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite.
No obstante lo anterior, el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone.

En caso de que la propuesta de sustitución sea presentada al Grupo de Expertos en DCI para que la tramite, este grupo seleccionará una nueva denominación común internacional de conformidad con los Principios generales a los que se refiere el artículo 2 y al procedimiento establecido en los artículos 3 a 8 inclusive. En ese caso, en las notificaciones que la Secretaría ha de enviar con arreglo a los artículos 3 y 7, respectivamente, incluida la notificación al solicitante

inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), se indicará que la nueva denominación sustituye a una denominación común internacional recomendada anteriormente y que los Estados Miembros podrán, si lo estiman oportuno, adoptar disposiciones transitorias aplicables a los productos existentes en cuya etiqueta se utilice, con arreglo a la legislación nacional, la denominación común internacional recomendada anteriormente que se haya sustituido.

En caso de que, después de haber estudiado la propuesta de sustitución y los comentarios recibidos de conformidad con el procedimiento descrito anteriormente, el Grupo de Expertos en DCI, el solicitante inicial o su sucesor y la persona que haya presentado la propuesta de sustitución no lleguen a un acuerdo sobre la existencia de razones poderosas para sustituir una denominación común internacional recomendada anteriormente, esta denominación se mantendrá (siempre en el entendimiento de que el solicitante inicial o su sucesor no tendrán derecho a impedir el acuerdo sobre una propuesta de sustitución en el caso de que hayan dejado de tener un interés demostrable en la denominación común internacional cuya sustitución se propone). En ese caso, la Secretaría comunicará a la persona que haya propuesto la sustitución, así como al solicitante inicial o a su sucesor (en el caso de que no sea la misma persona que propuso la sustitución y siempre que el solicitante inicial o su sucesor sean conocidos o puedan ser encontrados mediante esfuerzos diligentes, como el contacto con las asociaciones industriales), a los Estados Miembros, a las comisiones nacionales y regionales de las farmacopeas o a otros organismos designados por los Estados Miembros y a cualquier otra persona que tenga interés en la sustitución propuesta, que, pese a la presentación de una propuesta de sustitución, se ha decidido mantener la denominación común internacional recomendada anteriormente (con una descripción de la o las razones por las que se ha considerado que la propuesta de sustitución no estaba respaldada por razones suficientemente poderosas).

ANEXO 2

PRINCIPIOS GENERALES DE ORIENTACIÓN PARA FORMAR DENOMINACIONES COMUNES INTERNACIONALES PARA SUSTANCIAS FARMACÉUTICAS[1]

1. Las denominaciones comunes internacionales (DCI) deberán diferenciarse tanto fonética como ortográficamente. No deberán ser incómodamente largas, ni dar lugar a confusión con denominaciones de uso común.

2. La DCI de una sustancia que pertenezca a un grupo de sustancias farmacológicamente emparentadas deberá mostrar apropiadamente este parentesco. Deberán evitarse las denominaciones que puedan tener connotaciones anatómicas, fisiológicas, patológicas o terapéuticas para el paciente.

Estos principios primarios se pondrán en práctica utilizando los siguientes principios secundarios:

3. Al idear la DCI de la primera sustancia de un nuevo grupo farmacológico, deberá tenerse en cuenta la posibilidad de poder formar DCI convenientes para las sustancias emparentadas que se agreguen al nuevo grupo.

4. Al idear DCI para ácidos, se preferirán las de una sola palabra; sus sales deberán denominarse sin modificar el nombre del ácido: p. ej. «oxacilina» y «oxacilina sódica», «ibufenaco» y «ibufenaco sódico».

[1] En su 20º informe (OMS, Serie de Informes Técnicos, Nº 581, 1975), el Comité de Expertos de la OMS en Denominaciones Comunes para las Sustancias Farmacéuticas revisó los Principios generales para formar denominaciones comunes internacionales (DCI), y su procedimiento de selección, a la luz de las novedades registradas en los últimos años en materia de compuestos farmacéuticos. El cambio más importante había consistido en hacer extensivo a la denominación de sustancias químicas sintéticas el método utilizado hasta entonces para las sustancias originadas en productos naturales o derivadas de éstos. Dicho método conlleva la utilización de una «partícula» característica que indica una propiedad común a los miembros de un grupo. En el citado informe se examinan en detalle las razones y consecuencias de este cambio.
Los Principios generales de orientación se actualizaron durante la 13ª consulta sobre denominaciones comunes para sustancias farmacéuticas (Ginebra, 27 a 29 de abril de 1983) (PHARM S/NOM 928, 13 de mayo de 1983, revisado el 18 de agosto de 1983).

5. Las DCI para las sustancias que se usan en forma de sal deberán en general aplicarse a la base activa o al ácido activo. Las denominaciones para diferentes sales o esteres de la misma sustancia activa solamente deberán diferir en el nombre del ácido o de la base inactivos.
En los compuestos de amonio cuaternario, el catión y el anión deberán denominarse adecuadamente por separado, como componentes independientes de una sustancia cuaternaria y no como sales de una amina.

6. Deberá evitarse el empleo de letras o números aislados; también es indeseable el empleo de guiones.

7. Para facilitar la traducción y la pronunciación, se emplearán de preferencia las letras «f» en lugar de «ph», «t» en lugar de «th», «e» en lugar de «ae» u «oe», e «i» en lugar de «y»; se deberá evitar el empleo de las letras «h» y «k».

8. Siempre que las denominaciones propuestas estén de acuerdo con estos principios, recibirán una consideración preferente las denominaciones propuestas por la persona que haya descubierto las sustancias, o que fabrique y comercialice por primera vez una sustancia farmacéutica, así como las denominaciones ya adoptadas oficialmente en cualquier país.

9. El parentesco entre sustancias del mismo grupo se pondrá de manifiesto en las DCI (véase el Principio 2) utilizando una partícula común. En la lista que figura a continuación se indican ejemplos de partículas para grupos de sustancias, en particular para grupos nuevos. Existen muchas otras partículas que se usan habitualmente.[1] Cuando una partícula aparece sin guión alguno, puede utilizarse en cualquier lugar de la palabra.

Latin	**Español**	
-acum	*-aco*	antiinflamatorios derivados del ibufenaco
-adolum	*-adol*)	analgésicos
-adol-	*-adol-*)	
-astum	*-ast*	antiasmáticos, sustancias antialérgicas cuya acción principal no es la antihistamínica
-astinum	*-astina*	antihistamínicos
-azepamum	*-azepam*	derivados del diazepam
bol	*bol*	esteroides anabolizantes
-cain-	*-caína-*	antiarrítmicos de clase I, derivados de procainamida y lidocaína
-cainum	*-caína-*	anestésicos locales
cef-	*cef-*	antibióticos, derivados del ácido cefalosporánico
-cillinum	*-cilina*	antibióticos derivados del ácido 6-aminopenicilánico
-conazolum	*-conazol*	antifúngicos sistémicos derivados del miconazol
cort	*cort*	corticosteroides, excepto derivados de prednisolona
-coxibum	*-coxib*	inhibidores selectivos de ciclooxigenasa
-entanum	*-entán*	antagonistas del receptor de endotelina
gab	*gab*	gabamiméticos
gado-	*gado-*	agentes para diagnóstico derivados de gadolinio
-gartranum	*-gatrán*	inhibidores de la trombina antitrombóticos
gest	*gest*	esteroides progestágenos
gli	*gli*	hipoglucemiantes,antihiperglucémicos
io-	*io-*	medios de contraste iodados
-metacinum	*-metacina*	antiinflamatorios derivados de indometacina
-mycinum	*-micina*	antibióticos producidos por cepas de *Streptomyces*
-nidazolum	*-nidazol*	antiprotozoarios derivados de metronidazol
-ololum	*-olol*	antagonistas de receptores β-adrenérgicos

[1] En el documento de trabajo WHO/EMP/RHT/TSN/2018.1, que se actualiza periódicamente y puede solicitarse al Programa sobre Denominaciones Comunes Internacionales, OMS, Ginebra, figura una lista más amplia de partículas.

-oxacinum	*-oxacino*	antibacterianos derivados del ácido nalidíxico
-platinum	*-platino*	antineoplásicos derivados del platino
-poetinum	*-poetina*	factores sanguíneos similares a la eritropoyetina
-pril(at)um	*-pril(at)*	inhibidores de la enzima conversora de laangiotensina
-profenum	*-profeno*	antiinflamatorios derivados del ibuprofeno
prost	*prost*	prostaglandinas
-relinum	*-relina*	péptidos estimulantes de la liberación de hormonas hipofisarias
-sartanum	*-sartán*	antihipertensivos (no peptídicos) antagonistas del
-vaptanum	*-vaptán*	antagonistas del receptor de vasopresina
vin-	*vin-)*	alcaloides de la vinca
-vin-	*-vin-)*	